>BB0001

MILMKYSAILLICSVNLFCFQNKLTTSRWEFPKEDLIKKKIKIGIIYHNYINSIFYNENYKYIAFIGILTSYNEWIEIQFSPINFFTIPTNKDFISNTYFNLAFTIYITKYSILTDTLAIKFFIGTQIDLTLRTTIFTGKTTHAFLYPILPIITFKFEIDFIPNNYSIYYKLSTSFKEFILLDLGISIFI

>BB0002

MDFLKTFSFLFFSFFCLNLIAIESLPEIDYEYFNKDKSDLVDLIKFLGELDFQTILKDRNLFIGIRNLTNFKNVQELNIDDINRIKKINPIGIILFRENLKDAEQTKGLINAIKSHIGHDIFIAIDEEGGIVSRASENKKMGVYNFPAMEHVGGVKDLHLIYKIGEVLAKQLRRLGINLNMAPVADIKFAPHTPLLNRTFGGYSAYNIGLMVEAFIDGMQNNGVFSAIKHFPGLGGTTTDTHKYLAFLPYSKSFLMLNNFVPFVFGRAAKFIMIGHVNVPKISKDITSMSKSIVNIIRENLNITSIMMTDSYDMGAITRSFSNIENAIKKSLSSGVNIVLIP

>BB0003

MRYHENIFNISDEILRFKFNKGLVEDNLKKYFHDFSKFLQSEEGDCYIFSSCDLENLGLMLFPYLSFGILNGGSATSYFDLAKNRALNEDLYMLYESKILEFKEKFGEFPKGITPAYINKDGSFGFSFLALKIRHLLMVAKRYESFCGKMIKPSIFQMTSCKTDEFISKSLDDLFADDLIKSVNFCNLKKEDVFTAVQPLVYCYEKLNSSNYQYFTLKDNKNANSILALPAGHGQNFKILKDIYLKLYESGKRFIYIGNVDNMGFTINFKALALMALTNCSSGFEFSFKSKADFKGGILAVNGENRLTCVDIGGGISSEIVQEFENKGNRLLFNCATGLFNLEYLIKNIDEIIEKMPIRIIEQDKEIGKYISVEQITWEVLKLIENPLILTVDRNRRFLPAKLFINMLLNSNLEDICGYCCKKGIDNSAKNFSALPDLLSKDYGLLCGLYKWTF

>BB0004

MLKQYSLNMKNFKKAFDEMIFSPSGFRKIFAKSKNEDSTENEINNKDKALIALIIFTISNYFKNESKPYIGLGLDSRPTGNIIAEITIKILITNKEKIRFFGILPITEILAYTKNSKDSKGFIYISASHNPIGYNGIKIGLNDGGVLNSAKANEIIQQIKKNSQNEKLISHLINTLNKFDEDKSNLEYYNKIIKLERKNKNQSYEAYKSLIHEIAYENDINNKNIEILKKRILKNPIGIIAEMNGSSRINSIDKELIESLGLKVKLYNDEIGIFKHSIIPEGKSLNECKKLLQNKYIQDNSFELGYVPDCDGDRGNLVFIDKATNTANIIEAQKIFALVVISELSYLYYTGIKNNIAIVTNDATSLNIEKIANFFNAKVYRVEVGEANLTEMADDLRAQGLIVKISGEGSNGGCIIHPSRVRDPITTLLSIVKLLKMKELYQIWCKLSKNHYKEKYDLKDILNTTNFYSNVIVSSKKANLTNLKIENQEILKSNYENLLIKEIKSNKLFQELSVVDYEIINYEGKRQSKIRTGDSSGGLKVLLKTNKEIVATLWMRISKTEPVTRVLSEVIYTKRNILFKLLEFNKKLIKKANLPNN

>BB0005

MILKRKVMLTGDRPTGALHLGHYVGSVVNRLKFQEEYETYFIIADLHTLTTKPDLKSINTIPSNVREMVLDYLACGINPDKVSIYLQSAIPELFELHLIFSMIVTVARLQRIPSIKDMSIAAGLKEIPYGLLGYPVLMSADILMTKANLVPVGRDNESHIEFARELARRFNHLYKNNFFPIPESVFTDSRPLVGIYGKNKMSKSLDNAIFLNDDENLLEKKIMSMYTDPNRIRADIPGNVEGNPIFIYHSFFNSNHEEVEDLKSRYKKGKVGDVEVKKKLFLALNSFLKPIRDKRSFYEAKKKDYIDEIIFDGTSKARFIANKVVKDVKDLIGLSKTWNGIKYSAEKKLKNEE

>BB0006

MIKAVKKRKEGNMLKDLNTNQGLKPWRVESVFYCIVIVLIFIGAFKIAEAVFKPLAISIVLGFLVYPVYTFLARFKVPKFLIVFIIFFLLFSFSYLIFSFVYYSVTVLMKQLPYYQNQLAFIMKDVLSRYKVDSSVINDVNFSGYIYPFLTRAYNEIIGFTSSLVVVFLLLYFLLSEIHVFEMKLDKAFKKPISTRFIGALDTINNQIGKYLGIKILVSCLTGILVFIGLTLFGQDFPLVWAVLSFVFNFIPSIGSILAVFFIVITSLIQFYPNLNIVLYVFIYNTSIQMLIGNILEPKMQGKRLDISPFLLLCFLFFWGWLWGIVGLLISYPFTVIVKVIVDNVSWLKSFSVFLGGSEILSNISHISSKDKEI

>BB0007

MNERENIIALIFDFDNTLIYGNMQQVLFDEYCVDSCSFWREVEGLEYVYKQNGYNIISNEMIYLSHFLTYVREGFFESLDNRALFNLGAKLRFFEGVIGLFDEISEINKKLENSKSQIKIYIVSSGFRQMILGSKIAPYVSKVWACEFIDSYLMPFYELRDDKFSKNKILSSVCYFVDHTIKTRVIFEINKGSYEKINERVPKSKRQIPFKNIFYIADGFSDVPAFEILNNILKHCRNTLTVYHGNDKNAKKLFYENRVGDFAEANYTKGTKLYNWIMEKICLSV

>BB0008

MSRKFMIDINDLNQIKDTFSRILDLSLISILVYYIYKNVINSYSTNLLKGMLIIISVGIISYYLNLYTISWLLNYIANILPIAIVILFNQEIKKIIMQIGNFNLAFKLSNKKEETLKVISEILKAVKHLSENKSGSLICIEKKIQLEQIINKGTKIDALISSELLISLFERETPLHDGAVIISKNKLKYAGSFLPLSNVDSISKAFGTRHRAGLGISENSDAITIITSEETGSISITINAKLEYNLSLSEIRNKLNLELIE

>BB0009

MEIGKKIINIIKLLFDDWQNKAISILIAILMFVAFNFNKIESITTEKEFKIILNDQIALGKIPDFSKIKITIKVNKDDLKYLDLNKIILFIEASSIKIPGSYKLPIKIKNLNSIHIAEYKLSKTNVLLNLDNKVSKLVKIEPKFKLIEKDGKGEYFIAKYNILPENLLVYGPEQELKKINTIQTNVKEFDTRTLFVSDYLEVVPPNPLVMFEKSHVVVNIYLNKKYSNTTIKSPNLIFNNLKNGLEIKDKEKIINSENKMFVKIKTRLSEKQIKAHINNQNISLAFDLADIKTPGIYNIAANIILKENINETEIYDYEPKKIKLEIIESSEIKP

>BB0010

MKSIGCDIIKVERFKNFLENKKKMERFFTHKEIENFKLKGGSIIESLAGKFAAKESLIKALSPLLQYKINYTLKDIEVIKSLKGNAEFCLHNEVEKFAIKMNLKLYLTISHEKEYAIAFVIVEN

>BB0011

MKKISYFTKEKIECPVCSFKFQKEEFLTGSSRLIAGELKIDLKREYIKNDKYGNIYPRIYSITVCPKCYFAAFPSEFNSIPKNKKEILQNKKYERKKINTIFDNMLNFSKPRTLKEGAASYILAMLSYEHLEKNYNPTLNQAKSAIRAAWTFEDLEKEEPNKNYNYLQKIFYHKAAYLYKLVIEKDKDNSEPVSASTMFGPDTDKNYGYDSVLYLSGLLEYFYGNKDNKEYRYKQLNDIKTTLSKIAGMGKFSKEKPSILLDKIKEVYFKISKEMKNLK

>BB0012

MKKILAEIAYDGSIYHGFQIQPTKPTVQGEIEKALMKINKKKVKIHSSGRTDKGVHAKKQIITFDIKINIQLNNLKKALNAILLKNSIKILKLRYVKNSFHPRFSAQKRKYSYCILNSDNYYPWEGYQAHYVNKKLSISNLNQMAKTLIGKHDFTTFSCIKDKSKSKFRHIYFAKFKKRGKYIIFEIIGSSFLWKMVRSIIGTMLDIEIKNESISTFETILKSKNRNLARTTAPANALFLERVYYE

>BB0013

MNNSVLTKKLFLLKILTNNIEGKITENFEEIDNEIKQKIEKAKNTKIYQKNENSKEPAKLPLENQNSKNILLNNSLQEKGINDQIIIYVNKNYLNEPSRDIITKWCKSINIYNYKIIDTIESLNLEISNKNPKAILSCEEIDFFLNQPLRIHIVRGIELRFKGIPLVFTYLPTNQIKNPELKKEIWQDLKIIKGIIKYG

>BB0014

MVEHYHSTYYYEIAINIPLNKLFFYKFNLNLEIGIRVMVNFNGSNKIGIIIKKYFENEFKEKFEFKIKEIIKIIDTTKIITEHNIDLAHWISKKTFSGFGETLFFGLPQNSKAKKNQTLPSINEHPDHKKCLELNNEQQNIYKEIIGSEKTNVFYLFGIPGSGKTEIFIKLCEYYLALEQQVLFLIPEISLGYQIIKRIKYALNMHHKIYEYNSKVPNSDKNLIWNKVKNGESLVVIGIKSVLMLPFTKLKLIIMDEEHETTYKSENIPRFHSRHISFFLQKKFNAKFVMGSATPSLEAYHAMKNNQIKKIIMQNKFSQSKIEDIKIINMKKEPSTISSELLYSIQKSLNEKRQSLIFINKRGYLKNLECNECGHIICCPNCSFGLIYHKKENKLLCHYCSYKTKTASHCPQCESKDIKYKTYGIQLVEKELKKFLPNAKIARIDSDITKIENIDSINKFENKEIDILIGTQIIAKGFNFENIKTLGIINADIGMGLPDFRSGERIFTTLSQIMGRAARFKDDNIIIIQTKNPNYYAIKYAYKNQYEQFYEEELDIRKKLNYPPFNKIIRIIFRSKNEESAKQKCWEFFEKSKEFLQEEIEHLGPSEAIMKKISKNYRYNIIYLSKSYSLLEKLVNKTKEKVKMTSTVYIEIDYYPISLI

>BB0015

MMAKIIGISGGSGSGKTTVVSKISEFIPEFVLISQDNYYKSVGDYEHEFSKVNFDHPDAFDNNLFYEHLKNLKKNSPIDMPLYDFINHKRQLKTVLVVPTPVVIVEGIMIFVEERVRNLIDLKIYIDTPNDIRFIRRLRRDISKRGRTVESVIDQYLNTTRWGYYRFIEPTKEYADLIIPEGGHNDKALYVLSTFLKSLSKEGLDFT

>BB0016

MAMNYARFAVLIVLLFFYIWFFIILRMKRTNLFLLEKIQNGAKILDIRSPKEYSKSHYLKSINIPFNNLFAKKDKLGDFESPIIVYGKSFNKSYEAKKVLKSMGFKNVFVAGTLKDMPQAKKEVG

>BB0017

MKKKKKIRCRRIKKKLKLLLLILIKKLKTITKNPKLIFDSTIQITLGSALMAISTNVLYIPHGLLSGGIGGISLMLHYLLSFNLGWTIFALNIPLFLIGIKFLNLTFIIQSWISMGLYSIIINHSQFLQNKIHLNDMMLVSILAGLISGLGLGLIFKGKGSSGGSDIIAMIIKEKYSISIGTTNFVVNLVVLILATFFFNIEIALYTLIASFVTSIMTDKTSTGFGNQKAILIISDKGKEIAYLLTNKLKLAATLIDGKGAWAGTEKTIVFIVVPIMRLSRIKYISQKVDPNCFITVINTNEITGGKIITDPISLKQEI

>BB0018

MPCLIIFFNDMIRVKREFTVKENALRLDLYLSGNFEVFTRSQIKRRNVEAFKKSNGKFLKIKLSKPVFKDDEILIEFDEESSQIDCLRPSNIPIAIIYEDSNVIVLNKPQGILSHPGISHWDDTVVNFLLYHIKSLKINFNEEKIRPGIVHRLDKDTSGVLICAKNISTLRFLAQQFKDKRTNKVYIAIVKGNFNSFFGSIESFIDRDKHNRKKFSVSKDRGKKALTEYRLLLNFGEYSLLALKPKTGRTHQLRVHMKYLNFPILGDEVYGRVDGSLKKITLMLHSYKLEIDVGKNSFKKFISEFPKRFVIFLSNFYKSDELNLIIDNLVLFLRDF

>BB0019

MFIVSLLLLFSVLNVYSNSLDYFKSNFNYLKLSDAKSLPLQDKSTSSGNFVSHKKNNNMSVADNDDSFLYKNIQENKALNLENDLESKSAKDFFRFSAISIGSFPIVLFLSLFFFDVSYYFYSGMNANYVPYPFSNGPSFSKDEIYKKFIVSASIGAIVALTIALLDYFL

>BB0020

MNTSLFKQERQKYIPKLPNILKKDFNNISLVYGENTEAIQDRQALKEFFKNTYGLPIISFTEGESSLSFSKALNIGIILSGGPAPGGHNVISGVFDAIKKFNPNSKLFGFKGGPLGLLENDKIELTESLINSYRNTGGFDIVSSGRTKIETEEHYNKALFVAKENNLNAIIIIGGDDSNTNAAILAEYFKKNGENIQVIGVPKTIDADLRNDHIEISFGFDSATKIYSELIGNLCRDAMSTKKYWHFVKLMGRSASHVALECALKTHPNICIVSEEVLAKKKTLSEIIDEMVSVILKRSLNGDNFGVVIVPEGLIEFIPEVKSLMLELCDIFDKNEGEFKGLNIEKMKEIFVAKLSDYMKGVYLSLPLFIQFELIKSILERDPHGNFNVSRVPTEKLFIEMIQSRLNDMKKRGEYKGSFTPVDHFFGYEGRSAFPSNFDSDYCYSLGYNAVVLILNGLTGYMSCIKNLNLKPTDWIAGGVPLTMLMNMEERYGEKKPVIKKALVDLEGRPFKEFVKNRDKWALNNLYLYPGPVQYFGSSEIVDEITETLKLELFK

>BB0021

MVLMKTKEFHFNLSHSLIEQYPSEKRGSSRLIVLDPQLQKIYHKNSVNNILKYINSNIFNNSKARKSRIYAESEMSSNVEFLILDRIDTNLFTALVSKSKKQIIGNFYKFPEGLMDEILSKNSSEVVLKFNNNVGEDYFEKHCFVPLPSYIKRDYDKIDEDRYQTIYSKYVGSTASATAGLHFSRDLFSAFENNNIEYDFITLHVGAWDFSSCKI

>BB0022

MKDENSISFLSSNENYLYDKSENELRPKVFEDFKGQVNVKETLSIFIRASKERDEALDHVFLSGPPGLGKTTLASIIAFEMNASIKITSAPAFDKPKDIIGILTGLDEKSVLFIDEIHRLRPIIEEMLCIAMEDYELDWVIGQGANARTVRMPLPKFTLIGATTKPGKVTSPLYARFGITARFELYSEIELVEIIKRNSLILNIEIEEDAAFLLARSSRGTPRIANRLLRRIRDIAQVTGSLVITSDIVSIGLEMLRIDGEGLDEQDRNILRSLILKFNGGPVGVDTLAISVGETADSLEDFYEPYLIMKGFISRTHRGRKATEFAYLHLNLEMKEDGLNENQRVSF

>BB0023

MINKIHGKVIEKKESSLVLMTTVFEFELLVSAFCLANFNLSDKVELFTYLYTRENELKLFGFLNSDEREIFKELIGVSGVGPRAALRVLSNIRYNEFKEAIDKEDIELVSKIKGIGKKMAGKMFLHLQGKLLINSELESTGLFRFKELEESIVSMGFDRKIVNSKIREAFNLAEFANLKDSEKEQFLFKEVLKRISN

>BB0024

MKNQFLNSYFQLITTIFLISSITIAAEEITSTLKVPNGFKVEIFLNNTIEKPRGITSDQDGNIFIGSGSTFAYFVTKNRKIYTIAKTLQKPIGIDYWDNKLYISSVDKIYVVKNVKEEINKSIKSHKDYTWKMQIFALLPKNNSQMHSGRYIKVDSKNNKLIVNIGSQHNVKIPPKKEAVILSINLKTKKEEIVAFGVRNSVGFDFHPISNEIYFSDNGQDGLGDNIPPDEINVITEYKEHFGFPYVFGKNQKNYGFYNKAPKNTKFIPSIYELPAHVAPLGIHFYRGNNFPKEYINKLFIAEHGSWNRSSPVGYKITTLDIDSKTRTARNYKTFLYGFLKHDKSKFGRPVDIITYYDGSILFTDDFGNKIYRVYYEKI

>BB0025

MSGHSKWSTIKRKKGALDAKRNKIFTKLIREITIAAKIGGGDIESNPRLRVAVNKAKVANMPKDNIEKAIKKGIGGNEGVEYFEITYEAYAPYGVALMIKCLTDNKNRTSSDVKSVLAKGGGSLGTPGSVSYMFYRKGLIVYNLEKYLEDEIMEFALEVGAEDILVSNNEAEVITSPDDFDKVLSFLKTKFKEEVAEIALIPENKISLNKDQAEKIILLVEKLEDFDDVQEVIHNLEIPEELS

>BB0026

MGFKGYILSIVFNGKDFANKYYLMLKEFLKQHNLRDKIALKVVLANDEPASNLYVSIKSRVAKEIGLNVEVIKFSANSVQSDILEVIDRENKNLSTDGIIVQLPLLKGMDLNSILNSIVYSKDVDGLSFVNLGKMILGDKKGFIPCTALAVLKILRDEGIKTLGKTVVVVGRSPLVGRPISILLSSKPYDATVIVCHSKSIYLDVYLRQADIVISAVGKPRLIDKSMLCGKPYVIDIGISEIETDNGKILSGDTDFDNIKECVKFITPVKGGIGPVTVLMLMFNTIKAHLINNRMFDVLNRLEKLLEV

>BB0027

MRKYIFIILIAVLLIGVNIKKIAAAANIDRHTNSTLGIDLSVGIPIFYNDLSKAYPTNLYPGGIGAIKYQYHILNNLAIGLELRYMFNFDINHSFNILNPDSSVGKIFYSVPITFSINYIFDIGELFQIPVFTNIGFSLNTYGDRNNNITNLRTFDALPTISFGSGILWNFNYKWAFGATASWWMMFEFGNSAKMAHFALVSLSVTVNVNKL

>BB0028

MKQKYENYFKKRLILNLLIFLLLACSSESIFSQLGNLQKIKHEYNILGSSSPRGISLVGETLYIAAMHLFKKENGKIEKIDLSNSYEFINDIVNISGKTYLLAQNKEEELEVCELNGKDWTLKFKKPLKAYKFLKSVGRDGVKEAYILAIDKNNREKIFDLQGSDKTPPQATENDKFYQISNEENLITGNSLKIWQMNNNTYTNIDYQQAKEIMPIIKTSIRGSSEVLVMTGGYNNLDTKFKVYSNTNNYTTPIFIQDEVGEFSSYFAREFNDAILIGSNNGFAEFTKNKEGIFALRAPSKSVEPGAYNGSQLSKTGLNDIIPVSNNTIYILTQGKGLWKLENRKLTKE

>BB0029

MLSKIFVDADSCNFKIIKFLQKFILHNKSKLIVVSNKFFSLEITENVALEVVDNVDSFILNLADRYSLVITRDIFFAKLLLDLGVKVMNDEGRIFDINNINYLYFRSKINFNLKIKIKKYYDEDFNKSRYEKFITNFYSLFFS

>BB0030

MAPYLTFEQRLLRKRQRKVFFKYFLTFLILNFFFTKFVLQIFMIKSNEMLPTITKNASLFFVATHITSFFIPLKMNDIVLYEDFRLSNNFLLTLIKDFFFLNKIFKRASYKVSRIAAVQGDSVYVRGLNVLVNKKDTNFFYLNGNLVSYYKLNDFFNTDEVIKCFTLKKNEFFLLNDNLSVLNDSRIFGPINKNAIVSFLVLKVVDYKIVK

>BB0031

MYLRRLDKFASFLVHIVEKYLTYRKRKKYFCKLRAKKRGFLLNFLFDFVAAAIFVLVINQYFVQAYKIPSGSMENTLQIGDFLFVDKFSYGPELLPGLFKINGFKAPEESDIIIFENPEYKSKGVFFDIFQRILYMLTLSFIDLDRDEYGNPNVRFLVKRGAFADGKIVRFNNGKAYIKREGEENFILEDSYWDLVDKNFKIKKIVANEDYGIYGDFAMFVALSQLNINLSSTPDFSFFDVRMIDRFEFERLEYKYLSAFMPYVDYYMEKAIMRDYGIYVPDGYILPIGDNRDNSHDGRFFGVINKNKVLGRTLIIYLPFSRVGFI

>BB0032

MKEVDENSNVELFEVKLKPILGIEPKVYVFLTTIILLLSLISTLIIIPKFKNPGAYLKINSNIENTYIYLNEKYIGRTPLNKYINATEGVLRAKRMGFKTYEQRIKIHNKFFGNYSLQINLELVDPEKIIKQRQKELSIMVKIKNINENTKLIPVFSLISSELKEHPKYIKKFLKDSIPYLNSTEMFKDFLNSYKAIYSIDQDNSNQEEIWNSLKTNFDLENRAIFWFLENLDKDLKILTKNAPWVKTLAKTLDNENIQLISKNEKINIKLPGFKKINSNKIEKIQNYELNSLDSKNISLKSTYNVKEFLIQEQNVTKYEYQDFLKENPKWALNNKENLIKEQLVDENYLKNFNQIGLNEAITGISYFSAIEYANWYSKKLPTGFKARLPISQEWELYQKEPNKNPLNINEISKKVGFWNLMQNSSFNEIAIFKNEKNFYSENSNFYSLITEIRTYSQQNNNLLNASTKASFLKNWSSPNIGFRLIVSKE

>BB0033

MNTNNLLLENKKAKFNYFIEEKISCGIVLKGTEVKSIKAKKLSFNNSFASIKKEELWLENLHVSKYKEGNIFNHDELRPRKLLIKKRELQRLKKFKEKEGYTLIPISFYLKKSIIKVEVGICKGKKLYDKREILKQKSIKKDLSREIKYK

>BB0034

MNKLLIFVLATFCVFSSFAQANDSKNGAFGMSAGEKLLVYETSKQDPIVPFLLNLFLGFGIGSFAQGDILGGSLILGFDAVGIGLILAGAYLDIKALDGITKKAAFQWTWGKGVMLAGVVTMAVTRLTEIILPFTFANSYNRKLKNSLNVALGGFEPSFDVAMGQSSALGFELSFKKSY

>BB0035

MDIRTVLKDNFLQYSSYVIKDRAIASVVDGFKPVQRRIIHSLFEMHDGNFHKVANVVGNTMKYHPHGDTSIYEALVNIANKDLFIEKQGNFGNLFTGDPASASRYIECRLTPLAFDVLYSKEITIYESSYDGRNNEPLLYPAKIPVILIQGSEGIAVGMAAKILPHNFNEILNAVKSELLGESYDIYPDFPTGGIVDVNEYADGNGKVLVRAKIETIDEKTIVIRELPFGETTESLISSIEKAIRKNYIKVSSINDFTAENVAIELSLPRGVYASEVIEKLYHYTNCQISISVNLLLLSERYPVVYTIKDLIKFHAAHLQKILKMELELQKSKILEKIFYKTLEQIFIEKKIYKLLETISKEENILSIILSEVLRHKESFSREVLKEDVENLLKIPIRKISLFDIDKNSKDIKILNKELKSINSNISSIRGYSINFIDLLLAKYSKEHQRKTKISLIKSKNVKEIATKNMKVYLNLAEGFAGTSLFDGEFIGNASYYDKILVFRENSYVLKNIEDKTFIDKKNVCALVYDINNSKEQIFSIIYFNRLDNFYYVKRFKIDKFITDKVYEFLGENDEFVDFSLNPEFVEFSTNKDIVKRIEIDNFMVKSRSSIGKRISSNNLKKVKFK

>BB0036

MKTQNYDESKIITLSSLEHIRLRSGMYIGRLGDGSNIDDGIYVLIKEIIDNSIDEFIMGYGNEIFIKKENNLISIRDYGRGIPLGKVIESVSVINTGAKYNDDVFQFSVGLNGVGTKAVNALSSKFLVRSTRNGKSFEALFSKGKLLESREIKSSDKDGTYVEFLADSEIFGKYSYSEDFLKRRFFHYACLNKGLIINYNDQIFESKNGLLDFLNSEIKSDDLLYDIVYYSSKTLEFAFSHTNNYGETYFSFVNGQYTNDGGTHQTGFREGFVRAINDFLKKTYSSTDIREGLVATLSVKIKDPIFESQTKNKLGNIETRGNVAKEVQKIISEILYKDKILAKLIEKKVVDNERLRKELSSVRKEARERAKKISFKIPKLKDCKFHFNDSSKQSEQTMIFLTEGDSATGSMVSCRDVYTQAIFSLRGKPQNMFEKNKSEIYKNEELYNMMVALGIEESIENLRYNKVVIATDADFDGFHIRNLLLTFFLTFFEDLILNGHMYILETPLFRVRNKKITTYCYSEEEKQKAILELKGGCEVTRFKGLGEISPNEFKGFIDINSIKLTKVDLFNIKEIKEKLGFYMGQNTPERRNFIMENLI

>BB0037

MIIVFMKILRSIITYFNVLLFFLILIFFLFPFYLVCKIFLIERYVVRLSFIMMRACIKISLWLAGIKIIVTGSENIPKKSNVIIMGNHIAAMDPLIFIYTFACPFVILAKHSLLRIPFVNIVLIVMGVIFVNRRSIRSAAAAEVKAIKVMREGRSIGIFPEGTRNRGGDTRVFKKGSIKMALKTGTSILPVTLYNTNNFFIKNIIFNSGLSVYIHVHPLIDVLKLSEYEKENLTSIIRDQIVKKLETIKI

>BB0038

MTKVLVVSAIALLSKDKELIPFYKFLFLFFFFTLLACSKVSKDFIVFNKDVKTSSRIDNPNSNVLEVNKMEDFFGDIIDLKGYKILSVQQENLNLDVYFEQVVLAQNFSNLNAYLFIIGFDPKIKAGTILFKTQIDIDPKNSYNMYLEDITGDYDFNIVIQGFLKDKSVLYVFQKSVLNDVSSYRPIFFDKVNGTVLINKYARSSAYEENRSRESYPISLEKYEKVGEDLIISKIEKYEYSNVQGRYCLSSVSEKVGKIDNNIYKTLKNLSKDEVYKFLHGVWYDVHDYNKMHVKDIDEVLFLSFERQSSEINLFRKNSQEVAKIEYISKPAYNTLNVSAKSLFSDLIVYNFWIKIVDKENIEIKIDTSTNSYDNSGFSGTFKRFDENVLNVKKGSSDIYFIPSGNYVYKDKIYDFSYPHLTYIDENKIYYGIFNIFPLKNNFVLEYEIDMGSYKLVESFFLEHSERIVQKQKFSTIILNPIKILKDDVSLVKGQKLKLERIEKI

>BB0039

MRKRSRKVKNDLVVLESKEKKVGMWGIFALILIVFGFIIAPLLPGIFDNAHSSGLKFGSYKGQPIYYKKDSKFAKYVNYYSNLYSRLQGNAKNINTDYNAWYLAFMKYVEDVAFLDLVKKYNFYISKEMLNKNLLKSPEYLDSSGNFSSKRYNKASDYQKVKIYDDMVENILFSNVKIFLNSNLIFPDSLFDMIKNMSTVERHISYLSLSYQDFSNKEVISYAEKNLNLFKRLSLASIRFKNMNDARTAHDKLLNKTPFEELAKLYSDDIANFKGVVSLDKYYFDLDLNVEKKEDLNSIFSLREGEFSKPIKIKNKNEYQIYKAFSNVHDFDKNSDRDISSVKNYIETYEPSVIEGYLENKLSDFLGDVKFSSLSQVLEKYQLSLKEEIVNLSYNINVYPNTLKELVEFNNSKSFYDIIFGLKENSWSKPFVANKKVYLFFLNSVKKRSNQLKDEIKNEKILDNFNIANSGLITDFLLNKKDFVNNFNESFFALQNFSQN

>BB0040

MNTNQNKFNLNINITKDELSRLIKIVYNNFGINLSEKKKLLIESRLSSLLKVKGFKNFTEYINFLEKSTGNIQLIELIDKISTNHTYFFRESKHFDFLNNKILPKLTEKILNSENSEIRIWSAGCSSGEEPYTIAMMLKEYMEHNRVNFKVKILATDISISVLNEAREGIYPEDRIINLPKYLKIKYLNQLQDDKFQVKEILKKMVYFKKLNLMDEKFPFSKKFDLIFCRNVMIYFDEKTRNNLANKFNSYLKKDSYLLIGHSETIRGNKNLEYIMPATYKKN

>BB0041

MLMRINSFYNKFSIMQNLFSLKGLKIILLS

>BB0042

MIRRKLTKQLEIIKDYLWDMKECVLKIIDDSLIALESKDKNLAKKIINEDEKIIDDYQYDIEDLCGRIIATEHPVATELREILAIIKIISSLERIADHATKIVKVVLLLESDLDDFDFLNLYFKPLREMADTAKEMLSDIFDAYFDGDFTKILKIVKYDNIIDKLFSKQKSIVIDAMKKNPENLDYLLNILFLNSFLERVGDHVATIGELLYFIRIGEKVNLT

>BB0043

MIRKYLIYISLLFIVFEVYSKPAFISQDDSYELDFSSGEVDISVNTNSKFNLSFKDESWIYIKSIENEAFIKLIGESYDNGAVFTFQTFKKEGKIKLVFTYQNVKDSSEFNKIIILKITKNFEVAIPQGVGGGSSRDNNIETGNNLELGGGSISGATSKEIIVRALNLSYINDYKGAIDLLNKYNFNDDKYILLKAEIHYKNGDYLKSYENYLKLKSKYFQSIVFDLIRLAIELNIKEEVLENARYLVEKNVDFSESIYLEIFEFLVTRGEHEFALNFSSLYFPKYINSSFSDKYSYLLGKLYESESKHKDFLKALHYYKLVIDNYPFSYYYERAKIRYLFLKRFF

>BB0044

MQDRKFSFRKYFLISVFLIFIVSGITYFYSTQMLEKSQKCVEDNLDAKVKLVDMEDFYFDLNECLNMDDFFIPRPDFLNENLNKNLVVDGLIKNKFLDENFFKDLWIKKENLFNVDIEKENEKLIDKILEISK

>BB0045

MGVSLVLKKIVLLGFKSFLNRQEFEIGENLSFIVGPNGCGKSNLIDAVRFCMGEDNLKFLRVEDISDLISVSKSGKSNFAEITLFFSNINSEKSTLKEFNEDFYIRRRLYKDGSSEYYFNNKILNFQDYNRLLNSFKFKKSPYMFITQGRVEDISLERNVNLKSLIEQASGIDILKMEEEEALKNFKQSSQNLSSLLSLQENLRQKYDNIKNVFLLRKKHQDLSQKLEALEKTITLKKLFNINFDLNVLKSELNLDGLSKFLSSGFKEKLEFYSFREKNVINNIQELEKDLELMKSKILGLEIKIQKLEQEKTLKMNLEDKFVKSKSESEEKKNSINNNLYQLNSLLKEKKNDFFSLSDEINRYTKSFFELVDLILSVLRSAKSEEFVLLKEHILDSLKLFEESLSIKYIKEIRVNLIKYISKDENLLALLRDKIEPIFDQNVNLKKFLLEKNALKSNLAKEITNIERLIEEKTLQLNDVLGELEYIELSKFKNLDEIKLIDGNLEFLFESKNSLDEELKDLYLKLENLNLEKSDIQLNLSNLIGASKFSSESFKEKDFNSLVFLNDFKKTNYYEYIKKQTEYEFLLNSNVSIKSEIENFNVSNEMSDKFELEEDLATRELLRKEIDAIKLGDYVFFNIDKEFDETKERFEKVSLQVEDLKLSKYSLQKLQKKIKNEIYKKFRESFDEINKNFSFFFKKIFKGTASLFYNENTDNVEIRINFSNKFVKNNNMLSGGESTLVSMAFLFALYYYSPACFCMLDEIDAALDFENSKKLSLLLRELGKKFQLLVITHNAYVSEGGENLIGITLDNGESRVFNI

>BB0046

MICGIDEVGRGCIFGPILSAAVVFKKKPSFIKELDDSKKLKKEKREYLSSLILENSYYAFAEISNITIEKINIHNASLLAMQTAYENLKLNCSLVLVDGKFVPKITAKNVKAIIKGDSIIDEIKAASIIAKVKRDKLMDKYDKIYPLYLLKKNKGYPTKEHKNAIKKYGVLSLHRKNFKLI

>BB0047

MWRKLMGERGEVYSEKLFTESERTYFFNVKENRKGDYFLNIVESKRSPSGDFERHSIFVYEENINEFESNLLKAIAVIKQKVSTGSVGSSARHNKGYGEYGERSKLDDSRFDKKSHLSGGRFKKKDY

>BB0048

MLNKILDKLVEAYSIIFRTRVQFPPSPFILFFFLSFKHNSYSQQALLSLENLLSLF

>BB0049

MDLTENVNIVSCRQRESLKTSKINAKNNNFTSSNLVMAA

>BB0050

MFNEFLWFGVLFTTYSFLIIVSIFFKKNGLFAWVAVAIIIANIQVLKQITIFGINATLGNIIYTSSYIATDMLSEFYGEKTSKKAVYIGFISFIIFAVLTNAQIHFMSNRTQENFKSLGNIFSSMPALLLASLVAYLISQLNDVYLYQLIKKKFPRFLFFRTNGSTLISGLIDTTIFVGIATYFKVFPKQAFLNIVIFTYVIKAVAGVLGTPFIYFAKYIKLEK

>BB0051

MNKDMFDLSLWTGMFLFIYTALGILYRFFGKSGLFCFNAIISTMSNIIILRNLKIFGMSLNLSGITFLSAAFSLNLMVEKYSKKEATKSVVLSLLLNITFTIMLYFTILFNHNKLDTADIHLKILFNNSTYILTILIGTYVFFLSQYTNILLYNYLKQIKIKSLWIIHPLSRLISGYLANFLVSISINTILKFYPETKNIELTKGSLIITLIIIAIDTIFYLFINSWKKIKEA

>BB0052

MDDDVLKRIGVLSKFITDEKKARIEKVLNLRTNYLTFVLEDIFQSQNASATIRTGEILGLSDVHVIEKKNKHTLNPDVTLGSSQWINLNKYKNAKFAIDRLKSDGYSIVATSLNPKSINLENLTINNKMAIFFGTELTGLSAEVLGAADLYVKIPMYGFTQSYNISVAVAIVMYSLLMRLRKSSIDYLLNEAEKSNLRLKYYRQVVKNYQFIENLINS

>BB0053

MKVKIEESWKEVLNNEFNKEYFKKLVKFIKHEYKTKNGKIFPPPKLIFNAFNSLPFKDIKVVIIGQDPYHGKNQANGLAFSVDSKIKIPPSLQNIFKEIEKSLKIKTIPNGDLKRWAIQGVFLINTILTVEEGKPSSHKAIGWEIFTDEVIKIISKNLKNIVFMLWGNLARSKKGLIDPTKHLILETSHPSPYSANNGFLGSNHFSSALDYLKKHNKNIINFQ

>BB0054

MKRFVLDLVRFFIFIIFVIVSIFIILLVLIQDEQGDGIGGVFGGGSSSIFGAKSSSVAVKITGFFIALFFIFVVLLSFLNTRRADDSFLNDIKTENKNSSTFWDDENSESDANINEIKENNLKEK

>BB0055

MRKTFLAGNWKMHYTSAEASIVAKKIATEVKTLKDDVVIMITPPFTALSKVSECIKGSNILLGAQNMSYMESGARTSEISPSMLLEFGVEYVILGHSECRLYLAETDEIINKKILAGLKHPFKYLILCVGETLDERDSGKTLEVVLNQVKKGLNCVSESDIQRIILAYEPVWAIGTGKTATKEEAEEVHKAIRLEITKLYSKSASDNIIIQYGGSVNSNNVKELMNEPNIDGALIGGASLKAESFLSIINNVL

>BB0056

MSIKTVKDFSSFAGKRALVRCDFNVPLKEGSISDDTRIRAALSTIEYLKERGARIVLVSHLGRPDGKKNPKYSLKPVANRLSELLGQDVKMLSDCIGSEVVNSTLQMKDGDVVLLENVRFYAEEEKNDKNFAKKLSENGDVFVNDAFGAAHRAHASTVGVADYLPSVGGFLMEKEDKFLGGILKNPERPFVSIIGGSKVSSKIAVLESLLSKSNVVVIGGGMAYTFLHSEGYSIGKSLLEDEYIGIASSFLKKAKELGVKVILPLDHIVADDFNKNSIPEYIDSFNIPENKIGMDIGANTLKEIENVVKTAKTIIWNGPLGVFEFDSFSKGTAKVAEMVASCSGLTVVGGGDSVAAVNKFNLSDKITHVSTGGGASLEYLEGRILPGIKVLEN

>BB0057

MKLAINGFGRIGRNVFKIAFERGIDIVAINDLTDPKTLAHLLKYDSTFGVYNKKVESRDGAIVVDGREIKIIAERDPKNLPWAKLGIDVVIESTGVFSSATSDKGGYLDHVNHAGAKKVILTVPAKDEIKTIVLGVNDHDINSDLKAVSNASCTTNCLAPLAKVLHESFGIEQGLMTTVHAYTNDQRILDLPHSDLRRARAAALSIIPTSTGAAKAVGLVLPELKGKLNGTSMRVPVPTGSIVDLTVQLKKKDVTKEEINSVLRKASETPELKGILGYTEDPIVSSDIKGNSHSSIVDGLETMVLENGFAKILSWYDNEFGYSTRVVDLAQKLVK

>BB0058

MNFNWFLMLFLFNFSVLLGSDTTALGHYQRANEYYLSKRYYDAIDELVEAIKINPNYYEAYKFIASIYYSLKIYTQAQFFIEKASKMSNEDTEYKILYANILLKNDKIDQAKKIYSEVLVKQRNNIDALVGLASIFEKNGLFIAAANYYLSILDYSQNNYSAFEHLIDIYQRLGMHDKIRHLINKVRVNFLSFPDFHKRVAEFYISINNLGLAEKYALNYLALIESSYKDFGVVDAYRLLALVYLHEFKYEDAIEALQKAILVNKDSDELYYLLGYSYLRFGDIEKAILNLERAKNLKKDLEFYNIALEESFFASNFRNFLKNNSNARISKHYENEGLKAFKSLNLNKALFNAKNAVDIWPDNDSARFLLSKIYKLMNLDIMAYEQLFYLAKQRNSTDSRILDFYDVVSFDVRKSLFYKYGYKSIADFNKLYDDRVVYKMAIFTQSENKFFGANDLILRYAERVLERNLNMEIVNYNFDYNKNRDYLINNFSEGFSYSRNNNLDLFLIFDFKADILKNTATLVVNIFSGKTGIKLVSFSYDVGGVNYLSNALNSLSKDFHDYLPKKGKILQIKNDDALINLGQVNGVVKGDVFLILKEGALNSDTRDSGFIVYKKSDILGEILIEDISDYISRGIVKSSTFLKDYVQEGATVLIKR

>BB0059

MLGFFNFKNKKKKKGSPENDLEDKSNIETSLIKNFNALKETVVKEIMIPRIGVIFVDYAKSKDELLKVVTSSSHSRFPVYHGTIDNIVGIIHTRDILLHMCKKDFYEIDLKDIMRKVMFVPESKKTDSLLKEFQENHVHIAIVVDEYGGVSGLVTLEDILEEIVGDIQDEFDNELDEIVRLDDGSYLCDARILIEDLNEKLNLNLPNGDFDTLGGFVYDLFGRIPLKNEKVEYNNLVFSIKNMHQRNIKVIKISEKEGL

>BB0060

MSKSDLNLLVENIKFEHLNVFYDFVVSVLNALSISDFELSVILCDNAYIQELNNKFRNKNEPTDVLSFNYNEHNELNEDLVDGINYKIQGDLVISFEYLKFSAQEFNVEIYEELQRVTIHGILHLMGYKHETNDFQKEGMLILQENILKENKRVF

>BB0061

MAISLTEEDFVVKVFDYKNDKEWSFRGDRPAIIDFYANWCGPCKMLSPIFEKLSKKYENSIDFYKVDTDKEQDISSAIGVQSLPTILFIPVDGKPKVSVGFLQEDAFENIIKDFFGF

>BB0062

MNLMLITFNEFKTGISLNDTRAEHLVKILKLKDNDKFKFGILGEKNIYHCIYKKDKKLFFKKIFKVGESNKLKKLYVLIGMIRPIVAKRIIKELASIGTYKIIFFNTELTEKSYLNSKIFKNNDCEKHLIAGAMQGKITYLPKIKIIKNLKESLKYIQQENFEIKILLEKNSEKNLIDIEQINNAVIIVGPERGFTEKEKQLIAQYNFSPYSISTNTLRTETATIAASIITASKLINM

>BB0063

MFKNKLDLSQSDKNCNNEMLILPKTTIKALLLVIFGSLIVSFAIFFMVLENNEITVVPNLYSLAIEDAVLELQRKELIPHIEFKFSSSALDKGKVIDQGPKPGTVLRHGNKVIIFISKGAIINRVDSFIGKNIDDVIINLKANSFDNSKLLYHIVQPLEVESELPKGIIISQNPSPGSQISSLTDLQFLISKGKDHLDKHVKNYVGIYYKDAIASLLSDSINFDIDLANIGDFGNIISQSIPPGTKINESDKILITIAKPKVDNKIVFGILTYKLRQHPSYVDISVRLKGVDGKNSLIYSFKSKGGLIKLPYEVNKGSMIELYIYDKLINQTVIN

>BB0064

MKIFFVSSSSIALEVFKEIVKHYEVVGVLTLPDRPKGRGQKLSQNVIKSEAIARNIKVLDPLILDDNVLNLVRDLNPDLMLVFSYGKIFKKEFLDLFPKGCINVHPSLLPKYRGVSPIQSAILNGDCVSGVTIQSMALEMDSGNILVQKNFKIRSYDTSHDISKLVSSLSPSLVLEALEKISKGFLGIPQKSSEATFCSFLKKESGFIDFNLSAFEIKNKINACNPWPLVRVRLDYNDIIFHRADFLEVDLYKERKIGEIVDFNPEKGLFVNTGKGILLLLEVQRPGRKVLDFKSFYNGSRQLIGQVFSSIE

>BB0065

MKGGWVFMEMVFYPNDLLRVKTKQIENIDDKIRDYAKKMIELMDISGGVGLAAPQVGLDLALFVVRENKMARPLVFINPSIIETSYEFSSYKEGCLSIPGVYYDLMRPKAVVINFHDENGKSFTIENSDFLARIIQHEMDHLNGVLFIDYYEEKLKNKLLKPYMRERGLKAK

>BB0066

MRFIIAFLMILNQGFSNLFSLPPEDIIFESSYEVAIKKAQKLNKNVLILVGRDIKENLIKDFLNSFTNGEIIHKVSRKSVFLVIDKDNEIFNKINLQKSPTIFFVDSKNEQIKAAYVGAVLSSVQFDKDFLNYVMGAIKSTSVLKKQKDYEINTADERTFFYKTLKGDWRLKFNGKDRKLVLFDTDLKEFLVFKDINENKLYAIPKSRIGNIYFSLLGNEEWKLFGKIK

>BB0067

MDINKRLALLRDHMRDNGVDAYLVAGYDPHFSEYSHERYSTRKFITGFSGSFGTVIITLSKAVLFTDGRYFLQAEQELKGTEIALIKLGVKGSPDIFTYINLNLKESKLGIYSDEISIKFYKELSEKCKNTHIKALNQDLIDLIWKSRPQLEFSHVFELADAEKNNKRAEKIKSIYLILEKNLADFYVITALDEIAWVLNLRGADVEESALFYSFLLISRNKNRKNVLFVDXKKLDSGVKEALEMENFEIESYSNFYCFLDKIKHEGKFFVSFYANVRVLKVLGETNIILGESIISSLKALKTDYELLKMKEAHIIDAIALIKFLRKFKSLSKVELSELDEIDVADMLLHFRKLNKDFFSSSFDSIVGFRENGALPHYKPKRGRKINTNGLLLIDSGGSYFGLGTTDVTRVFLIGDASDEEKRDYTLVLKAFIGLSSLKFPYGSSGAFLDGICRLPLLKNELNFIHGTGHGVGFFLNVHELPVSISPNSSYLFKGSEVVSIEPGLYRTFSHGIRIENLVFVRQAFTNDFGAFLEFENLTLVPFEKELIVKEMLSEDELNYINDYHECVFLTLKERFDNEGELEFLAKLTSKI

>BB0068

MKNIKAVASDLDGTLLLSKSYIGAFTELVIKKLTKEKKKFIIATGRSKNEIIQIIKKTDQLQVSFFITLNGAKVYNQEWKLIKSHNLSAEVVKKILNLRDEKFSHIPHFLHKADQNDDQLNIDIKTKIAIDQCKKLQKESNVFRHEIISPINKIQEIKDFNELKNFENVAKIILAGGEESLIEYEAMILEKYKGEINAYLSTPNSLEIVDHKVSKGNALKEVLKTININLSETIAFGDGFNDTDMLENVKKGLLMGNANYRLKAMLPYLEVIGTNDEEAVANYINENVLEEPI

>BB0069

MEKDLIKYAELIILKGINLQKNQCVLIQGSIDNYNFLKILAKKAYEHGAKYVKLNIKDIDILKSRLKFSQEESLKFIPNAEKSFLEEMVQDKWARINVDDTENFEDLKESIGQKMSIYQKALNLASKTLSQAIMSNEIAWCVVCAPGPKWASKVLNKKEGSQTLEEFFKIQKKILLLDSENPIESWESHGEKLHKRCKTLNELNLEKVIFKTEKTNLEVYLLETSLWTGGSEKIKGTEIEFNANMPTEEVFTTPNYKKTKGIVYATRPVMVLETLIYGMWLKFENGKVVDFGCDDEKQKEILKSHIETDIQAKYIGEVALVDSSSPIYQSNLIFYSTLYDENASCHIALGAAYPSCLSNEEDLKTDADKLTYGCNVSLIHTDLMIGSDDLNVIGVDKNGKEYTIIKAGKFAI

>BB0070

MIRALLTNDLFLSCLVSGISAQVIKYGIQTVKTRKLKLTPVHLLKKIFLETGGMPSSHSSTVTALSTSIALTEGIDTNFIIALAFALITIRDSFGVRYMSGVQAEYLNALSEKLKKEIKIDTTKIKVVKGHKKKEVLTGIIIGIVSAYIVCYF

>BB0071

MVRFLGFLYLITTIPLIKSCDAAQFGDYKPLYFENENDLKTANEYINSLGYKTISEYTTKIDILDFPENKEITINEINKLNNLDLRKSIFLKKLSNLFNIEHKKLLYVENRFKSINFKNLKKELNINADIHSLDYKTKINFISSIIFLIIIILLIFLDPTNSIFTLIFLLISSLAFMISKEIMYFYPFTVLSYLLFLIISNFNKNYNKIYLKEINFLTLMTKIKHLLFLFTFTALYFITITTFFTTNIDPTFIAFVAIPTLCIFLIFSWIKTESNFKDTFLFPIEIKEKKIEGKKALKSKIAIHLLLFTLSLIPFAYSSYMLNSYENINYLYSKKLNYFDYLNPNNIYIMLGYNKDMPNIIGYLSHILYQNELKYNITAKYGKIPKDIKENYFEIKNDKIEIHPKTVYEVDKSFIDEILKKDLASLFLKNKNPILIYKENKNNINTDKKNYKILFFFSLPFFVLLFLFKAIRFTILLNINEKTYKKYIQG

>BB0072

MLDLEKVKTIFKKYNKYEININEIQIPEYALIPLETENSKSIIYIIEKQKIEENQILSKNSNIELYTYSPISGIVEKIYTANFPDGKNLKSALIKFQGKIKTEKTPIEEGASREKTLEKLIQLGIPWFNENSLFQFINKCKKIDKMILLTNGKDAFTNISEALMAEKLEEIFSGFQIIDKIFKFKEIIIIISNKDKLKKEFEKLSIFKNRKIKIKSLENAYPYTNHEMIMHFLYNNKNTKDDINPHNNILLANIEDLYNANLVIKNNNPYKEKFVAINGNKKIKSRILKVKIGTSFSQLINEKIDTKKYEIFLNNPANKIKIDTLNIPITRDIYSLTILKKKSIYDKIKALFISSFAPLQMENIIFSFLKKEKINNSGKLKIFNYTDKEVEEEIHKVQKEIKSKILNESLTNEAIYTENNLKDIYFAIILSLSPSLIFSFLNNTKFMTDTLLLIFISVAIYIPIMLKINYKCLSFFVYAALMISIILPLDLEITLKIISLLFTFLVFFYFFRLSAFLANPILISFMFLVLNFPVSFKQAYQEELKNSNSIIPTWNEIIETNPNIKNLKSLNTFTRYESKKIDAIENFVNQNIFSAFNIIVTRFHIESLLGVNNEKKISPILLYFGLLLIVGKYIINKLIPLSFYISLMAISYIAHNIGMLNHISSDMLTLLISPIPMLLIFTMATELQITPHFKFEQILYGSILAFIYFLTLSYIPFETLSVIISIFILQTSSNLIKKYSLTFKIKKIMHVLKTNKEKALKTPLENEKDIIKL

>BB0073

MTNNLIACLIINNLTLIHFVGFEDIKIKNNIMLIKRYAIITITSLLIYSISFYLYKLFAKNNLLFLVPIFYVILIYVLILLFKVLNDLFIVYNKKSNYSNDFMLSNSSLIAITFFALDKNNGFFEGLEILILSALGILIALMSITSIKKNFDKNPKINILENEPIYFFIIFILSLIPNIIILIYNQ

>BB0074

MPKTFGGSFDKNEIQAKIEKYEKEINQKNFWNDPKRAQKVIKAQSILKNKIDPWEELINKIKDLSDLCEIAENEKDTNGLEIEFNTLEKQYKDLLTISYFKEELDANNAFLTIHSGAGGTEACDWVAMLYRMYSRYAERKKYKTELIDLLEAEGGIKSVTIEIKGEYAYGLLKSEVGIHRLIRISPFDAAKKRHTSFASVFVDPVIDDKIEITIKPEDIRIDTYRASGAGGQHVNKTSSAVRITHIETGIVTQSQSDRSQHKNKDLAMKVLKSRLYEYYKSKEDEKNKSKQDTKKEISWGNQIRSYVFQPYNLVKDHRTKFENSNTTSVMDGNIDNFIEEYLKWKSLN

>BB0075

MEKLKLKLAIPLLVFTICKIHSQSNIEYNFSYIINTKKENIDLKKGIEKQLDKIYDKITEHIVNNDDKSIIEDIYINQDIIKTELEISKLKKEMDKKKLQNIITAKEKHNTKTKIDELKKNIQNINNKQKKFAEYFNNLKKLKVKYKKIEEQTNISNLNKEFFIREELFFINYIDLKKIENYYLLEISNITPEKIETKKAVFKTSSSVNEIADHITKYSLKEILGREFLKININVKNNSDAKIYINEKFVSKGIYHDNIFDISKLPNKEIEIQITSANFENYSIKRTVKNADSIILDIDLKRTISKKVSIKSNVQSKVFKKGIFMGETPIEIEKPENQDIILLKSKGYKDKFKLINKEEDQVEIEMIKTNKNRLIDTRDKFYVNLAVFTLSTIGAIFAGTLLNNSEVLYKITGNHFINKRLTAEDVYMAKAEQMTATFLFGVGITLTIGSFISLITHLVEYIKEANMGE

>BB0076

MGILEKIKNLFKSKQQENVIENLEDILLESDINNEIVIEIINKLTKEKNENEKTIIGKLKELLSSYINTKKFTLENNKLNILLIVGINGIGKTSSIAKLANKLKNEGKNILISAADTFRAAAIEQMKIYGEQIGVRIISQNQGSDPSAVIFDSISSAKLKNYDALIIDTAGRLQNKENLIKELQKINNVILKQIKNTDINYQKILVIDSTIGKNANSQAEIFNKAIEIDGIIITKLDSSSKAGTILNISKILEKPIYFTTFGEKLEDIKEFDINEYFNKLL

>BB0077

MKKKQLILLLFMPQIIYAKSYFASDVFFNKYQKLNEKPKTGFYIEYYSVDDTEKLYLYKENNLIKYKTIQIIENTKKITCYDTKDTKRKEEIYDNLNNKIQEIEYDSKGKTLETANYVYENENLISKNLKTINQKPKLIYYSKDDNGKLLKITGSNFQIWNYGINGDIKSTYFDIKKATTKVIKYDDKKRNSNSTIIVNNKIKSKEKNQYLDEEKIVNTFEEENTKIISTYKANNLIKEETYKNNELIKVNDFQYNESDMIIFQNTKEKDKDQYTNTKIEYEYNKDNQLKSKKIYENDIIYLKTEYHNDNEYEEEIYYNKKPALRVKHKNGKVTEEKPIGTN

>BB0078

MGIRNFLLKRLILEEKNSLALTIVIILSIALGEIIIILTISIMNGFQNDFFLSITNVESGNLKIENELTQEEIKKIKKIEGIKHINKIYETQGIGIQNYYYPTILNIIAVDIKDLKKDQNFISFTGLEKDELDLKDNEIIIGNVLSHNFNLFENDPLELIITDEIKNTYIARK

>BB0079

MNIDYFIKNKILHNSGINYQVKTKNLNPSNKLIEKIKAVNPKIKAKTWNEYNKEFYKILKIERNTMLIILASIFIVIAVNTYYLQKRIIINKNKAILILLAMGLRIKKIKQIFFIHSIIICTVGGLLGLTLGISISLNINEILKIIDNLVNTLINFLNQILALKIDGIKIQIVKNTITPKLFLSDLTFTFCFACFSTMYSSMKATKKIGSQKNIETINGQ

>BB0080

MEVKKTLKLLMDSKMENILIIKNLCKAYKKNKTKIQVIENLNLTVEKGEFISIQGKSGCGKSTLFNMISGIDKIDSGEIISCGIFLKNANEKTLSLYKNRQIGLVFQNYNLINEFSVIENIILPQIISGQKTKETINKKALDLMKILKIENRANHYPSELSGGESQRVAIARALINEPNIILCDEPTGNLDLSTAKTVENLLINTAKNFKKTLILVSHNPQFANKADSKYEFKDRTLKKL

>BB0081

MILRLPEITKIAYLIFKNSTNKIALIGSGISLSLVMIPLIIVYYMSSNIMTSTINKYIESEGFSMQIEYNETNRTHYLKDRLSLLKKKHNYKDLNYFFEKRTYGIIGNNKKQGVLIRAIENKFILENKSIKLIKGTKNLKKDSILISNQIKNKLNLNLNEKIDILIPNTKNDKIMPRIKKFNISGIIETGLKDIDNNLVLISFENENLMSKKFSKSIIGLKTNSNSIKNNEILKQNLETEFQEFQIKTFYELYSNKYNNLDISKKLLIFIMALIIIFASINISSSLSMLIFENKKKIAILKSIGMNNLNIKIIFLLISLTLSTIFCGIGIIIGNYLTLKISYLINFIDNILNFFLKIFGEENSEILNSEYYVSEFQIHLSLSFSLTLLGLYMLINILTTLIPLNIVSNLKEKEILR

>BB0082

MNSSKTSEDRIKIYLSKLKKHKNKILSKKSIKNIIEVSDISDNDIENMGLHFRRSYARAKRFVDIGKIDIAFRELESIYFYSLHDKSMFSLFFFLFKEVADKVNTKESKKKMIHVTLQAKEFGIRDDLDLIDYYEFKKSKNRMLILTISSILIFCISLITYRSFQGFMSMNGNGAMALKEKFAPSFTSQGLPPITMATDLVVEAVNLISSPKDFYYIEIEDAKVLVFEDAHLYQLKAGVISTMHPVKKISYRVTVYDDLGKSVFNQIFSKESDFSAKWGKDVYIPIDVISSIPRAIDVNPKRIVLDIIDIDFFENVDDKIGVNLDSDSFILKFKYIGNYFQKSFGICKANTVIEVFNSSKDVVKNLEIEIGYIDKEGRIIRSLRRKLISSANSFLKSKSKQSFTISTIFPNEIYPTIEKDFSSIKIYNVMIK

>BB0083

MYKFCLLAMFFDYDILVYMKEVIYRFEKAEDYKLVPVNNIYGNVTNTGEIFCDLVFESTEISEEIAYTKTKEGVLEEASKEFKSGEEGKIVLINSFIGISITKTTARNIAYWLLKKVDELEDNE

>BB0084

MDFKQIKSNVEKVKFLRKDFPILNKKFDNKYIIYFDNAATSQKPKNVIYSNVEYYENYNANVHRSGHKFAIQSSIKIEKTRELVKNFINAESAKNIIFTSGTTDGINTIASSFFYSKYFKKKDEIILTTLEHNSNLLPWVNLANLANLKIKLAKFNEMGIITPEEIEKLITEKTKLISISGINNTLGTINDLESIGKIAKKYNICLFVDAAQMAPHIKIDVKKIGCDFLVFSGHKMLAPTGIGILYISNNMAEKLHSSKLGGNTVEEIFIENEKIKFKASDSPNKFESGTPNIAGIIGLEEAIKYIDNISMDFILEHDKQLIEYGVKKLQELDEVEFILNTNLKRNSIISFTVKNIHSHDIETYLDTMGIATRAGRTCSYVAFFPENLNKDHLLRISFYFYNTQEEIDNFILGLKKVIKELS

>BB0085

MLTEKTKKELIRLSKVNNYIIKVETNQNFKHQSKCGDQILFQIIETNNGKFNLKHHASGCIVLLASANALNKLCNNKAKSEILNLVQKVINSNFANLDEIDVSLKIFNVFTNTNRKDCFLLPYKSLKDSLESYKPLRRTIR

>BB0086

MKIYSHSSIGYEGELIEIEIDIKKGISGIDIVGLAGSEIKESRERVKSAIKNSNFHFPKNRILINLAPAGIKKLGTAFDLSIAISIIKIQESKDDKNLEILILGELQLDGKIRSIKAVLPAIALAKEKEIKFAIVPFENLEEASLIDGLNIWGVKDLKETIKIIEQLNSNILPPRTNTKPQSIIEKDYIIDYDFKNIKGQQRAKRAIEIAIAGGHNIMLFGPPGSGKTLSIKCAQSILPPLTNKELIETNRIWSISGKLIDRKIIKQRPFRNPHHTASKEGIIGGGPNPLPGEVSLAHNGILFLDEALEFKKSILQSLREPIEDKSISISRASSKLFKYPANFQLMLAMNLCPCGNLGKKNTDCFCSQQEISNYWKKLGAAMLDRIDIRVPTRAINNEKLLSETSESSSEIKQRIIKARNIQNIRYENFANINKNSDLNSDHIEKFCELSAILKNDLIYILNKLNISSRATHSILKIARTISDLKEEKNISREALLEAIEHRKNGENMLEK

>BB0087

MLKSNKVVLIGAGGVGSSFAYALTIDNSLVHELVIIDVNENKAKGEVMDLNHGQMFLKKNINVLFGTYKDCANADIVVITAGLNQKPGETRLDLVDKNSKIFKDIITNVVSSGFDGIFVVASNPVDIMTYVTMKYSKFPIHKVIGTGTILDTSRLRYFLSDHFNVNTQNIHSYIMGEHXDSSFATWDETKIAMKPLSEYLAEGKITELELDEIHKKVVNAAYEVIKLKGATYYAIGLGIKNIVNAIIGDQNVILPISSYINGQYGGLIKDIYIGAPAIVCKEGVKEVLNFKISPKELDKFNSSANQLKSYIDKMEF

>BB0088

MLDSMDIERERGITIKSQAVTITYKSNDGDFYELNFVDTPGHVDFSYEVSRAISSCEGALLLIDASQGIQAQTVSNFYMAFEHDLEIIPVINKIDLPNANVDFVKKQIKNDLGLNEEIAISISAKNGIGIDDLLEAICKYVPSPRGSIKDPLRALIFDSHYDSYRGVVVHFRIFEGQIKMGDKIRLMHTNSEHLIEEIGIFKISLERKDTLEAGDVGYFIAGIKNISDVKIGDTVTLCDFPALSPLEGFKEVKPVVFSSVYPVDANQYDDLLKAMDRLKLNDASLTFEKDSSSALGHGFKCGFLGLLHLEVIQERIEREFNLNVILTSPSVRYKIIPKKGESYFIETPEQFPGNEAIESVLEPYIKANIIVPTEFLGNIMSVCLLKRGVQTNLIYLDTKRVELIYKMPLSEILFDFYDKIKSVSRGYASFDYELLDYEYTDLVRLDILVNGDRVDALSQLVFKDSARTKAIGICKKLKDEIARQQFRIAIQGAIGSNVIARETISPVRKDVTAKCYGGDITRKRKLLEKQKEGKKRMKMVGNVEIPQSAFLAVLKSNDN

>BB0089

MRSAVLFFFALPFSISLYSSSNKNFPYWILLEKGRQFLYSKSEFSKSNLTHAINYLQEALLRKGVYPEASYYLSVAYGMSGNAILEKLNLYKSFEDRYYLLDESFEKKILFSLAKMAELENNYVDTIDYLNDILNKFSTKKDYYSYHDYSQGENSMSNNELNASFYLTSYLKQVRGAFGIDFTFNLYRFKNYNVIDTHQLLSKVYLHLKAYELSITHGLIAAVGILTRMYDYVCYYEPVYQFKNLRSFVQKINKYKAIKNAFESTDFWEIVYNVAAATYAYSNGNYKFRAIDTWKLVVDLAPRFSPYIAKSRSQIKNSVYLKKN

>BB0090

MDIGLIGVNSALTISAIGSALGMGAAGSAAIGAWKRCYMQGKPAPFLLIVFVSAPLTQIIYGYILMNTLYEVMMQTNPWLLLGAGIGGGFAIAVSGFAQGKAAAGACDAFSETGKGFATYLLVLGLIESVALFVMVFLMIFKFV

>BB0091

MIVKMKKVLLLTLSKYKKESLEILRDFGAVHINSCNKNSDSLKKSIDDRRILMQAFSLLKEDGGVKALKSSNGNFLDIAKSIVNLGNEIKEFQDIKRSLLHERNLISVWGNFSLENIDELKESNIYIQFFKIQKSEYKNLLRDPNVNVLLIKNVKNTSYFVSVGEFEQKIEIADEFKFNFDLDYINNKLKVVDEILDQKLTQISLFNKYIDILRDEIKNYDQIVEFEQVLADMQTDXEDFSYITGFVPAESQESLKNAVLKAGFAAQFADPEENDIIPTYIKRKGIANLAAPIFNILETIPGYKERDISFIFMLFFFVFFGMIIGDAAYGVIFFLIGILLSLSFLLKGKPLTPFHGLIFYLSVSSILYGAMTGTWFGSPLILEMFPILNSFKVSYLTEKNSVQNIIFICFSIGVLQISLAHVWNFFRQVKEKPHIHSIAQIGWLMCIVGLYYLVLNLILSQSRFPMYNVVYNVIYFGVALVFVFGKQDGSNFFKCILKSFGGIIEQFLTTVSGFADIISYIRLFAVGLAGLSISASFNTMSIPLLKSSNIGLIVAGIIVILFGHVLNIMLSLLSVIVHGVRLNMLEFSNHLGQEWSGCAYRPFKKMKK

>BB0092

MIMSKIKLTKNDLKKQKDELKMFKRYLPTLQLKKQQLYMEIVKIENSYKIKNLEQQKLKENISNWISLFSEKFPFESWIQVKTVVKKSLNIAGVAIPIFDSIEYEDIRHDLLFTPYWVDKGIEILKVVIQIDVELKILKKQIDLLLREFRITSQRVNLFEKVMIPTAKANIKKINIYLGDQQTAAVVRGKIAKSSLIKKNRNSL

>BB0093

MKRVYSKIESIAGNVITVTAQGIKYGELAIVKAKDTSSLAEVIKLDREKVSLQVYGGTRGVSTSDEIKFLGHSMQVSFSDNLLGRIFDGSGNPRDGGPSLDDNLIEIGGPSANPTKRIVPRNMIRTGLPMIDVFNTLVESQKLPIFSVSGEPYNELLIRIALQAEVDLIILGGMGLKHDDYLTFKDSLEKGGALSRAIFFVHTANDSVVESLTVPDISLSVAEKFALKGKKVLVLLTDMTNFADAMKEISITMEQVPSNRGYPGDLYSQLAYRYEKAIDFEGAGSITILAVTTMPGDDVTHPVPDNTGYITEGQYYLKGGRIEPFGSLSRLKQMVNSRTRDDHRTIMDSMIKLYASSKESVEKKAMGFNMTKWDEKLLKYSNMFESKMMDLSVNIPLEEALDLGWSILASCFSPKETGIKTDLIEKYWPKKETY

>BB0094

MNEVLFVKTAGRNLKAEVIRIRGNEVDAQVFELTKGISVGDLVEFTDKLLTVELGPGLLTQVYDGLQNPLPELAIQCGFFLERGVYLRPLNKDKKWNFKKTSKVGDIVIAGDFLGFVIEGTVHHQIMIPFYKRDSYKIVEIVSDGDYSIDEQIAVIEDDSGMRHNITMSFHWPVKVPITNYKERLIPSEPMLTQTRIIDTFFPVAKGGTFCIPGPFGAGKTVLQQVTSRNADVDVVIIAACGERAGEVVETLKEFPELMDPKTGKSLMDRTCIICNTSSMPVAAREASVYTAITIGEYYRQMGLDILLLADSTSRWAQAMREMSGRLEEIPGEEAFPAYLESVIASFYERAGIVVLNNGDIGSVTVGGSVSPAGGNFEEPVTQATLKVVGAFHGLTRERSDARKFPAISPLESWSKYKGVIDQKKTEYARSFLVKGNEINQMMKVVGEEGISNDDFLIYLKSELLDSCYLQQNSFDSIDAAVSSERQNYMFDIVYNILKTNFEFSDKLQARDFINELRQNLLDMNLSSFKDHKFNKLEHALGELINFKKVI

>BB0095

MLDSYYYVLSSLPYIDLKSLKNYSVSDFLNNVEISLSKKDFNFLKELLEFKIDRGKSRVIDLFLNFEDTIRYTLAALRAEKLGLSKDFYLESTYFSSYYLSILKNICLKENPFEIELSFDLLKWQFLTDLEVGHEFDFEKLIIYFLKLRLFLRHNLFKEKLGIQNFDNICKNLIDKTNEKV

>BB0096

MMQFEVKDLINKIKKDGLEEAERASNDIILKAKREAEEIVARAEEAARVLKAKSEKEANDYKCHALEASRQAIRDLIIGVEKNLKSLFENALKDNVTEVLSDNNFLAELIIKITDSWAKGEKLVIQLNESDFSSLEQILRLKLGNKLKEGMELRPFRGISKGFKIQKKNIGLHYDFSAETIADILFDYLNPRFKEVIKVV

>BB0097

MNISKFNEFENVLFHICLDVDFVLENEFGNSYDIHPNRPFRGKAANGLLDGLFSVTTTFTSGYGSRFGRGYLIIIEILTLNFVDDEFWDKINKRGIEIFREGLKNKFPSKNLDIVLDGNVYKIIGPFF

>BB0098

MQDEQDKYLKNIDFYEILSLVSKYVSNPDTVNLLSNQKILKTKESLEKIFSFVSLIRMLFESCKGYPNSFINSLKYPISLLLKENSRVSIENLRDIIVFLDEVLRINLFLHKNSDIKHLNVQILSDLLFLNPELKNLLNELKEHIDVDALELKSGVVKEYDSIEFEIKNLNRRVENQIKKIISLNAEYLTSNFVCYKSNKYTLALKSNFKGKIKGNIISISSSGETFYIEPNDIVNANNRLNYLSLEKERIILKILRNLSAKVHSNIVLLDNLYNNFLYYDSLKARAIYGIKTKGVFPEISNVLNIFDAHHPLLKDSKAITFTPAENRVVIITGPNAGGKTVTLKTIGLLSAMFQFGIPIVVGESSTFKIFDNIFIDIGDEQSISNSLSTFSSHMSNISYILKHTTKDSLVIFDEFCSGTDIDQGQALAISILEYLININSYVLISTHYNALKYFAYTHEGVVNASMRMDLETMQPNYNLIFSIPGESYAFNVASKALIDRSIVIRANEIYSSQKTEINEILEKLIEKEKDLLLIKESMDKKLIQIELQEKELENFYQDLLLREKNIETKLLNEQNEFLKNSRKVLENLVREIKEGNINVAKNKAFISDLEKNVDLKTNKVNSLNNKRNVVADFKIGDKVRIVNSNAKGKIVGISKKKITVNVGAFNVSVSSSEISLENFKEKKENGKNFNFSIDYNKENLLSFTIDIRGMRSVDALDFLNKKIDNIILNGINKFEIIHGKGEGHLMREVHNLLKELKFIRKYYFAHPSDGGSGKTIVEI

>BB0099

MNYLEFEVIWGVNNIYSILELNSKLIYEGIFKGKVLETGCKEYSPLVPGDIVLGYIYSSRKVYIDKRLSRKNILWRYNKKADLRQTIVSNIDNVLIVSSANFPEMKNFFIDRVLIVAEEQNIVPIIVINKIDKGISQKAQEFSEIYENLGYKVLKTSVKTYEGIKEVKEVLKNSRTSFIGQSGVGKSSLINLIDSRASQSVNEISHKYSRGKHTTVYSISFHSDSGIIVDTPGIKEFGIETLPFENLKYYFKEFENFASFCKYKSCLHVSEPYCSVTSSLDNGISKLRYESYLKILSELKNYKNYAR

>BB0100

MKNFKEVIIIFDSGIGGLSYFKYIKSRIGGCQYVYVADNKNFPYGEKSPEYLLEAVLFLIEKLKKIYNIGALVLACNTISVSVYNKLNFVFPVVYTLPDVSSVSDLVLKRVLLIATNTTLESKFVKDQVNIHNDLIVKAAGELVNFVEYGENYKKYALRCLEALKFEVVNTGREIVFLGCTHYLHLKVMIEDFLKIPVYENRELVVKNLIRSMNFSEHKGNYYKNDFDFVDDEFYLTENKNLTFYQNFCKKYNLRFKGMIV

>BB0101

MINKMFASIKDILKNPILNSNVTINGWIRTKRSNGKIGFIEINDGSTLKGIQAVINEEENQFSEKDLKKLTTGTSISLTGLLVESPAKGQNYEIKTHSFNVIGETDPETYPLQKKRHSFEFLREIPHLRIRTNTFGAIARVRNKISYKIHEYFQKNGFFYINTPIITSNDGEGAGEMFRVSTLKFNKLNNALSNIDFKDDFFGKEAFLSVTGQLHGEAYAMALSKIYTFGPTFRAENSNTTRHASEFWMIEPEMAFYKLNDNIALAEDLLKYLLSSILNECSQDMDFLENYIEKGLIKKLENVINSNFEVITYTKAIEILENSKKNFEIKPYWGIDLQTDHERYLTEETFKKPVVVIDYPKNFKAFYMKANKDNKTVKGMDILVPKIGEIIGGSEREDDLQKLENRIKELNLNIEHLNWYLDLRRFGSAPHSGFGLGLERLVQYSTGISNIRDSIPFPRTPKNLYF

>BB0102

MKLPKLYKLILLFLFTTRLFSVKDEKSDNKLELFSNVETKIKKNSKNYDSNSNSKKIKKESILKRDTNSEKNINSNIYIQKSKKINYPNRNLGNNINQKTANDVNFTKTSYVKVYPNYKDDNFQEIKNANKFPAKTEKTHMLIGPILKDNLGIIIKMLKTKGYTLIEYIEDNN

>BB0103

MKKYVSYEEIRINGFKLAYKIYKDGFIPDIMYVSLRGGAYLGNIISEFFKFVKVDKPLLYAAVVARSYDIFNEQKKIMIDGWTYDPKYLRAGDKVLFVDDIFDTGRTIVYLRNEVLKKGIESENVKIAVYDYKDHGFVDYIPDYYVNKYSNQEELNTWIHYGNHELTGLNESEYKNSFKYIDDELNEILKFLAKNKS

>BB0104

MSNYVEVIKVEKKFFSGFLLSFLALSIGFFIGMHYLASNRSNIVFAEEKDNTVRALQDSFREVSKKILPSSVEVHATGVIKQSFPIPFFFFDMPEFDSERKSNWAGSGVIIGRDSQKKSLFYVVTNSHVVDKATELEVVSYDKKKHKAKLIGKDEKKDIALISFESDDATIKVADLGDSDKLEIGDWVMAVGSPFQFSFTVTAGIVSGLQRSANPNLQSRNLFIQTDAAINRGNSGGPLVNIKGEVIGINAWIASNSGGNIGLGFAIPVNNIKSTVDFFLKGKKIESAWLGISFYPLKTRDSEVLKSLGVESNDVSAAIIASLYPGSPAVKSGLRAGDIIMKVNGVSMSVFQDVTSYISDFYAGEKVNVEILRGNVKKNIEIVLAVRPKDKELSSSKMLPGFVVYPLVEDIKAQLNLRNWIKGVVVDYIDKNLASNIKMKSGDVILSVNSKSVSNLREFYDALEVGKNTYKILRGNDSFKITF

>BB0105

MTKLRLKSKDEIKKIKASASLLALTLLEVERNIVPGISTKELDLIAYDFIIKNRAKPAFKGYRGFKGTICASVNEEVIHGIPGKRKLADGDIVSIDCGVILDGFYSDMAKTFKVGNVDSSIDKLLEVTNASLYKGIAEMKVGNRILNISKAIEDYIKPFGFGIVREYTGHGVGFELHEEPSVPNYYAPFFKNIRIQEGMVLAIEPMVNLRGHKVSIKSDGWTVFASDLSYSAHFEHTVAVVDGLPLILSEV

>BB0106

MVYLMLCLKIWRVVLKKNKTLVFISLFLLSVFLGGFYFYFDPNILYLLKGEKDFSKLIMGIDFYIDKKKFADAKKAMLFSSYYANTEFKWLALAKRAKLWALNTGDYHLMGEIVNLGVKVLPGNLKLRALEVYSKLKIGLLKDAYRIANEYLLNSEEYQGLYDEVFIKNLSSDNGILDFNKFIDKIYKEKDARIFEEIGLNLKNNAFLINAMLLYIEKKNIDSAKRILFRIKEDKSFLKELAYISYNLNDLDYTISNLKSIKNEEDPTLLFLLADAYFKKGDIKNAKNEYLKLYTRFPDYNVLVYLNLALIANSENDYKRAISYLNKANEVFKDNKIINYYLANIYFGIKNYFKANEIIANYKEDPLFFKLYFALNYANSKYEAKKSYLWRLFYKTEYNSSIAQFLAWNLLLYSDLKDLDLFFRIYNFSENKQDWYDFYKFYYYFLKRDFISSKKIIFDNKSQKYMFGIYYNLGVLSFSEKDYEEAERYFNKGISLLPSSFYDKDSTTPYERELVSKIYLKQGINYLYLGKMEKGKESILASYSFYETDEGRLYKNMIDTLRERNLNFD

>BB0107

MDLMHEVRVLAFQKIYSIDINQSAMDDIFDIFNIEDKDLDIENESIKSFYSSLVIGTFDNLEHIDSLIRDISLNWSLERMDKVDLAILRMGVYSLKFQNFENSKRAIIDEAILIAKKYGSKNSYKFINGILDALLKNMESGIEKK

>BB0108

MKSFLFWVILGTVGISSFAQNTPVAIINLYKNEIITKTGFDSKVDIFKKTQGRDLTDAEKKQVLQVLIADVLFSQEASKQGIKISDDEVMQTIRTQFGLVNFTDEQIKQMIEKQGTNWGELLSSMKRSLSSQKLVLKQAQPKFSEIKTPSEKEIVEYYEANKTKFVNPDISRVSHIFFSTKDKKRSDVLDQAKNILSQIRSKKITFEEAVRKYSNDESSKAKNGDLGFLSRGDQNAQNLLGADFVKEVFNFNKGDISSPIASKEGFHIVKVTEKYAQRFLGLNDKVSPTADLIVKDAIRNNMINVQQQQIVVQVQQDMYGKLNKSANIQILDSSLK

>BB0109

MIKKVAIIDGLRTPNFKFGGSFKGLNIIDESSKVVKALLERNKLYKVDEVIIGNVISAGLGQNIARQIALKSDLGDTVPAFSVNKVCGSGLKALELAFNSIALGDNDIVLAGGVEDLTNSPYLLPRKIRFDGLKFGNFGIEDSIQKDALIDSLNFISMGLTAENLSEKYRITREMQDEFAYNSHVKALKARELGYFEDEIYPLTVFDKKTNSSVTISSDEEIRDNLTLNKLASLNPVFKESGTVTAGNSSSLNDGACFLILASEERVKSLGLSPLAYIGGFKSVGLDPLYMGFGAYMAIEGIISKLSLNPSEIDLIEVNEAFAAQALSIEKALFKKYNITSDIINVNGGAIALGHPFAVSGSRILLTLSRSMKMKNKTKGIASVCIGGGQGISSFLYR

>BB0110

MRFKKIFLIIFIISNLKVYSYNYAIQYKNEGIDKYYFEILNDGFGFSLSDFFDDLRSGSLIFTYVSKYNFIINLEAHMLTYRGYKDSPKSLISRTDLIEIGFMYYFPILLLINGKNFGEIDLGIGVKNLLFGDWGGHLMQSIIHLILNQHRPIPSIKSYDSYNYRGFLSFALNYSYMNFLNLENYMDLSYFADYFIKNSIGITLKNENIGFDIKLYSQIQNQIKSLKTYSKTQEAETGIGINYQFYSKNFFITNNLNIKNFSTKENFLSVGGFGIIITPEEYKKISESNNEFNVISNNFYFGFDIMIPLKIRNSLFYKINENINHYFSISTNYYTNYNETNSFTNQLSSGIMYEFLPQKTFNPYLISGLFFAYNQNNKDIKSISRPIRIKNILQVGIENELGFLFKMLKYRNTEYIFKIYSKVNYIPIAYNLDEKKLEKHSINFNYLGIGIVVK

>BB0111

MALAAFSNSALLFNDGAEKAVISSIFYNSDKIEQIAFHVRADDFYNETHKLIFKAMVSLYEKRENIDPITVFEEVSKHVSKTQLLIKKDLINLPDYLDSLSVYLPTDRTINVYAKIVKEQSVRRSILNVSKELNDYINDSTKSINEIVEESQQKILSIELDYSSKNLYHAKVIAERVHNEIYERSMKKKEANFGIPSGFRKVDSLIGGFRNSDFIIVGARPSIGKTAFALNIASYIALRKEEKKKVGFFSLEMTADALIKRIISSQSCIDSFKVQNSILSGQEIKSLNDIINEISDSELYIEDTPNISLLTLATQARKLKRFYGIDIIFVDYISLISFETKNLPRHEQVASISKSLKELARELEIPIVALSQLTRDTEGREPNLASLRESGALEQDADIVILLHRDKDFKFESSAEIEPIETKVIVAKHRNGPTGRADILFLPHITKFVNKDHQY

>BB0112

MKVILKEDFINLGKEGDTVEVRDGFARNYLLPKGFAVFSNKHNIEIFNQKRRSILKKQEAKKQMANDLKSKLDLVKLEFFMKSNDSGKLFHSINSLNIADELLKLGFDIERKKIDIHHGTLKTFGTYDVTIKLYEGISSIIKVEIKKEKKQEDKKSLSKKLNKADEQGERAEV

>BB0113

MYKDRDTNQRDSRFENQQDGFKKNSNFRFFKRKSCKFCDSGKHPDYKDFDFLKKFITEQGKILPKRITGTSAKHQRRLALEIKRARYMALLPFVKK

>BB0114

MADINSLVLSGRLTRDSELSYTESGMAVLRFSIANNRRMKKNDEWIDYPQYFDCVIFSKRAESLNDYLKKGKQVVVSGSLKYESWQDRNTGDKRSKVNIFVDNLQMFSSGSNTIQMQDSDVNSLTNHKKEDVVKDIDIVDDKFSEDIPF

>BB0115

MIKRYEACFLFKSEEIEYKGSLEEVKKSLEFFGATDVVSNFIGERALEYPIKKQARGRYEIIEFSMEGNNLKEFESRLKLIRNLLRYMILVKIVRKINTKKIKRRNFREFRDNIDKDSLKGASKVETPTGPESTDIQEK

>BB0116

MLKLALERLSMINFIKIINFSSLQKFSKALRVPISILPVSCLLIGIGSVFSNSSSIVYVDKIFIQNVLGLMKAIGNAILLNMPLIFSIGISIGVARMGQGTAALGGLIGYLTFNITENYFIEAFSGLVEAETMSSVGRINFFGVQTLNTGIAGSLAVGLLVGYLHNKFYNMKLPKPFVFFSECHFVPIVIILPFCVFLAIFFCLIWSSFDDLIASLGLFVFRFEYFGSFLYGFLNRLLLPLGLHSILSFPFEFTSLGGVEIVNGDTVRGLKNIFYAQLLDPSLGKFSSGFAKISSGFYLSIMFGLPGAALGVYKGIVHEDKNKVAALLFSGALTAFLTGITEPLEFLFIFTAPLLYFVHAAYSGFALLLANFFNVTIGNSFSTGFLDFFMFGILQGNSKTNWISVLPLGAMFFALYYFTFSWLYRYFDFQIFVTDDPFFEGQEGKLESLGIAHLLIQGLGGFDNITKLDVCSTRLHVDVVNTELVDNNLLKEAGVLKIGLVNGKVQLFYGSNVYYIKNAIDTYSPKSLFEASVMVAVDNVKKGFKTYIEMKEDKKLEKQGKSGKTYKLSELEED

>BB0117

MLRENKLKNYSLSDVNTSKIPKNELFSSISHLFGIILSIIGTTILVTISTLKKKDLHVVVFLIYGFSMTLLYVMSTLYHIFPKGSKIKKIFRKFDHISIFILIAGTYTPACAILVPNKSGLIILCIVWSLAIIGIIFKIIFTNSPGWFNGSIFIIMGWIIIFKIKPIYKALSGKGFFWLVFGGIVYTIGGIVYILSKKFNPTINMKMHDVFHILIIIASASHFWLMLKYISNF

>BB0118

MEEIMYILFSVLALSFIIFIHELGHFLFAKLFKVKVEVFSVGIGPSILKFKINNTEYRLSPILLGGYCKLKGFDHLEKELKANKELEADKDSLFGISHFKKILIYFAGPLFNLIFSFIVFIFISMAGVIYFDYSSRVSILNKDSLLKDKFRDGDVILKVNDKKIKYFSDLRKFIPEEKSTVMFDVLREKENITFKETVSLQDFLKEIGPWADLVIADVVSNSPAKIAGMKPGDEIISIDNVILKNKRDLDYFLKNLNSDVVEIKFSRNGEIFSSKLVFHDKNKMIGIYFSPPLKRVVKVENVSSAIKNSFFKVVSALQDILYSIFLLMTNFLNASKSVSGPVGIVGILSSSYSLGILYWINSISFLSLILAGMNLFFIVIPIFDGGQIFISFIELLRGKRFKAKTIYSFYSFGIFFGLFLFGLGLFNDLKGLLNIFN

>BB0119

MFCGLNIMTLDIVRIWNVSNLEEEILGDDLLSKVKRFAFFARLGTFLFFVPLILFLIFLDFKNYLFLNILIFIFSGFAAKEVNDLLKLKFKFSGLSSILSFFLGFAPPILTYIHFNVFYLGMNVIYYLFIALVFSNWIVDLVFIKEHEIGNFLSQATSILFILIYPGVLMSFTVSITTLPKAPFLMLMLFAMVSGNDTFAYLFGYFLGKNSYRPTIISPNKTLMGFFGGILFSVLTAIFAVVFRLINLSYGESIILGILIGVFTIIGDLFESGLKRSAGVKDSGKIVPGRGGALDSIDSFLLTGPIFYLYLS

>BB0120

MNKGSLPSHVGIIMDGNRRWALGKRLSSLEGYKEGLKRAKEIVKYSLRVGIKCLSFYVFSTENWRRDDCEIENLMFLIANYLRAEFDFYEKNGIKIIVSGDVESLSGEVKSSIKDSISFSKNFNNLILNLAINYGGRNEILRAVKKFVSSDFDLESLNENIFSSFLDNPELPDLDLLIRTGGNIRISNFFLWRIAYSELIFSNVLWPEYYDTRYSKDLECFQFRRRNFGR

>BB0121

MEDYKAFLDEKMNKVLLSLDNEYKTLRTGRISSNIFDRICIQYHDRRTPITQVSSIRIPEARLVVIQPWDKSILNKIEQAILNSDLSMNPSNDGSVIRIKVPNLTSERRQEIVKHAKKIAEEHKISTRNIRQDLNNKVKKQEKESEITEDCLKRILDDIQKSTDMYIKKIDSILESKIQEIMEA

>BB0122

MSIISPQDVKKLREETNAGFGDCKKALSVAGGDFELAKKKLREMGIASAEKRLDRDAKEGRVFSYSNNIYAGLLLVSCETDFVALNHNFVNFGNSLIKELVESGIDSLTTSQELELKNLAATIKENIQVKKIFITKIQSNEFVKIYLHGEQSKIGVLVKLKVNDFSKTEDKIFKNFAMDLALHVAAFAPVYLRNDDVCPNYIKEQEEIFTKQLESSGKPESIIKGIVAGKIKKHLAEISLLEQSFVKNDKITVKEMLEEISKAISSKVEMVEFKYLRIG

>BB0123

MAIITMKSLLEAGVHFGHQVKRLDPRMKRFIFSERNEIHILDLQKTLQGIKDSYELVQRVIKDGKKVLFVGTKKQASEIIEQEARRSDMPYVNNRWLGGMLSNFNTIRKSVQKLKKLEKMEVDGTFDMISKKEISQLNREKSKLAKNLTGIKDMETLPGAIFIIDPKREQIAINEARKLKIPIISVVDTNCNPDVIDCPIPGNDDAIRSVALFTKIISDAILESDKEVGIQIIENLNEEDLMKEIEIKNDKSDSIEERGE

>BB0124

MIVFFSHLILTNIVISFLVSFFVAFLNILNFKFIVVYLISFLGGIIFQFFIPFFYSDYYERQIDFVLYLFPILGSVILIGLIKFSERNKNDL

>BB0125

MGFFGCGLDNILILPSPEKVDNRISRDYVAFFLPAGYFSNQAAGKLRGFDIYYKFYPEGANYHISSFQKSVEKDFEALKGVFDNVSEFNNRGFYKINLSSTVYSGKPVFKLNKEWVDSKLPLYFEINFGELRKDVPGEAFITVKNGNTSSSVILEKKNIYRSHIDKGEYVGFSKSIKKSNSLDKEKRPIDLKHINEDFFTKDIAPKYNLAIFVMGVGSIVDDAYSVLINLGDLSGFSLSN

>BB0126

MAKNNLLVFFIAIIFVFVSIIVVFYNSLGKDYVKSGGEIVENLEKDLNDYLKENDAKEREKIFLRIRELISKEKEISSYFISRFYLARAVYFQSQAQYDEAIKDLDIVIKAKGIESEIAFLNKAAVYEKMGLKEDALLVYEDLINSTSLDFLKVRALLSKAILIEEKDKELAVKVYEEIVKFPYENNLYINMANNKILELKQN

>BB0127

MRMENQKDLQENYLKVLERVELGSRVSGTVVNIMKDYVLVDIGYKSEGFIKIEEFENVPQVGDRLEAIVVRIGGELGLILSVEKLNSLNFQDKVYEYIQNKKIIKGKVLVELPNGYKIQINENVSGFMPFYLSSKSKDEKLKRGSVVEFYILEASEADGLRLILDRRTLEKERDLAKRIELVSSYNEEDVVDGVVERITEYGAIVKIKNFVTGILHKRNIAFNQVENVEDFVRVGDKLKLKIIKINPQTGKMELSLKALKANPWDSVDVKYKIDSIVKGKVVKILPFGAVIELDSELSGFLHISNFSWIRVVKSPQELIKLGQIVEVKILEIDKENQKISLGIKQINENPWERLTEKYPIGRVVQGVVTNITKTGAFVNIEEGIDAYVSKFDISWLEEIDPEEYFKIGDLVNGKVLEVDKRKRNVRLGIKQLEESPWEDFSKSYKKGDTIEVEIVEKKSKGFQVRVYNKIMGFISKIQLGDTKESSLETFEKLNVGDKLKVVITSIDSKDKSVLLSYREYENQRSREEISSYLFKGNDEESYKPFENLLKRDE

>BB0128

MIIAIDGPSASGKSSIARELGVRLNYKFISSGHLYRIITLIAQRSLMNSCDFISEDSLLNLILENDISFNNFAFLLNGENVENQILNDKIDFQVSFYSSYVGIRNIVNKKLREVVKFSDDNYIIEGRDITTVVFPESEFKIYLDASVKVRALRRYKQRNGNETLEELERTLKRRDDVDKKKQYGKLKLSKGVFYLDTSYKGLDDVCNIIIEKFNLKKVRER

>BB0129

MIALKAPRVHVFLAEKGVGSRRFCEELIRKKLVRVNNTIAKLGDKVTLGDRIIYKKQIFVFKDFQINNRIYLALNKPRNYLCSNFDVDGRKLAISLVQPLFKERVFSIGRLDFKSSGLLLFTNDGKFANDIIHPRQKVEREYIIESKKDIDENLLISFKSGIKVKKEFFKLKSYEILNKNSARLILDEGKNREIRKVFLSKNIFLKKIHRIRIGNINLDSLKEGQVKIVPLSKINSLKSRLEKLNDNSN

>BB0130

MSELGSYSISLDNFTGGIELFFEYVSMNRHVLRTLSLNQIIEEFIVVSGDLNISIRGLIDFFYLANNLFYWKTQILFPLKFECKDKAERKVVERLICYSKNRENEKLQLNQAKNFKFYDSKIIEEFIFGDSGNFIKNINATANDNNKKKNLKRKSGTLKKKVINKNFLCDKKFKAVYNKYELKIFEKKMKIISILNKESSVIFDSLLDFNADNYSFERFSYFLVSLECKMLNIVNLGYLNNKLVLYRGCKINDCT

>BB0131

MSKLKEKREKAVVGIERASKEEAIELARVQIEKAFGKGSLIKMGESPVGQGIKSMSSGSIVLDEALGIGGYPRGRIIEIFGPESSGKTTLTLQAIAEVQKEGGIAAFIDAEHALDPVYAKALGVNVAELWLSQPDTGEQALEIAEHLIRSGGVDLIVVDSVAALTPKLEIDGEMGDSQIGLQARLMSKALRKITGILSKSNTCIMFINQIRMRIGVMFGNPETTTGGNALKFYSSLRLEVRKIEQVTRSGSSDDVIGNKIRVKIVKNKVAPPFRKVELIIYFGKGISREAGILDAAIKHNLIQKTGSWYSLGDNKLGQGRESVIEYLSKEVELANNLDKRLRKIIFNNFDQENDNFIEFKEDESE

>BB0132

MSNVTTIEKLDSILQEDKWTRIVVNNYSLAKIKELDDLINNIIDEGLTEDVLDICGRHLKDVKKSIAGLYISGMLIYSRRPLNDMNLLAVIDLFSQNLKWALVEHICNEMLLISENKHALYTLAKIYAQNNENDKLPGIWTRIVEADIDDTVFVRQLATYYETIDLQKSIFYFRKAIYRFIDKKQMSGIREVWAKLIHYVSDDFDSFLLILQKIEKDLGFKKAIVLYEDLFDHYSLTDNVDETIEILKGILKLDNKNHKARENLVKFLRERYKDVKNIEDYLVKSDIENLDKNFVDVYLDFEKYLFFAKGNFVYHQTWSVGIVRDVNDNGITVDFVSKRGHFIGFDMAMSALSPLSREDIRVLKAVTPKEELADRVKKDIEWAIKVIIKSYKAIDLKGIKKELVPSLMTQSSWNSWSLKAKQILKDNPHFVMDSGKLDCYIYNERSSNLNEKMYDKFKIEKDFYKRYEIFINYCNVKGIVKDLHIEEEMLNYFLIYVNNFTKVDHHVVSSYVILKSLGNFSEELSSKVNIEKDVNLESLLKEYPKGIVDLFDSILNAEIKKELVVLIKEELSNWILYYKELFPHSVNKRLVESLYKEDPREVEKLFNYVIKNYKIYKDAYIWILKHCKAYSIELSYSDSDLLSNLIKILTDSVIKINNKNNSVASKRIYKMVINLLVKDGYLKSVLEVVRDEELAKRVYMTCFYVKDFPPKDLLEIKSIIRQLFDSVEFEDEKMQLAGERMEIGFLTILSSLNKKQKELKYLKEVEIPENSKEIGKARELGDLKENAEYHSAKEKQQFLTKRLNSLMLEIENAKVIDTKDLQSSVVGFGTKVVILNEVTGKDESYLILGPWESNPDEGIISYKSPFGENLLDSREGDSLNFVINNTNFKYFVKKIEPIKFS

>BB0133

MSSERIVELIKEIYLDFRKGNFKEALVKSEEAHSLDFDNIEILTALKSSVYWNGQVESLDRIGQDYEKAEFLIREWNNFAGRYLKKMGCNFLQGRNSIKYFVFQTCLYIYKNIYKMHPENLDLLIKIAKSYKGMGNYERAINVFLQILGDFKDNSDVVAELADSYALVDEIKEAKVLFREAFFINPQKIDIYSLESDMILRLIDLIKSDRNISDDLIKEWIPVYGSLNGVFNIKRELRPIELGQLKQSVYSLRNELKEKSYRSINESILLPRLINKYFWLIDHYVRIKEDRARIDEILLYIKEIDLGIYQQYVN

>BB0134

MESNSSYMEPNKIINKSIYYYNSKKYSQAIKLLEKEIFFYKNYYLYHYVLGMSYLRIGNLGNAQTYLKKAYTLNPSESNIKQAIAILLVSQGKEEKAIQIWLKMIEENQEVDRSELSLEIIRKNPIKGSAFFKNSNLYEKLFPTIKAIPDKNSTKLIIIIIIGGIVFISMLAIYFIFYEQKTTTSANLKAEINKNLNNIAAYIDDIKINNKEKIKNEEGQFILILTSEEIKNSFEKIKIYLKKGKDNFARVEINKILNSNASESIKLKAKNLASFISRPDFISFNEHLNLKDIKKDPSIYSNVYVKWEGVVNNIEKKDNIIQFDFYVGYNKNVLSGIIPTKTTFDIDIDFKDNVEILGQIEYKKNKLTLNAITIRKIDKNEN

>BB0135

MMDIKTLKGFKDYLPKDSLIRIHIVRQIFSVLNSYNFDLIDTPVLEYSDLLLKKSGDETEKQIYRFKDNGGRDVSMRFDLTVPFARFVATNISALKLPFRRSQFGKVFRGENSQKGRYREFMQFDFDIVGEDTFRGDAEILSVVYYGLEEIFLNFIEGINKKFIIHYSHIGILNSFFEKLGLKEKSIFILRNIDKIDKIGIDKVKEALLLEIEKEAVDSILSLVSLQGTFKDKIQALKSILGDNESIKRVEDVFQHLSLLKIQDSFNLNLKISRGLDYYTGIVFESEVFGSNMGSVCSGGRYDNLVSSFSNSIQKISGVGGSFGVDRIKDIIDLEKFSYIKIFVTKARSKVLIVNLDSALQNYYYELATRFRNHDYSKVKNISCEVYFKNKNGKNIKEQIEYALSKEIRFLVFVGQEEYKENKMKVRDLTKKEELLLSFEESINLIKCNEKLLCTPF

>BB0136

MTKRMLNNTYRIKTILTIFLAITLLTIYKYFTLMAFNNSPDNTISLKSNDIAKRGTIYDRNGKPIAFSSKSYSIGTNPQKIENIVSTSETLGAILQINSRILKEKLSSNKGFLYIKRKIKREESDLIKRIQAEGRLSNITLYPDYTRIYPFRNTTSNITGFVGTDNLGLEGIEFSLNSILGKDKTKQQFLNEEPETNNIHLTIDMDIQQGVSKIAKKYFKENNPESLITLVMNSQNGEILSMVQFPQYDANFYSKYPEEIRKNLSSSLTYEPGSINKIFTVAIILESGKLNLEEKFLDNGIYQKQFPSGEKITIKTLNPPYKHIDSTEILIYSSNVGIAYITEKVSNEYFYKKLLDFGFGEKVGVPFPGETKGLLNHYSKWSGRSKATIGFGQEIGVSAVQILQAASILSNNGIMLKPRIIKKISNDKGENIKEFDKEEIRKVISKNSAQKVLKMMREVVNKGGIPNLKIKNLDISAKSGTSQAIDRKTGKYSEEDYTSSILAIYPTEQPKYIIYIVYRYPKKIIYGTRIAAPMAKEIIEFIEHQQNTIAYKKIKMPSKIKIPKAETNYKNKTYLPNFINLSKREAIDILKYYKNTMKIKINGDGFVYKQSISPNTKLEDITELELYLK

>BB0137

MSIAKAFFEVADQQKDKIAQMYKVCNGYAHVTYGDLKNNVLKLASFLKSINVKHQDKIFICSENRAEWTVIDFAILSLGAVDIPKGSDVTLFEAEIIFNSVLPSVVILENLNLLNMFIQIKFTVKPIFIIIENLNQEDRLKYSDFEIYTYSDCILFGDTLRKDSEIIEIASKVDSNDMATIIYTSGTTGHPKGVMLSHANLLYQVSSFSLMVDTHVGQIFMCILPIWHSFQRSFSYNIFLKGMVCLFSTIVPRAMLDDIKNVNPHYIAAVPRLWIAIRQNIYKEVSKKPFISRMIFHFFVKAAFLSDICYRVVMGLYPDNGFSLFFPIKKILGIFGLICAFPFKALGNVLIFNKINKILGNNFVVGITGGGSMPLSAVRFFNSIGIELANAYGLTETSPGVASNKHKKVIIGTCGKILPGTVAEIRDIDGNKLKKPGKGILFVKGPQVMLGYYKDKEATCKIIGSDGFLNTGDIAKLSKDNVVQIIGREKDTIVLNNGENVEPAPIEIKLEESALIEKAVVVGQDQKFLGALILPNFEEINKYLESVGQKIFDANNRRQIIANNIVLKAINDEIKKLINKANGFKPFEQILKFTLLEKPFEVGKEMSIKMDIKRSYILNFYKNEIKNLFI

>BB0138

MTDCFKGDKIDPKHCYYICENNWIIFNVLVILKKILLAKILKLKFTSRFSIIFLLKYFFKLCFDFLGFY

>BB0139

MLKNHSKLIIQLKVVMMIYLKKMGNDMTKFYNYRIEIVSNLSLELDVFECIEKIEQELGESIYYSKIGNVYGKGKKGEKHGNGVWPEENFILIIYTSNQSIVERLKDIVDDLNRSYPTEGINLFVLRNS

>BB0140

MLVKRIVGKPITMLILFSLLLMISLYTFSRLKVDLLPGIDIPQISIHTVYPGASPREVEESVSRVLESGLSSVKNLKNIYSVSSKESSTVSLEFYHGTDLDLVLNEIRDALELVKSSLPSKSQTPRIFRYNLKNIPVMEIVINSVRPVSELKRYADEIIKPGLERLDGVAIVTVNGGSKKRVLIEVSQNRLESYGLSLSRISSIIASQNLELSAGNILENNLEYLVEVSGKFKSIEEIGNVVIAYKIPDISSGINLSPIEIKLKDIANIKTDFEDLSEYVEYNGLPSISLSVQKRSDSNSIAVSNVVMNEIEKLKLSMPKDMKLEIASDSTDFIKASISTVVNSAYFGAMLAIFVIFFFLRSFRATIIIGISIPIAIVLTFCLMYFVNISLNIMSLAGLALGIGMVVDCSIVVIDNIYKYRQKGAKLISSSILGAQEMMLPITSSTFTSICVFGPFLIFKSELGVYGDFFKDFTFTIVISLGVSLLVAIFLVPVLSSHYVGLYTSFQKNIKNAFIRKIDAFFASIYYFLEFLYINLLNIVLNHKLIFGLIVFFSFIGSLLLGLLLDVTTFTRGKENSITINLNFPHKTNLEYAKFYSNRFLEIVKSEAKGYKSIIATLRADRITFNVLFPLKEESRDNLTQSVDYDSIKYKIMNRIGNLYPEFNIEPSISGNALGGGDSIKIKISANDFEYIKDYGKILVSMLKKEIPELVNPRLSISDFQLQIGVEIDRALVYNYGIDMNTILNELKANINGVVAGQYVEKGLNYDIVLKLDRMDVKNLKDLEKIFITNSSGVKIPFSSIATFEKTNKAESIYRENQALTIYLNAGISPDDNLTQVTAKVVDFINNKVPHKEGITLKVEGEYNEFSNIMNQFKIIIMMAIIVVFGIMASQFESFLKPFIIIFTIPLTAIGVVLIHFLAGEKLSIFAAIGMLMLVGVVVNTGIVLVDYTGLLIKRGFGLREAIIESCRSRLRPILMSSLTSIIGLIPMAFSSGSGNELLKPIAFTFIGGMTASTFLTLFFIPMLFEIFPTCFKFQI

>BB0141

MMNLIFNINLYLKKYFLVLFLVLVACVGDNKLDDKNIDKEKESSYRFPVIAMKVKKGILSDYLSLNGDVDTKVKADIFPDAVGKITSLRIKLGAYVQKGQIVATLDPSRPGSVYLKSPVRAPISGYILNITKKIGETVNPQSNIAVVGRIDTKQILTYVSEKYISNIKVGNDAIIEVGAYSNEKFKAKVSEISPILDSKSRTIEVYLTPIGSNLDKLIIGMFSKIKLITKRFKDVIKISREAVVEREGKKFVFKVDLESKSVQMLPITVLFEIDNIVALSGEVEENDLIVVEGMSALSNGSLINLVDTKEGLSAESNI

>BB0142

MKILIKFYNFKVLIFIIRGLQIKKIFLIFITVSFSFAEIIQISPKQAVNMALENSLDSENALYKENIKKLYKNNAWNVFVPNVNLSSTLSRNPSALSELERDYWGFGFGVGINLSLSPSVLKRMQLVMLEYESAKIERESAVRNIKLNVLKSYNQLIALKSTLKVFESQIQNSKLKFEQARIAYNNGLISEIDFLDAQLKYKKSQPDLDGHIINFEKSKEIFKLLIGLDHDQDFEIIGELPDETIDFSLFNEALNFNESLEIKDLNMRLKMTEQLIDSLWLDTYLPSLSLSFSYSPYKSFHENSKGFSTGFLASFSLNYGLTEIFPFSKSFTKIQDNNYQLKILQNNVEGKIRNLKSSIVQKRKDIRRYKAILDASKINVELANKNYQMAFNAFNSGVMDLSKLNDIELVYKQSDLKFIEDKLNYANSILEYKNLINSLD

>BB0143

MNIFKILFILNYALIFLIKIYQNTLSKIFGLQCIYKPTCSKYSIECLKKYNFLTALILMTLRIIRCNALFKGGNDFTPKYKPILESLKEFKKRLIK

>BB0144

MYKLFLFFIIFMFLSCDEKKSSKNLKSVKIGYVNWGGETAATNVLKVVFEKMGYNAEIFSVTTSIMYQYLASGKIDGTVSSWVPTADKFYYEKLKTKFVDLGANYEGTIQGFVVPSYVPISSISELKGKGDKFKNKMIGIDAGAGTQIVTEQALNYYGLSKEYELVPSSESVMLASLDSSIKRNEWILVPLWKPHWAFSRYDIKFLDDPDLIMGGIESVHTLVRLGLENDDFDAYYVFDHFYWSDDLILPLMDKNDKEPGKEYRNAVEFVEKNKEIVKTWVPEKYKTLFD

>BB0145

MTKDFFILKIDNFFDFLVDNFSISDGVGFSKSIIFLYENLKNLFLFVNPLLFILTVCLLSFVFLKKRLIFLILPGFFFILYFNLWEASMDTIAIIFVSVLVSVILGIPIGILGGYFPRFYVFLKPILDLMQAMPPFIYLIPAIPFFGMGTASAIFATIVFAMPPVIRYTRLGIVQVSDEVIEAAKSFGSSNLRILFQVQLPLSLQSIIEGINQSIMMAISMIVIAAMVGSSGLGRTVIYSIERLNFGEGLISGLAVVIIAIILDRIMQSIFIKFSYLNTDHYGGKKENKFKRFLEIYNK

>BB0146

MSRVAVKIKDCYKVFSYYVNKKQISRAIKDYEDGKDRMQIYKESSIFIANANINLDVYENEILVIMGMSGCGKSTLVRCLNGIYKIDSGSILVNNMEMNAINRKDLSNLRKDKFAMVFQNFGLFPHMNVLRNVTYGLEVKHIPRKIREERAIEVLNLVGLEDSKYKYINELSGGMKQRVGIARALVVNPDILLMDEAFSALDPLIKGEMQEELLRLVAKLKKTVVFITHDLNEAFKLGHRIAFMRDGKIIQVGKPLEILANPSTDFISDFIKNLPVLNILKIKDILKDDFDLNSGGDNGLNVIIKCQGENFSLYDKALNKRYDNLVSLNLDLNDEIKKIVEYLNKQDYLIIKEKGTVVGYISLNEISYLLSR

>BB0147

MIINHNTSAINASRNNGINAANLSKTQEKLSSGYRINRASDDAAGMGVSGKINAQIRGLSQASRNTSKAINFIQTTEGNLNEVEKVLVRMKELAVQSGNGTYSDADRGSIQIEIEQLTDEINRIADQAQYNQMHMLSNKSASQNVRTAEELGMQPAKINTPASLSGSQASWTLRVHVGANQDEAIAVNIYAANVANLFSGEGAQTAQAAPVQEGVQQEGAQQPAPATAPSQGGVNSPVNVTTTVDANTSLAKIENAIRMISDQRANLGAFQNRLESIKNSTEYAIENLKASYAQIKDATMTDEVVAATTNSILTQSAMAMIAQANQVPQYVLSLLR

>BB0148

MPVKKNSTKIKKKETQIAIALKIIIIIYFFD

>BB0149

MASGFFVPGLESKYNTKEIRESMLKSDKAKIDSSFKKLESLEQEKSAWQLINRKISTLNSLAKELTSLNSPFNLMSGNSSNSEVLTLSTRYGSKNETHKLIVDQIASADVFLSSNFDPKKVTIPEGDYIFLVGKKEINVKSNGNIDLLVKDINNKGKGFLSAKIVKSDKNGNSRFVLQSLKEGKENKLVIKGEGLSFAKQIGILSELKTNFNPNLSDIVVNQSSSNNKLAFENNGLVLNPLSEVSIEIPEDIEITSRSKIKFEVKYFDTGLEEPDSKIIFNPGGATFKDAKVESEDSVVDLGSDLKTPLEKKYIQMNMVKICSKEGSLELPLINISNNFEEVEVDVGALSNLEEINIENKANNKVIVISNVEIFDPKNRDGHLPINAKSFAENAKIKFDGVDVERDSNVINDLVPNVTLSLKKPSSDMVEAKIEPDYEGIKRVLLDFIGAYNEVLAEINIVSSNEDQPNNQKSNIVEELTYLSDSQKEEAYKNLGILRSEFLLKNLKSKLESIIFKPYVTSDPNFSIINQMGVFTNSISSSGGLSRYLRLDEKKFDESIRNNIDNVRELFLYDLNGDRVYDNGIAKMLGDCLSPLVASGGVIYNKIKNYDLKIFNQKNKVEDYKKKYEDRERKVEGELNTLDFTVKRMKDQENTLKAFDFNQRNK

>BB0150

MFGCLRIHVFKIYFIFLIIHYILFSILLMI

>BB0151

MPNFCLFNSKSVLTGNDKIDNSAVLIKDNKIFDIVTSDRLKKMDLEEYQMIDTKGNYITPGLYDNHIHGFHGHGTDQCSTESILKMSEHLAQYGVVGFLPTLYPRPIDEMIKTIKACIAAIGKEKGAKILGLHLEGPFFSPEKKGAHPVSYLHEPSIEVMQKLIDAAGGVFTGSNGKRKTHISTMTVAPELKGMRELAIFCLENNINLQAGHTNATYENMIEGFQVGILHTTHFFNAMSKLDHRNPNAIGAVLIHGDVSCEIIADGHHIHPKLILMLRKLKDISKIVLVTDGLTPNCQTCGKLIANGDEVYIAEDGLFHSVKSNTIAGSTLTMIQGLKNLIEFGFSLSDAVQASSYNPTRILNIDKKGLICHGYDANLNVLDKDFNLKLTMIESKIIFNNL

>BB0152

MRLIIRPTYEDISKWAANHVAQKINEFSPTKENPFILGLPTGSSPIGMYKNLIELNKNKKISFQNVITFNMDEYIGIEENHPESYHSFMWNNFFSHIDIKKENINILNGNASNLKKECEEYEKKIKSFGGIMLFVGGIGPDGHIAFNEPGSSLTSRTRIKTLTQDTIIANSRFFEGDVNKVPKNALTVGIGTIMDSQEVLIIVNGHNKARALKHAIEKGVNHMWTISALQLHKNAIIVSDKNATYELKVGTVEYFNDIERKNFNNDLK

>BB0153

MSWQKLKQEVFMFKLPELGYDYDAVEPYIDAKTMEIHHSKHHNGFVMNLNSILEKMGKIHLTDVSNILKNIHDFPEEFQTLIRNNAGGYSNHTLYFRTLRPGNKDNLFEKFKDDINAAFGSLDVLKANLKDTAMKIFGSGWAWLVLCPESGLKVISMPNQDSPLMNSYKPILGIDVWEHAYYLKYQNRRIEYVDAFLKALNWEEVSKVYNEVIN

>BB0154

MLKAVLETTIGSKSKRDLKDYLPTLRNINKLERWALLLADEDFSKETEKLKDELKSGNSLENILERAFTLSREAARRRLKERPYDVQIIAGLALHKGKIIEMKTGEGKTLSSVQAAYLNSLTGDGVIIVTVNDYLAERDSNWMKPVFDLLGVSVGVVLSNMDYELRKAQYAKDITYVTNNELGFDYLRDNMRYDLNEKSLRKFNYCIIDEIDSILIDEARTPLIISGPTEGNTNAYLEVNSLVSFLKECSKDPKTGDYPLEIDDLDGDYTVDEKAKRISFTAKGLNNLEQLLVSKGIISGSMYTDSNFNYVHYMTQALKAHLLFLKNREYIVGDSGVEIVDEFTGRVLTGRRYSDGLHQAIEAKEGVRVANENKTMATITFQNLFRMFDKISGMTGTADTEAKEFHKIYNLDVVVVPTNRLLARIDEDDTIYYTEEFKFNAITDEVYKTYKKGQPVLVGTVSIEKSEILSAMFKNRGIKHEVLNAKNHSREAFIIAEAGAKHAVTIATNMAGRGTDIKLGGNIEHRVRKKIGTNVSLEEFQEAVKNERENYLKDYNEVKSLGGLYVIGSERHESRRIDNQLRGRSGRQGDPGRSRFYVSLEDDLMRLFAGDNLRSLMGKLGMATGEPITHSLLTKSLINAQKRVEDRNFEIRKHLLEYDDVITKQRDFIYAQRNSILEDTAIKDRILVALEEYLSFLLEGTKSSTVSNVFLNEVNSIFAYMLESLGSIENISSLDLKAKLMQIAKANLDEKENLIGRDLFNGFLRYEYLKNIDFKFQEHLANLDSLREAVYLRSYANKNPITEYKEEGFSIFSELIKDIKVSTIRRVLQLKLDSNSSDFKSTKKSRNVKPIHKELSGIVINENKSASNVQVVRSSPKIGRNEPCYCGSGKKYKNCHGKS

>BB0155

MKKHYKALILSLLFAIISCNTKTLNELGEEQFKIPFGTLPGAIMPLNNKFTNSKFDIKTYNGLVYIAEIKTNKLMIFNSYGKLIQTYQNGIFKTNPDLKIKKIDFEGIQAIYPLKDFIIVADKLNNKKSKFNQKENIAYFMRILILNKNSSVEILGQEGLNGMPFPQIYDVNVDENGNIAIISIYSEGYIIYSYNKEFSPLYKIYVNKNLLKTIDNQKKKYNISIDKVFFEVNKKTLYVKTTYYENIGDNENINDLGIKIKDQYIYKMSLKKNKELEVINKIALPKNLLDDKQESFINIIKIQKDKIIASTNMKNLSNNLIWKLDSKGSIKEQIALIEPPNLMFLSESLSKDGILSILYGGKTGVSVYWWNLNALLKL

>BB0156

MKKINCNQKLEIEYQKKMKKHIIIGIIFVAILLFFKILLIPRIQNHENNKNNIKMIISYKQDKNRLSLKINIKTKKTTNLGKAKLDIYLDSKLIESNLLYISSKNFTTYANIIYQNESLLSIILKSNGNNNVFYSKRIKPRGKI

>BB0157

MIQIYFMSVSLNILGGIILAFPILIERISFFKIFEDFVNLINDNKKVKSIFGLLFLITSALEIIKPYKLPIIGNLIPAVSLFLIGFILFLKQKLPTEVQNNKKYGKFKSILESNQQIIGIISITIGIIHFLAAEIPLL

>BB0158

MVFRTYKHLELIMLPMLMLSCAFFKKPQSVHQDSNTGKPISDEKLHLISGKISNKKLPIINSNHDVTWIKTKAMTILGEDGKEIPEFKNKFGYSYIISPVKMDGKYSYYASLLILFETTKNGDDEYEIEDVKFVTAGSTLELKNSLLAVENSQEEGYVTAYPFGILMSDEIKNAFKLTYKNGHWNYMLADLTVKNKLTQETKIYKISLNSKLIIEFLKEVLKENSILKDIAGDLFEDI

>BB0159

MSIKKFILTLIILSLAKNSFSENEINIFENENYIVKENIKTEIKKLKQSFLLASVDVAISQPYIELADLNGEPIKELEGISYSFINVFSKIGSSAIISFDLSNEASKKYKIIKLEFLSPDKGNFINQLSSLTSGKQQSKKELAKDAYSFGTLRTESLSKTIAEYYKDNNWYYILAAITVENNINKETEKYEIRINPKIYNDFQKKLRLHFKSNQIKKFPIPIIE

>BB0160

MYNNKTMGSNKTIIINLNNLEHNLNLIKNKIGEKEIVATLKGDAYGHGLINIFKFLKSKNINYFGLSNIEDAKTLKKIDKNIKILMYIKVDKKEIKNLIKFELVPFVSDFEYLFLIEKECALQKNKIKVHLKIDIGMNRYGIKIDDALEIATYIQNSKFLELEGICSHLPSIENFKTTQKQIEQFLFFLETLKQKNIHPKFVHISNSGHIINYKLNPQFNMVRPGLILYGYCQSLKNKKPALNFKPVLSLFSKVIFIKNVKKGEKISYSGIFQAKEDMKIGIIPIGYFDGIPQNISNDFYFLINNKKCKIRGKVCMNLTIVEIPKDLKVKTGSKVEIVSEKLSIDEMSKFSKRSHYELLCNIGKYEKRKYLD

>BB0161

MIDLLYNKIYQNRVDLSRNLFMLFIIFFISAPLFSKEVYYRFADYSVNYSIVGKYEITKEESEEEYGYKFTYDRNNNLILVDYIGKLSILMPSFFNASQIKIERSKRSERRIFLNRGLAFKNNNGVYIEHIEYMSDGRIKNIFNYNRSNEMVRDKYDVSYYHFLYDNEREFSVYRFNESGIQIKDLNNVYFTKISYDHTKFVKTVLYYDENGYIVRSKNGTFGFRLTYDANHNLIKEEYLDKSAYAVSNPFSVATKIYHYDVDGKVIEILNYDINNNLTPDENNVAIYRYEYYFKDKDCYYKEYNYDNNNNLTISQNGYAMKKTIFYIQNNEKRIINYSNKINKNYNRDIPTVYEEKYEIMDNFKGIAIYSYKYDDNFYLIENIFFDKNFNLIADVKGVMIYRYSYDKEGFLIAQEHFGGDFVNPIDDFEGVSKYKFSYDSNGNMISKKNYSKDGVLVADCNFVFEYLYEYDKQNRLISQKNFGSLGQLQDDIHGVSVYKYEYNKFGKISKQSNHGPDLRLRDDVGGFSIYKWIYDSRGNLIDFQKFDSLGNLI

>BB0162

MAKISKNAQRVGSKELISRWGGKIIMKSKFENGKIKHYAECQTSKNTARKPRDLF

>BB0163

MKKLPEIFYMSSKEVDILISQLGISSDTQKSILKTLLSYKKEAIDYSSFIEEHSVKIRGLKGELDFLFRKLYEVKRGIVTNRIATDGEFLPDSIILTDEASYDFYYYSIDDLFLKTYIGIELFSSLLTVKNIESSLLVFKNEFITIADSDINYKFFETKSQLKEILVWKSLIIPSSRALYFIEFVKKIFFNIASNNVVKDVFVRIKGLKLIDYEKTLEEGKNIIGAISKILSGIIEIKDEVLGKKGITFSKNYFVFLEFLNLFIKNEKDLEELKAIEAVKIDESLKAIEKTLEFKKGSIDTEEFFGILKVYSEGLNDPENFLLVANMYFFESKIHDILPKIFQVKENFYLYKPFAYEFFLEEYEKVLKFLNSELRASIFKILSFGDDPSSIFTEEGLEEVLSRLVSRYIMNEYCLKNKVKFLDLIVSHYRRICKTQSVQVHLKDLIKVEAAKYFKNSNELLPLYKIYKLDLYSILNAAYKDLSLFKRIVLFLTGKHQSYKEALSRLDFRAGLNKSGSGLFDSNERVKRQLEKIRKQREEIKEQVRNSFPKKGAAPKQVASKSYTKQEQDEAWVKFSDRIQKK

>BB0164

MLFLVKEIYLQHLIQFFYVGFGIFLLYLGGNLLLKSSVGIATYLKVPTLLIGVTIVSFSTSAPELFTSLVAAFKGKNEIVVSNVIGSNIINMLLALPLAGFFLKIKADFKRLKLSFMFLFLLMFLLLLLSFDFRSYSFFVTPYNRFSSFSILILFLSYLLLFYKEEKEYASLENSFQEGASNLNQSFNFIFFNLLSFAISMYFLYLGSKLLVDGALYIANNVFNVSEKLIGIILVAFGTSVPELVVSLFAIIRKESDIAFGNIIGSNIFNIGFILASSSFFRPILLQDIYILDFSIMVFITLVLFLVVKFKGVFGRGISLIFLLLYFLYNLMLFNFY

>BB0165

MYMKIFIYWVVIFFFSVFKVFSIYSLTDEEFFKKYSLFFVHKGFLSKNVNGKITKVQVNGINSRWVYPFYKLVPSRITSIYEDVYSSSSFLTTSNNLYVSYDYSKNFRKLVGIDKFNSGAYITSSAFSQGDYKRIAIGTAIHGIYLSVNGAISFKNLNRLIPQIYLGAGYYDIISAIEFSKEETNNLYFSSGVYGDIFLISQKSGFIKKISFPFKKQIIRILDLSSKNVEKILVRTYDNHFYSYINGQWVFIGKLSLQDQDFFEKSQRMQLAKNKGSIYLTAYTLRNKKAVDERFKFIKDSGMNAVVIDFKDDNGNLTYSSKLSLPNKLRSVKNFIDVPYILKKAKELGIYVIARCVVFKDSKLYYYDNFKHALWNKKTNKPWAHLIKKVDSSGLVKYVQVEHWVDIFSPATWEYNISIAKEIQSFGVDEIQFDYIRFPSDGPVSLAISRMNKYEMQPVDALESFLIMAREQLYVPISVDIYGYNGWFPTNSIGQNISMLSDYVDVISPMFYPSHYTDDFLPSNFYYTKRAYRIYKEGSDRALAFSLDGVVIRPYVQAFLLGKERLVDDEIYLEYLKFQLKGIKESFGSGFSLWNASNVYYMIKGSLKEYLDSF

>BB0166

MKYKKTRINLNLKRKSGILLNISSLPSKYGIGDLGKGAYKFIDFLFASSQSYWQMFAYSPIDFTRSPPYSIFSAFAGNVYYIDLEALDKFIDSDLSLLKENETRYSDLKKISFKDKFLKEAALNFINRASADEVRSFEKFKKKSSYWLLDFASFVAFKEYFFKESKNAFNVLFDRGILKRNEKDLFKLRNILSKEIKVQEVLQYFFFSQFQALKRYANDKGIELIMNVPFFIAYDSADVWAYQKYFKLRFDASKDKIAGISPDYFLEQEQAWDSAAYSWNVLKKFKYEWWAKRIGVLRKYADIIKIDHFRGFVSTWEVSAGESYAFNGLWVKSPGRDFFNFILNEIKDLKIWVEDFQNDLEDVSRLRDFFNFPGMKIMNLAFDFDSSNQNLPHNYIKNCIVYTGSGDNDTIREFINSLDDLHKKYIFDYLNTNENFVVWDMIRSAMGSVSDNVIVSMQDYINLGDKFSANIPKSTLDNCIFRLLESDLDATLSQNISFITRLYGRA

>BB0167

MNTKATTPLLLLFLIQSLAFSSEIFEFKYIKGSKFRLEGTDNQKIYFNGHYNSSSNTNIQISSEIKDIKENFASIKAFFRILKRENINEPYLLNEEFEEIFSVNKQGEYTIGANQKRPSVRGIPRFPKTPIKINEKWSYLAEEYIEASKIDKSIKDFVVKFNVNYEYKGKEEHNGKHYHIILSNYESQYNVKNISFYQKVDQKIYFDNEIGNTYKYSDKYIFEINQNNNQHFKMIGNSLGRIVSIELPNDNLIETEVENYIREKKIKAIEVEKNNKGINLSFDIEFYPNSFQILQKEYKKIDLIAKLLEKFKKNNILIEGHTEQFGLEEEMHELSEKRARAIGNYLIKMKVKDKDQILFKGWGSQKPKYPKSSPLKAKNRRVEITILNN

>BB0168

MQKAVSEHEFIEEIKKFLSAEKREILDSIKSVENSKKEIINNDMYPKDVVDIAFDNMDGNNLEALGFVEKRKLNLINQALYRISQNSYGKCLACEREIARERLLAIPYAFLCISCQTKKEKKNKR

>BB0169

MFNHVKFILLEKIMEVVLNIKEEAIETEGIVKESLPNTMFRVELKNKHIVLAHLSGKMRKHFIKIVPGDKVKVELSPYDLTKGRIVYREK

>BB0170

MVEKNRRESSCSKRRLVIFFIYFFSIARLYSLTGIDFVKNIKVLKGDKFIQIVRLNNPLQDIDISLLKVEINKEVQSNSNVLSISRTTDNNFSFIEIRVEYLFESLGFIKIPPLKVIYKGDFYISSEVEVSVLRADEINSFGLPVDLYWDLDKKEIYEYQSIGLILRSNWLSDSNSNEMSGSLPAIKDAMVEKMPIFGDIKYRTFHNKEILDVPFYNFILTPLKGSKNVLIPSFSFNIGSGLVRNTPELLLKVKPIPGEVKSLAVGTFRVDYETPTYSTIEQDIFTILIKITGQGNFPHFYFPEIETYNSKILNKKKNYSFKPSKNGYKGSISQIYTVKPDTKGSVFLNIGDFNYLNPDNDTVYTLKGKKLKYEYSGEFNSINRAQNNVDSDFKLLSYADILNYKNKTFLFFVSYYYLLLIPGFLLSLIILINYKKFFAASSFGLVILILAVGISLNAVNDGLLSEKNVNDLIEDYNTKNYDAALIKIDNILKKYPNYSGLWLNRALVLSKMDRDFDAIYSAYKAFLASPNNETSYKVIDLIEAKNGVTDNVRNNSFIFSNIFFIISLFLINFLVVSISYRFLAKNLKKIIIFLLFSAVCFTIFETYYFYYEQQSEVGIIKGDLVSLYKVPDNFSRSWRFLKGNASVYILDSKDDFVLIETSYGLQGWIHKNFVVSLKDDLI

>BB0171

MGRNFLAILYFCFLFLGFLSCSNVKSMSLMAIGNYEYVRGNYQNAISNYYNLVEDEKYSAWGYYNLGVVYYSLGEYESSLRIFSYAKKTNDIFLNFNVNYNEGVIYYNQGLYHKAEVAFKEALKINPGSYNAKYNLELAIIKKRAVRDSLNSLSVEKGKNFVESNENFLRYIENLERVVWLRKIDENLAVPKEDW

>BB0172

MLIACLFYFFKNFLKRDTMSINNYSALYFFLVLLFIFFVCVLDFRRNIPFFKTLSFMYGDNSYIQNYYIKKVLMSMFFIFSLIFLILSILDISWGQRAVEDERNKLRISFIFDISRSMLSVDEGKIINRLESAKNMISLILSNFENAEYSLTIFKGKSKLVLPFSKDKNSLNKMLNYIEPDLISSPGSFLGDAVFSVISNVPDDSYYNFLVILTDGDDWGENNYYRFSKFVNNLKLESFVVGIGGSNPVLFNQNLSIKDKNGNLVKTGINEENLLLLASSLKGSYYNLYLKGINFVVNDIRNGIIRRTSNDIILVDVSRYKIFLVISLLFIFMYLFVRMIKWDETF

>BB0173

MKNLIEVLMLTFNEPLYLFLLVIFPLIIYFNHFLKNRGGKIKFPISLYGNFNSLKLKDYRLNLMYFFTYSFLYLAAMVMVFALAGPSVSKKKMIHLSAGADIVIVLDISPSMGAVEFSSKNRLEFSKELIRGFISQRENDNIGLVAFAKDASIVVPITTDREFFNKKLDDIYIMDLGNGSALGLGISIALSHLKHSEALKRSIVVLTDGVVNSDEIXKDQVINLAQGLNVKIYSIGIGSSEEFSVEFKLRSGKFYQGSFKEVYDPSMLVEISNKTGGLFYSVNDDFSFQFAIQDFSKKENLERKIKIAVDNKDIYKEFLVLAFCLLLVYFIFSKIFLKEIL

>BB0174

MKRAVSNLFLFLTLSLYSYEIKNEIFMPTRYYVGDSVDFKVSLILNDGEEFSPVDFKDINIKDEFVEVNSISFNNTTNEIIVNFVSFYIGSSSLPSIYIGDVISNGKKNKVILKNIKINTDKLVSNNSDFKIKNIEGVLFIPGTSTYLFLFIFVLFLIPYLVIKLLKLLNRLLIYLIVKHGLKKPYKVLQRQFVILSKYVRDGGDQSAFYNLINSSLRVYLSKKTGFDFNAITTTEISIILQDLKVPYEIRSIFINTLRLSDFSKFSGVDLVFDSLSFVLEDLRTAASNFEEFNRGANVNI

>BB0175

MIQDNEISSSTKTRIKALKFFSRKMLSELNFGGYRSIFKGLGLEFHEFRPYEDSDDARFIDWNVSSKADSIFSKVFKEDRGMNLHLLVDNSLSMSLGDKVNKKDVQDLLVSIFAHMAFFNNDKIGVTFFSSGTDKFIPSSKGHSHLGLILSETINRNLKPGSSLAYIFKNTAEYYKKRSLVIIISDFKANAYFKSLNVLSKRHNVIAIRISDFFDENFPKIGTLICEDIETGENFLVSGFSKSTLSGYKNYWTLDKIKWKKECIKKNISFIEIDTKEDVFKKLKILLKKGQ

>BB0176

MILTRSIMKSGFQIDSEVENALHLINKFRREVATRVLGQKEMIDAILMGLLTDGHVLLEGVPGLAKTLAIQTVSDVLDLEFKRIQFTPDLLPSDLTGNMVYKSATGTFKVRKGPVFSNVILADEINRAPAKVQSALLEAMGERQVTLGDETHRLPDPFFVLATQNPIEQEGTYNLPESQLDRFLLKVNVHYPSVQDEVRLLKIFSVDGRLENIKVAKVMNAYSLADIKRTVGRVKVDDKIMLYIVTLISASRERDKKTYPFAKYIEFGASPRASLSLLKCARVNALYEGRIFVLPEDVKAVAYSVLRHRITPSYEAEVEEMSIDDIIRMLLSAVALP

>BB0177

MISDIEFALSEHNFQFAYKDLQKINLYIKRILLLNTRFNLISNSNSNFNSILNLHVIDSLLGLSTVKEINPSEVLDVGSGAGFPGIILAIFDSSRKYYLLERSKKKSTFLKMIKLELDLENVKILEYEIEKEKKKYEFITIRAFRNMNEYALILKNLLKGGGLIMAYKGKFDRINLEVNQIKNLFSKIEVKSLNSKLRVDRNLVLLYR

>BB0178

MFGEINMDFDAIVIGGGHAGIEAALALSRLNFKTLMITQNLDTIGKLSCNPAIGGLAKGNMVREIDALGGEMGRIIDFSMIQFRVLNKSRGPAVQAPRAQADKLMYQTKAKETLERQDNLDLFQDTVVDFLLNSMRNEIEGVVTERGNKFRSSVVVLTTGTFLRGKIFIGEYRADMGRLAEFSAYGLDKTLLGLGFEMGRLKTGTPARIHKKSVDFSKTEVQFGDSDIIPFSFSNGKLDKSQLSCYVTYTNKKTHEIISENMHLSPLYSGEIVGNGPRYCPSIEDKIVKFKDKDRHQIFIEPEGFNTEEMYLNGLSSSLPENIQQKLINSIEGLEHAVITRPGYAVEYDYINPIELYPNLESKRVKGLFIAGQTNGSSGYEEAAAQGLMAGINAALRLQNKKPMILTRTSSYIGVLIDDLVTKGTKEPYRMFTSRAEHRLNLRHDTSDKRLIKIGYDLGLVDEKRYSRYLFKESRVEEIKELLKQRRLSLKDVVDEQLKKHVSKDFYHILKDPSISLDNLIKIDPSLSDSKVILEQVELDVKYEGYINRQKDLIKRLDNLELVKLPFDFNYEIIEGLSREAREKFSKIQPATLAQASRIPGIRSTDITVLLIYFSNPKNKVVINFSL

>BB0179

MSKFFERDDDIVALATPFLSSALCVIRSSGASSISKFSKIFSNHSALNSASGNTIHYGYILDSENGCKVDEVVVCLYRAPKSFTGQDAIEVMAHGSVIGIKKIIDLFLKSGFRMAEPGEFTLRAFLAKKIDLTKAEAIHEIIFAKTNKTYSLAVNKLSGALFVKIDAIKKSILNFLSAVSVYLDYEVDDHEISIPFDLILSSKAELKKLINSYKVYEKIDNGVALVLAGSVNAGKSSLFNLFLKKDRSIVSSYPGTTRDYIEASFELDGILFNLFDTAGLRDADNFVERLGIEKSNSLIKEASLVIYVIDVSSNLTKDDFLFIDSNKSNSKILFVLNKIDLKINKSTEEFVRSKVLNSSNLIMISTKNLEGIDILYDKIRALISYERVEIGLDDIIISSNRQMQLLEKAYALILDLLSKIDRQVSYDMLAFDAYEIINCLGEITGEVSSEDVLDNMFKNFCLGK

>BB0180

MKTKLETELKEVLKKELLLVEEIYNSYLKIKEYIDNKNEIGLKEVANKTKILLESFKEIESKRDEIWKKFTKNENFKSTYEAVEKLTTIYKQEIYDYLHKLKIGILNIKNLNYIIQNYVNTSLDMLSIIFQDIQESVENVTYKNPYGPKIGRSNEASVLINKKL

>BB0181

MDSTFSGIEIGKRSLFAHKDAMNTVGHNLSNATKPGYSRQRVTMKTEIPLYAPQLNRAKKQGQLGQGIVVQSIDRVKDELLNTRIIEESHRLGYWTSQDKFISILEDVYNEPEDQSIRKRLNDFWESWHDLANQPQGLAERKIILERGKSFCEGIRNRFHSLERIYIMANDEIKITTDEANNYIRNIANLNKQISKSQAMKDNPNDLMDARDLMVEKLGNIISVSIENKQDPNEFLIHAEGRHLVQGSIANEFKLEATNGPTRTRWNILWANNDKAYLKTGKLGSLLNIRDEEIKNEINELNNIAANIIEIVNEIHEAGRGMDKKNGRSFFSQELKLTDDRGRYDTNGNGQFDSVHIFKINSTNEIFPEEKLGFYGTLKFEATNSNEIVEIPYNAPDTVQDVINRINNSNAQVTARINSEGKLEIKAVKEQEDENITFKIKHIEDSGSFLTKYTGILNASGPEGAYDYKNIDTTDKLAPKSTYSISPLKNPAAWIKVADIIDSDPSKIASGIKNPTNEISIGDNQAALRISSFGNSQIMIGKNLTLNDYFANTASNIAIKGQISEITKESQSQILKDLTDLRMSISGVNKDEELANMIEFQQAFIAASKFITVSVELIDTVINKMGV

>BB0182

MINRVSHPLTYENFKTSSAEQESKITKLLENLYKGGKRIVKLRNDPTGVTHAIRLDNDIFKLNVYIKNIDTSKSNLRYTEGYLQSLTNILTRAKEIAIQGASGTYESDDKKMISKEVNALLEDVVAIANAKGPDGYSIFSGTKIDSEAFKVTRENKISKTSKDGAGPQIIKVEYNGNQAEKKTEVYNDIHMSNNYPGNVIFFLQNQNIISSINTNGFAVKENTKIYIDNIEIGLTAGDTALDIVAKINESSAPVEASIDPVLNSLSIKTTTPHQIWITEEKESNVLQTLGILTKNNDTKLPPYNLSSSTEVRSRSIFDALIELRDTLYNNKEELVGSRSLAEIDESLKRLLISVADLGAKENRLDRSYERISKEAADMKEDMIQYTDLDVTKAITNLNMASLAYQVSIGISAKIMQTTLLDFIK

>BB0183

MIDEKSIEFDFPEGILGFENIKKFIIKDSKYKPFSIMQSINKDVSFLVTSPFNFLSEYLPNIQEKDWSDIKAKEEDEKVILCIINMHVNDYKDITANLKAPIIINKKKLLGKQAICTNEKYSLHHKVFKE

>BB0184

MLVLSRKANESIKINSDIEVLILEIKKDAVKIAIKAPENIKIFRSEIYEFIIEENKKSLLKDKHNISKIKSLFNHYFKNEN

>BB0185

MVNTLAFEYSYKALIVYCRINNNNFSLVKLKSNLNFSVPKIFNDFVIKNNIDLNQIELIINSCGPGSFTGLRISLSFVKGLALGLSIPFVNISTLDVFANLVENNPSAVVLTFTAGKYFLGNYKNCKLIGKILCFSKKDLFEYLNQIDPNSVLIGNNLEDVCKECNYKFKIIENLSSFGKILTELGVAKYLKNRKGDDILSGPLYIRQSDAEVNFHS

>BB0186

MILEFKSEKKMINFSKSFFYPLPIGKIFVLSGDMGSGKTSFLKGLALNLGISYFTSPTYNIVNVYDFINFKFYHIDLYRVSSLEEFELVGGLEILMDLDSIIAIEWPQIALSIVPKDRLFSLTFKIVGSGRVVELNG

>BB0187

MQLISLNNIEKQESFIYYRNVYFADVIYKYNDILEIKKVKFVIEATPLGEKHVTIDFIDLLNYPVLKLMVAIKRRVIDLEFKGKLP

>BB0188

MARAKNGTVHVARRKRILKKTKGFWGTKKSNYKKAKDTLXKGMMYATRDRKVRKRDFRRLWISRISAALSDTGVTYSRFIEGLLKSNIKINRKILSNLAIEDVEAFKKIVLEIRR

>BB0189

MANKMKTRKSAKKRYSFTVNGKVKYKKQNLRHILTKKSSKRKRNLRKSGNLSCFEVKRIKTLLPYG

>BB0190

MINRNANRDRDRSRSNDKELKINYRIKAREVRVIFENGTQEVLSIEDAIKKAKEAGLDLVEVSPNVSPPVCKIIDYGKYKFHQEKRQKEQKKNQKVIKLKEVRMQPKIDAHDLDFKSKNILGFLKDGNKVKVTIRFRGRELAHTYLGYGILNSILEKVGDVNYVLESAAKMEGKTMFLIVAPKFKK

>BB0191

MFTKSNKINNIDKTNIQITQVFSQSIDLKNV

>BB0192

MSLFLLTSLPLILKIYMNIRLKQSQTKNTQAHVLAIFLAITMFSFLYLTQEFILYRSFELDYTSRISLGISIFIKEHLYYYIFPLLIFIFFFTLNENSLFKKKLTILIYFTFGLIFSKNLEIIILNSKIFGIYEYIELPILNAIELIFSAIIFEKKIKKCQKYSAKEYKIILSPILFLGLFIATLKTLILTNMSIYALIILGLALISMTINNKYTEK

>BB0193

MSGPKKLAIIALLVISIQGCKESSIIEKQFNYAIIFSDATEYFFEIQTTPFIKNEILFINDKNLEIIKDKLKTTKKILLTHKSNNEILNNEILKEKIFYLSKIKFSLKKSIDFLLNEKSIDLQKTLLFRDKSLNNEDLEYLEKKGKEKNVNITLINEKNISYIQTFITSQIKTIILFSLRDNNIILKKILNSPFSKNIKFVLIGNTRKDLKIIKLKYIITLKEPDLIKIAKDVEKDFQYEFNIYKQ

>BB0194

MMDSLLETEKSIFFDKLIDTHVHFYELKKRSLDVNYIINECFKNGFSYFLDVGLHPSDFNDRKDLLSPYSNVFLTAGIHPLNLSDHFKDDIKQLEKILISENVVAVGEMGLDYFKADNKKFQIKALEEQLYLADKYKRPVILHIRDAYDDVYNIVRSLNFLNRGILHCYSGTYEHAKKFIDLGFKVSFSGNITFKNAQPLRILVGKLNINDLLIETDSPFLAPVPLRGKINSPLFLGYVCLEIARIKNCSVNDVAFAVYNSFKDLLLLH

>BB0195

MLNEKILDALGDLSSISDDQLLDVTEKSKRGYQLIKEERLSEAESLFSDILEKDNENNYALVGLGDIERKKNNYDKAIVYYQKCLVKHPSNNYALFGLGDCYRNLDNYKKATDIWEEYLKYDPENITVLTRVAASYRKLKNFQKSKQTYLKVMELIPDNDYALVGIGHLYYDFKEYKEALKYWLKMYELNQSKVDVRVLTSIGNCYRKLREFTRGIYFFKKALEISPSNFYAVFGLADCYRGNKEYKEALKYWLDIIEKDPKNNLVLTRVGDAYRYLNDYENSQIYYKKALDVDFDMFAILGLALIQKEQGKYEEALIAIKSLIKNNPKNSALYVNAAECYEALGQIGNAVDILSSFLQLGMKNIVVIDYLAVLRKKME

>BB0196

MLLEKLNSATSKIKLIEEKLQDINLIKDQKKYSKIIKEYTYLEKINTKKIEYEKILSQINDTKTILEKEDQQEMKELIKQELIDLDKKKEDLEHQIKILLLPQDENDSKNIIIEIRAGTGGEEAALFANNLYSMYIKYSEKKKWKTEIINFNETELGGFKEIIFEIKGKDVFKKLKYESGVHRVQRIPITESNGRLQTSAATVAVLPNIEETEIDINEKDLRIDVYRSSGAGGQHVNTTDSAVRITHLPTGIVVQCQNERSQHKNKDQAMKILRARLYEFEDSKKQEQRSSNRKQQVGSGDRSERIRTYNFPQNRITDHRANITLYKLEEFMQGELDPLLDPLMIALQEQELKSNSI

>BB0197

MNINEVINYAKGXNLDTIEALLILELILKTKKELIIANIKKSLTKKEKKLFFDQIDKIEKGIPIHYILQKKEFMGIEFSLNKHVLIPRFDTECLAEEALIQIQQNGFKKILDLCCGSGCIGLSIAYYIRKKVILSDISTKALQIVEKNTKKLKLEKFVEIIHSNLLKCIKGKLDIIITNPPYLNKEELEIKNKIKKEPTKALLGFGKDGLNISRKILNQAKEKLSPNGLIIIESAPWQIKSLKDFAIKKGFSHLKTIYDLEKRARALILGQRDDTSIRNCTFNQDK

>BB0198

MIQAYEIAHLIKINDLEKARNIFKKTVENTYKDEFERKSIFKALEIAEQLHYGQYRESGEPYIIHPIMVSLFLAKFQLDFKATIAGLLHDVLEDTNVEKEEIVKEFDEEILSLIDGVTKIHDLHNKTRSIKEANTISKMFFAMTHDIRIIIIKLADKLHNMTTLSYLPKNRQDRIAKDCLSTYVPIAERLGISSLKTYLEDLSFKHLYPKDYKEIKNFLSETKIEREKKLYKGKLSIEKELQKSGIEAEITVRSKHFYSIFRKMQTRTNKLTQIFDTLGIRIICKKQKECYEILEIVHRVWKPIPGRLKDYIASPKENKYQSLHTTVRIPEDNQLIEIQIRTEEMDRIANYGVAAHWIYKEQIELKADDLSFINRIKKWQQESANKSQYSMNDIHKELLNTFIYVYTPEGEVVELPFGSNSIDFAYIIHTDIGDQALYAKINGKISSITKPLKNEQIVEIFTSKDSKPDVIWLNSVRTKKARSKIRSWLNKNDNTIFVDNNIIAYLVGANKEQRKLFSLFKSYTKTKIKRIAIDPECSPTTGEDIIGIIHKDEIIVHNENCQKLKSYKKPQLIEVEWEATPTRKVHHIILLLKELKGIFSYLENIFTLNDVRLISEKIEDCGNGHGITNIIVSSNAKNITKIISALKENPNILQIMQIEEDIKNYDN

>BB0199

MTINILLLLLLLSSTGPTIVPNKMEKNAFNSSNKITSIETEKNIKTHIRKIHQLNERQEKIINTFNYIKKYFNTNEVKYMEYSLQEIGFIGYSQKIIHSKIKGKNANTYNIITPIKIQNNLKNNLAIGIAIELLNKLKNTNPENNINFFFVEDDSLEQNTIISSRILLSNKYLGKNTNTIYLMLNENKIKNKIYLENESFITNSKTNLGFLKAIIKTFEKNKLDFNTAKITEKKSNNLYNLYRDESIPLLIINNNLNPILTQNKNTIFEIYKSIEETLTNEYKSKNTDETHYIVIDTPFKKIIINEIALIALIYICYNLIIIVFIRKFKEAGIVMKKVKNNYYKLVRLFFTLFLSTYISLLLTNKIFAGYENTAIYSITNPKYLITFFXTLLIHNLLSLFTYNFTIYLNYRQLKYLAISTSIIEPIILMFIKIEFILIIIIKSILLLIKPNKNTIIRKIVILIIWIINFVLITLIQNTTSIKNTLTLSYIISTCLFSSIFINISEHLKSKLPKIKQNLKKAENLGLVTFFLITTIIISSNIDKKEHEIQIEQTVSFPEKINKIKIEYPKDKKHPIQIISNDFNLTLQANEKILKTNIEVDDELMNIDLKKIDIAERAVYSIDLVTQKIANQIELHFKNASKLIIYQSNTPYKILANKIIFTLKNINSKKTTIAFTLKSQDDIAYEAFANIYIKKNQIKIYNKTNNTEEKNIKINYSYKIKYSGILPKAEKYKNLEYFKLKDDKEIENLKNLKLN

>BB0200

MLIFGGVSFEHEISCKSAYSIYLALLDLNKYNIYPVYIDKCTGVWYLLDSVSDPPKPINTDVLPIVSLLPGFGIFSNNKNLEIDVVFPVVHGRTGEDGAIQGVLKVMDIPCVGAGIIGSAISSNKYFCKLLLKSFDIPLVPFIGFRQHDYFLDKEEIKRNVKEVLGYPVIVKPAVLGSSIGINVAYSENQIESFIKEALKYDLTIVIEKFIEAREIECSIIGNEKMKIFSPGEVVVQDFIFYDYDAKYSVIPGNSIIFNIPAHLETNQLLSIKEYAFLTYKNLELRGMARVDFFVEKKSGTIYLNEINTIPGFTDISMFAKMCSNDGLQFKDLVDNLIDYAFQSYINRKKRIDFEN

>BB0201

MNKKLNEVLLKLDQDLIKCVKGSLDLEISGVTYSSKLVLPRFVFFALPGIHFDGHDFIEIAIQKGSNVVVCSRDVDFYSPNVTYIKVDDFNIRKFMSNFSNIFYDEPSKKLKVIGVTGTDGKSSVCYYIYLLFKKKGVKVGFISTVFFDDGSGSLIKNPYRQSTPESTEIHSFLSTMVKNEAQYAILESTSHGLDLETARLIDVNYFAVVFTNIGHEHLEFHGTIQNYLNVKLGLFRSVSDDAGFGVINLDDLYSSDFKNAVKKSFTYSLKSSKADFFVSFIDEKTDSTRFEFYHKGVKYLANVSLLGSFNVENVMAALILVSQILNIDIQDIVDKLNCIKSLDGRMDSINLGQNFSVIIDYAHTPGAFSKLFPIFKRFATNRLISVFGSAGERDVEKRFLQGQIADIYSDLIILCDEDPRGENSMCIIKDIAKGIVNKVENKDLFFIADRKQAIEKAISLAKAGDLVVALGKGHESSIIYKNREVFWNEQEVVKNAILSLEKSEKEK

>BB0202

MLELIIILLFIILSAIFSASETAYTSLSIIQIQDIRKKGKSGISVYNLVQSPSKLITTILIGNNISNIVASTLTTKFVLEKYGNSALAISTGLITIIVLIFAEILPKQIAILNNEIIALSTSFFLKPLIFIFTPLIYIINKIIKKILNLFKVKTSSQMTKESIKNMLSLAGSLGILKNDSRIFMQKMLDIDQVRASEIMTHRTGVFSLSSSSKLKDVIKLIKEEGYSRIPIYKGQSREQIIGILIAKDLIEVNKKDMNKNVSQFIKPAVFVQQNKRIKDILDIMRKKQKIMAIVIDEYGGFSGILTIEDIVEKIFGAISDEYDIKEEKPLITQINDNTYSILGETTFDEIEEAIGISIKHKEYTNTIGGYLIDLLDKIPTKNETVKTNDGEYFIKEIQNNKIETITFIKSKK

>BB0203

MFDIKQIFNKTYEYLIIIITLILISIIVIANIFIVGPSEEAIVLRLGKLNRTLDSGIHVKIPLIEEKFIVPVKIVQEIKFGFLISPSDIRENDNANDESRIITGDLNIINIEWLVQYKIRDPYSFKFKVEDPETTIKDIAKSSMNRLIGDNTIFEIINDNRVGITEGVKSSMNEIIDNYNLGIDVVQVQIRNALPPKGKVYEAFEDVNIAIQDKNKYINEGRKEFNQIVPKIKGEALKVIEEARGYKESRINNALADTEIFNAILDAYLKNPDITKERLYNETMKEILENKDNIELIDKNFKNFLPFKEVK

>BB0204

MKFIINLLLSTIKIITFTVIVCLTILSIFQPIYILKENEISITTRLGKIQRTENLAGLKYKIPLIENVQIFPKIILRWDGEPQRIPTGGEEKQLIWIDTTARWKIADINKFYTTIKTMSRAYVRIDAAIEPAVRGVIAKYPLLEIIRSSNDPIQRLSNGILTPQETKINGIYKITKGRKIIEKEIIRIANNNTKDIGIEIVDVLIRKVTYDPSLIESVNNRMISERQQIAEEQRSIGLAEKTEILGSIEKEKLKILSEAKATAAKIKAEGDREAAKIYSNAYGKNIEFYKFWQALESYKAVLKDKRKIFSTDMDFFQYLHKRN

>BB0205

MILKEIKQIKDLSEQDIIFSRIGNLSKLGTRINEKIIKILSKGNTPYIPVLKKEEDESYEDLIKKINEEILNDDLNYLREKLIDNLKDVYKPFKEDDPIFITKGKKPLMKINTLMETEPNQIYWKEILEGSFKILPRHKITSLQKILLEIYHYFDVKKLRTKENLKDKKTLKKLYLYSARRDYEFFKGKVKTEGDSILLHSVDTTIYFLITIANLNKIRSLKNAPRSTIKFFLDKTEYNEFTEFFYAEDMILQAALGSLLHSIGLMHITILENMGNKISLKDKNFKEHHKLKIEHLEKNINIAKNLFRIREDISAITKMIINGQKDYLDATGHPQLKINKFIHELVRIFCIVDTYDELVNPIIIKESANPLETVKFLIENSGKYYWSRKEPKEQTKNKKFDIKMLENFLTILAPFDYGQIVDVNKKNNNENLFQAAVLEYKMSIAPNLSIINKKNQTYKIEEIIMDLENKEILIKDANGNYKKNPLNNVDDFVIKNSIPELNKNEIQLIPFSYEKKINPTIFSKK

>BB0206

MFFKIVLKFLFMYVSSGKYKGKKILFPKNGSVRPVMSLVREAFFSIIFKDIVNSKFLDVFAGTGIMSVEALSRGASLAHLVECNRKIKITLVENFSFVEEFYKFFFQRAEDFLSKKDLFYDFIYLDPPFNYKNKINLLEIILKGKILNDKVSIIMHYPSNEDLEINTSKFSVYNLKRYGGSKLIFLKIL

>BB0207

MKGIILAAGYGTRFLPITKTIPKEMLPILNKPAIDYIIQEFIDSGIKDILLISSRRKKVLEDYFDREIELENIFLKENKKDELEKIRSKKINISFIRQKEMLGTGNALLYAKPWINREPVVVAYPDDLCIGNPPLSLQLIKLYEKTGKNIISIIENPENINRYGVIDLYKDEIHVKNIIEKPKIGSEPSNKASIGRFLYNYEFFEHLEEGFKLHKKGEYYHIYALKKLMDQKKVLYKNIEGKRIDIGTLEGYLEAIINSAKKDKKLMGIIKKGINEND

>BB0208

MKTIKKDSEFYDSLATLKKHINKYIEEKVLKYSISSQLYKLEKPEIIELIKISNDYEKEKNAFNTSLEECYYKNTQNEAIKKWILEIVRNKNFIQISKEANLNTKKLGTTYKLKSSNFLKLIEIQNSPYYSQEKKDIYKQIILNFSSNINIDSLEQTIDILVAVRNRNKIKILNILNKNLKYRPENQKVFKSSLTNKESRLIKLKRMLILTYWPVGCLSKNIFIKILIKXYKYLEEEILALKYNEILNYLRALKTLSLNEIFYKGSSKNISFNYFFSDFTQYAPKDFQDTLKCYLYVIEKTITKKYLTWFFKDKISNNWESFIDALEYIEKHKLINIKEKIKEIITAKFQTEDFFISFDKTNFNPYESSIFKERYIKSAFLEIIMHYVKKNSQNIETYGWIAFYIYADNKDKKIFCQRMKEFFKSKTFEIQNQIFVYFLSFYPNIEYKHFKFISDILLYLDENKITIPKKIIKIQKINPNQLDYQKSYLLIKSLKTRSRILKIIIKNIRFNLIEKLEDENEKKLLPAMCYLIYCENLVELKNNRKIKSNEKNSLLEFISFFKTKLKQKINFKKELMKSKGI

>BB0209

MRIYLFLNKNYKIFILFLILILNSKLAYSQRLIRIGKEEMKNKNYIQAIETLSDAIKKYPKVQLGYYFLSIAYRENNQLTEAEGALLDGIAVGGEIDYILYYELGNIMFNRGEGYYPLAIKYYSNSIKSRPNYDSALLNRANAYVQQGKITSKEKEYQKAWDSYTMAIHDYSQFITLRSKTEKKDSILLIISYLRNEKINLEQLDKSLKGRTEHIVYAKEDKNQILKDSFKDNLETNSLIELEKLNWQEELYIDE

>BB0210

MNKKHTNFSVLLLLIFLLILSFGGFGYYIYQSKLNDKNREIMLNEVKNSVIDRNYKKAYSVAKLLQDKYPQNEDIAMLTNTLAEIANSSPFESKDLQRDSANQILDKIKGQDNTKTNVNENFDIAFNNRYIKDSTITENYSDRNDDVGIEDEDISEFKKSKIPEKIKPNTNPKEEDQIIQSPNPKLSVNDQKNLFNLEKLKKNLSGKSNSENILNDSQKIENDKQNTNLSKEKNSENILKTPDNSKYSNNNNTTSLKKISSNSQKESELSPPSQTIIGKIYRPYSYLIKKELYEILDDINTGRVTLGKNRLKELIKKGLSNKFQKVNELIENSKNKEASNLLLTLIKKDIEPNLINIPKDPYKKEIFQLDKEDKKPQYLEDLKSKVHSIKPIDLENTKSRQQAIKDLNEFLKNNPNDAQASKTLAQANKIQHLEDLKSKVHSIKPIDLENTKSRQQAIKDLNEFLKNNPNDAQASKTLAQANKIQHLEDLKSKVHSIKPIDLENTKSRQQAIKDLNEFLKNNPNDAQASKTLAQANKIQHLEDLKSKVHSIKPIDLENTKSRQQAIKDLNEFLKNNPNDAQASKTLAQANKIQHLEDLKSKVHSIKPIDLENTKSRQQAIKDLNEFLKNNPNDAQASKTLAQANKIQHLEDLKSKVHSIKPIDLENTKSRQQAIKDLNEFLKNNPNDAQASKTLAQANKIQHLEDLKSKVHSIKPIDLENTKSRQQAIKDLNEFLKNNPNDAQASKTLAQAYENNGDLLKAENAYEKIIKLTNTQEDHYKLGIIRFKLKKYEHSIESFDQTIKLDPKHKKALHNKGIALMMLNKNKKAIESFEKAIQIDKNYGTAYYQKGIAEEKNGDMQQAFASFKNAYNLDKNPNYALKAGIVSNNLGNFKQSEEYLNFFNANAKKPNEIAIYNLSIAKFENNKLEESLETINKAIDLNPEKSEYLYLKASINLKKENYQNAISLYSLVIEKNPENTSAYINLAKAYEKSGNKSQAISTLEKIINKNNKLALNNLGILYKKEKNYQKAIEIFEKAIINSDIEAKYNLATTLIEINDNTRAKDLLREYTKLKPNNPEALHALGIIEYNENNNDQTLRELIKKFPNYKKNENIKKIIGI

>BB0211

MNKIRFLDKYLVQKIAAGESIDRPCSILRELLDNSIDSGATKIEVFLEEGGIQKILIIDNGSGISKEDLKICYLPHTTSKISSEEDLRKIETLGFRGEALSSIAICSNISITSSTTSNESYQIEVENGIEKCFKKQPAINGTIVDVTKIFHNFPARKRFLKQEPIETKMCLKVLEEKIITHPEINFEINLNQKLRKIYFKESLIDRVQNVYGNVIENNKFRVLKKEHDNIKIEIFLAPDNFSKKSKRHIKTFVNRRPIDQKDLLEAITNGHSRILSPGNFPICYLFLEINPEYIDFNVHPQKKEVRFYNLPFLFKLISDNINNFFDKNINNYQDIIIKRQLTEDDHLIEMTNQPENFNKINTYDIPQNNNLETEDVNEPNKNTTQSNIDLRRYNSIIQNRPTLRENIGNIFSDNFLEFEEPPNKNEKEEIKFNYIGQIFSEFLIVEKINEIYFIDQHAVHEKIIYEKLRNSKKNVQKLLVPIEFTVVDKNIEEIIDSEIEEYKQMDIIISKIGPKKYQLESIPNICSQYENTLINFFQSRRSRTINSLESDLYATIACRKAVKRNDMLSAEFSKFLINEFFKLEIKHCPHGRKIYYKISKFELEKKVDRA

>BB0212

MMKKIKSEINLLKIEKDKNLIELGKILKNNNIVELKNLNHYPNLKLVEKELYQMKSNLSKSEENENILKNLNKKIYILKKEYKSTSKSYKKNLKEIAKTIIEIYPQNLELISKYNMNFSKLKLEKYKKIELASDHKTKNYLQRIMLEVSSTINNIINMINVYKISKEFEKQVFTKYYPSENFESIMNEFSLNKKLNNVIVKEFKIINEIKTNIKNIKEEIKEIISTSKKEKIYKKNTIKNEINVITKNKENILKKIAEEFIEITKKDKMTAKTNAISSIIQKIEKINQKILNLNNDLIKITKQEEIKNIQQKIQALTKEKNKINNKLDALTSKIEVIQNELDNE

>BB0213

MQSGLKIKLILFFCCFACSCDINYPEIKELDYKINYYFTENRLDYSMSFDFAIKVINSKDVFKLSIENKNTNEFIQVINNNYSSFFIDSSLGKDILYCKDLRFNFFDKTFEDFTSCVRLFDKGMRVYNRELVISLGMSKYDLDDVHNYVYKSKDMEMLNKLSNSKVFFVKTYKDKLHPVSSVVRIDSIDILEIDKAFDNYISFYYVEKNSNLFFKVG

>BB0214

MAVVKSSEIEKGSFLLIKGAPHIVLEREFSKTGRGGAIVRLKLKNLKNKFVIRETLKGADTAEAIEIYEVSAQYLYKDKDVLVFMDLETYDQVSLDLKESANLQDKVPFLQESEIYSLVTFDNVVIDIKLAPKIAFEVVEVEAAVKGDTVTNAMKNITLNTGLVVKAPLFINVGDKVLINSETKEYAERIKN

>BB0215

MMKKVIILIFMLSTSLLYNCKNQDNEKIVSIGGSTTVSPILDEMILRYNKINNNTKVTYDAQGSSVGINGLFNKIYKIAISSRDLTKEEIEQGAKETVFAYDALIFITSPEIKITNITEENLAKILNGEIQNWKQVGGPDAKINFINRDSSSGSYSSIKDLLLNKIFKTHEEAQFRQDGIVVKSNGEVIEKTSLTPHSIGYIGLGYAKNSIEKGLNILSVNSTYPTKETINSNKYTIKRNLIIVTNNKYEDKSVTQFIDFMTSSTGQDIVEEQGFLGIKT

>BB0216

MHLSLKTKRKIIEIIFKSFILISAIISSLSILFLGLFILKTGIMPFLNNKIKILNFLFSTNWDPTSNLQKSYGILAFIINSFLTTLFSILIALPIGLGFAIYLLEKAKGFYRQFLQTVIELLAGIPSVVYGFFGSTFIAALVKNIFQREDNLGYNLISSSLILSIMIIPTIISVCYSSLKAVPKSYKFASLALAATDWQTIYNIIIPSASRGILAGTILAIGRAIGETVAVLMVGGGSPLFIKNIFSPIRTLTVNIAMDMGYASGVHREALFSTALVLLLFSIITNLLKNFILSSNKGLKKK

>BB0217

MSVLISKKTLTKNENEIINTLGVDEVEKLIKGKEKWVNLISKDIKLKIIKYLDQEENIIQTIEKTEGALAIVPWHYFQNFKAPFIKMHYIDKSSPLNLNFILSIPRDSGAYGGISYLILNTFYVILLTTAISICIGIGTGIMLAEYTSSKIFYKILSMSVDILSSIPAIIFGLFGLIFFVPILGIGILSGAITSSLMILPMIVKTTEEAFKTIPKSYKYASFALGANKTETIIKVMVPAAIPGILTGIVLAIGRALGETAVLLFTMGTNLGLATNLNEPSRTLTVHLLMLFQEGHLDKGFGTASILVIMVLIINLTSKFLINKLYRIK

>BB0218

MIKEKDTPKNEVIIETENLNLFYTDFKALNKINMKILKNSITALIGPSGCGKSTFLRTLNRMNDLVEGIKIEGNVIYEGKNIYSNNFDILELRRKIGMVFQTPNPFLMSIYDNISYGPKIHGTKDKKKLDEIVEQSLKKSALWNEVKDKLHTNALSLSGGQQQRLCIARTLAIEPNVILMDEPTSALDPISTGKIEELIINLKESYTIIIVTHNMQQAGRISDRTAFFLNGCIEEESSTDELFFNPKNTKTEEYISGKFG

>BB0219

MIKSILDYLLTLHPVLLGLLGSTFTWFTTAFGAAAVFFFRKVDNKIMDAMLGFSAGIMIAASFFSLIQPAIERAEELGYITWVPAVFGFLVGAFFIYIVDVFVPDLDKLTFIDEDLTKHGKKDFLLFTAVTLHNFPEGLAVGVAFGALASNPDIQTLVGAMLLTLGIGIQNIPEGAAISLPLRRGNVALAKCFNYGQMSGLVEIVGGLMGAYAVYSFTRILPFALAFSAGAMIYVSIEQLIPEAKRKDIDNKVPSIFGVIGFTLMMFLDVSLG

>BB0220

MTLNKLRKKYIDFFKSKKHFEIMGKSLVPENDPTVLFNTAGMQPLIPYLLGEVHPSGDMLVNVQKCLRTGDIDEVGDLSHLTFFEMLGNWSLGAYFKEYSVKCSFEFLTSSDYLNIPKDSLYVSVFEGDQEIPRDTETAKVWESLGISKDRIHYLSKDHNFWGPVGSKGPCGPDTEIYVDTGKSKCSLDCNITCSCGKYFEIWNNVFMQYNKDENGNYIELGRKCVDTGMGLERTIAFLQGKSSVYDTDAFMPIIKRIEYISGKIYGQKEDDDRCIRIISDHVKAACFILADSSVVFPSNLGQGYVLRRLIRRSIRYAKKLGIKSHFLADLVDSVEAIYRSFYNELTEKKDFIKKELSKEEEKFFKTLSQGEQEFIKITRNLPSKTIPGDIAFKLYDTYGFPYEVTEELAIEYGFNVDKLGFNEHFKKHQKTSKKGGDKVFKGGLADYTYETTKLHTATHLLHKALQLVLGDHVRQKGSNITAERLRFDFVHSEKMTDDEIKKVEEIVNLQIKNSLSVKKIIMELSEAREKGAMALFGEKYDDLVSVYEIDGFSLEVCGGPHVENTNELGTFKIQKEQSSSSGIRRIKAILIDE

>BB0221

MKVMQDPRLSKYKNAKNLSKKTVEEIDTLSLNKNFSDSEIQGSMLRSWISLIKGNKNKTPVEPKSNNINELKPGFIRKESKVTKIAKYFLAIGLEKSAKIMSELDDSDIILITREISKISYIAPEEKEHIIKEFEELLRNQKRYVKVDDNFAYELLNKTLGKSKAKSIYKKVTGNDIFIPFDYLSQIEHEQLWALIKDENIKTLVILYNYLNKDQKKYVFSMLEEEDRRKFVKDLVKPRQLSMETIEAISNKLKDRFKMQGNLKTDKLDGSKILVDILSYMDFNEEKNLLNNINMRDLNPVVDSEIREKIFDINVILRIMDNDLHNILREFTDKEIAIIIKDKADEVRDKMLSNVSKRRKEIILDEEAFLGKISKKDLKTMTTAFVNYIKNLTLKGDLIIYRKNEEFI

>BB0222

MEFLYSDEENYLKDRFFDFFNMNVDKDKYTSIGICGGRSIVNFLSVFLKQNFSFRRSHFFLVDERCVPLNDENSNYNLLNKNFFSKMVDKNLISISKFHAFVYSEIDEATAIHDYNIEFNSRFNIFDFIIVSVGEDGHIASLFPSRKLLFSDVEGYQYEYNSPKFPSKRISLTPKSLFGSKAVVLLFMGVDKKCALENFLASNSSINECPARLLKEHPNLLVLTNIKRDESYAGS

>BB0223

MYIALITNTIDIEKMKTVEKNIIEFYNQGLPISSNRDLRYYLNRINDTNFQILAGSIRNAELSALEFTRHFGSKLDKIKNANQEYFKFFLVDIIFGNPKLYPKEILRIASTIYYYLD

>BB0224

MPGRKDLFFLILFLSFSIIISCRVKGIVIKNGNCIKAKGISEKEILLASVSCNLHYDLNSDSINDGIKANNLNLSKIKAFLLNMYVYCFNYQYN

>BB0225

MLMNRKISIAPMVNITDEHFRYLIRLLSKKVTLYTPMISAKSIIMGDVKKIVKQNPLESPIAIQIATNSKNDALKAIQILEKHFNFDEYNLNVGCPSLKIQNANCGACLMGNANQVGEILKTMKENTNKPISIKHRLGIRPLSSDYKNESYSEVKNFVKIISDFGIKNFIVHARIAILKGFSPKNNRNIPKLRHEFVYKLKKENKNLFIEINGGINNSEQIKKHLSFVDSVMIGRSAFENPYFIANASREFLNETDEILTRKDILMQMVEYIKEYENYLSINILFKHLMGIVFSKEGAKKFRQNLTAPFPKNLKKHEILLKAIETLPEKILNSNS

>BB0226

MLDLKFIRDNLDLVKRSIKARGLVLDIDKLIYLDDKRKKLITKIGELNAKRNENSSKMQENLDKVLKISLIETGKILKKQLIDLEEELERVSVDFDLENKKVPNILSPDVPIGSSEEDNFEIKRVGVVPQFDFKPKDHLELGRDLDLLDFDRAREISGSKFYYLKNEAVFLEIALINFSLNKLRDKGFDVFITPDVAREFIVDGIGFNPRGNESNIYKIEDTDKYLVGTSEITLGGYYYNKIIDLTLPIRMAGFSHCFRKEAGAYGQLSKGLYRVHQFSKVEMFCFCKAEESGVIHDEFLSIQEQIFTELEIPYRVLNICSFDLGSPAYKKYDIEAWMPGRDGKGGYGEVTSTSNCTDYQSRRLKIRYKDQDGQNKFAHMVNGTAIATTRVIISILENFQDQKGGVRIPKSLVKYTGFDYIPFKN

>BB0227

MLNPRTIKTTFMLISTLMIFNGCTKKLTKINFKDISLNSNKMNSLIINSISSKEDSQFYEYNIRIPKLIIEGKEKGNLEELNNEINEYVSQIVARLDIVSKELKPENKKFSLKINYEIYHGHNIYTIILIATQEINDSPITNYRSYYIQDKGNYIHNIDDIIKTDEAFPFFIKKIKEKILPNELLFDLQQAVIYFENKKIIIKFPEYTFKLDDTEELPNIFEFNESEIAQFVK

>BB0228

MKKKKIFKLISKTYLEEHDAEGYYFKHESGLEVFHLKSDSFKENAFCIAFKTIPSNNTGVAHVLEHTIFCGSSKYKIKDPFLYLLKGSLNTFLNAMTFPDKTIYPAASTIEKDYFNLFNIYADSIFNPLLKKESFMQEGYNINPKDFKVSGIVFNEMKGSYSNKNSLINEIVSSSLFEEGAYKYDSGGIPTNIIDLTYESFLDFYKKYYTLENCKIFLCGNTQTEKNLNFIEKYIIRPYKKEKSNVNINIENVKRWEKGKKLTYKIPKENDNSLGVYTINWLCTEINNIEDSIGLEILSEILLDDSCSFTINILKSGIGEDIAHISGINTDLKESIFSFGLQNVVENKEKEFKNLVFSELKNLVKNKIPKELIKGILFGYEFALKEEKGQNFPIALMIKSFKGWLNGLHPIKTLQTSYYINEITNKLEKGIYYFENLIEKYLIFNNHYTLISFIPSHDTEKEMEEEIEKKLMAREIEIKQNPEEFLQFKKDYNQFKKYQNKKDSKADIAKLPLLKIEDLPKQIEKSLDLNEIKELNLHSFKFKSNNIFNVNLFFKLDFLEKEDYIYLSLFKRALQDLSTKNYSYININNKIQNTLGQINISESYDEDIDGNILNSFNISFKSFNNKVKESFELIKEILININFHDYERLKEITLSLKNDFKSLLIPKGHLLAMLRSKSKLKLNEYLKELQNGITGREFWQKAKTDTESLKEIANKLDNLKNKIILKNNLSALIMGNTDDILKNLENEFFNLKESLEESNHYNGLLNLDANSKALREIIIIQSKVAFNAICFPSYKINDENYPKANFLEHVLRSGIFWEKIRVMGGAYGASASIANGIFSFASYRDPNFTKTYQAFEKSLEELANNKMTDDEIYTYLIGLIGTNIYVKTKATEALQSYRRKMLNISDSLRQDIRNAYFTITPQDIKEISTKILTQIRQHNSIASLVNNQIYEEEKNNLEKLIGKEYSLKKIY

>BB0229

MRKDIHPKNNLVVFKDGSNGAMFLTKSTLNSKETIKYIDGKEYPLVTVEITSKSHPFYTGQQKFVDAAGRIDKFNKRYKKS

>BB0230

MDKKNGGFDLESEIRRLDVSKEFKIEDNLKKKVVKVVAKKDSASSVTKSADLSGVKDSNGVIFSDFDYDIPSSGLENNIKTLEQSNIIKFFNGKDYVEIEKLYDKPITEVRKIVEGLGTNHTIAVTMKKTELIFLLVKILSENNIDVLFTGVLDVLSDGYGFLRTASNSYLSGGNDVYVSPSQIRLFNLRTGDILYGQIRSPRDGERFFAMVKIKSINDQDPTFAQNRIPFDNLTPLYPNVKLNLEYENCNISTRLINLFSPIGKGQRALIVSPPKAGKTTLLQKIANAITTNYSDVILMILLIDERPEEVTDMIRSVKGEVIASNFDEQASRHVQVAEMVIEKAKRLVENKKDVVILLDSITRLARAYNQTMPTSGKILSGGVDSNALHKPKRFFGSARNIEEGGSLTIIATALVDTGSKMDEVIFEEFKSTGNMELILDRSLADRRLFPAINIKKSGTRKEELLLSEEERSKILLIRRILGGVDDYEGVEVLIEKMKKSKNNEIFLKTMSNGN

>BB0231

MPVNIVDSYKWDCKLDSSLTFRGKLKFEGTLYLDSSFEGEISSKGGVLFIGKNSKVITNVVICDTLIVEGILKGNVNAASKVYLNSGCKIYGDVKTKKIFINDNIIFDGKCEMIKSNEIVDLFSFTVSQIKDTLQ

>BB0232

MSFSRRPKVTKSDIVDQISLNIKNNNLKLEKKYIRLVIDAFFEELKSNLCSNNVIEFRSFGTFEVRKRKGRLNARNPQTGEYVKVLDHHVAYFRPGKDLKERVWGIKG

>BB0233

MTIFELVDILKLLFNNIIKEYNLRKNASALKRSRQNLKRKIRNVSVKSELKTIEKRCINMIKAGKKDEAIEFFKFVAKKLDTAARKRIIHKNKAARKKSRLNVLLLK

>BB0234

MRDLFFNNVKLISLFVFNVVICLLYLGFYDASFFYFVLALLLVNFFVIFFYLRYFYSISFKGSKIYYKGIFLSYNFDFSDIISFEKRLSDNVLILQLKNKKKIKVCFWTGNGSSELFKELKIKRKDLFVPKLENFPIRYYLSCTYLFMFLARIMIALFVYYISLSNIFIFLFICFIDIKVLLGDFSVISNIVLFYEFRKDSICERKIFKSEIYFYEFFEKIFIAREFEFNNKNYLCFLYKENHQTKKVYILNKKISYSMQKVFEYINQNYCTKLT

>BB0235

MRLNAGIVGLPNVGKSTLFSSLTSSNVEIANYPFCTIEPNIGIVEIPDERLLKISECIIPRKIIPAVMEFVDIAGLVKGASTGEGLGNKFLANIREVSLIVHVVRCFEEKEVIHINDDINPEKDITTINVELCLSDLETVQKSLQKQEKNAKSTDKKISESSKAIVLMLKRLEDHLSNMNPAVEFKFDDFEYNFIRSLNLLTFKKVLYVCNVDENSLSGNKYTDIVKNIALKEGNDFLILCAKIEAELAQIKDISYKNEMLKLFGINDSGLGNLIKKAYYTLGLRTYFTAGLQEVRAWTFKQGMRAPKAAGIIHSDFERGFIKAEVYSCEDLFKFQSVQKLKEKGLVRIEGKEYIVRDGDVIFFKFNV

>BB0236

MLIFGFIGLFFLNIFSLHAQGIVTNKDAQEEFKWALNSYNNGIYDDALLSFKKILSFDPNNLDYHFWTGNVYYRLGYVEEALMEWRNLKDQGYKVPYLRHLISTIEQRRGIFSNYELNFKKLVKVASLDNSIYKRPHGYQITSLRADKYGGYYAANFVGNEILYFDVNNNVNALVKDGFSYLKSPYDVIEANNLLYVTLYSSDEIGVYDKVLGVKRKSIGNKGTKDGELLAPQYMAIDKRNYIYVSEWGNKRVSKFGLEGDFILHFGSRTSGYKGLLGPTGVTYLNENIYVADSLRNTIEVFDTSGNHLYSVFTSIEGIEGLSSDFVGNNVIVSSKDGVYKYSIAKKTITKILKADKMNSKISSSILDANNQMIVSDFNNAKVSVYKSDASLYDSLNVDVRRIIRLGGPKIYVELNVSSKSGLPVVGLKSENFSISNENYYIVNPKVAYNVNASKDINIAVVFDKSSYMKKYDTDQIVGLNALMELSKNKNFSFINATSVPIIDNIESLTNSIRNTSSLGPYSTDAVKTDVSLKLAGSGLMSKSSRRAVVYFSGGILNRKAFEKYSLDTIVSYYKNNDIRFYLILFGNDPINSKLQYLVNETGGAVIPFSSYEGVSKVYDLILEQKTGTYLLEYYYPGPQEPNKYFNLSVEANINQQTGRGEFAYFIN

>BB0237

MKTRCFCLAAFSGILTTLAIPNEIKETGYSILGFVAYVPLFIALNKLEDKKALMGLTVFYFIIANSLQNFWLGFFHAFGWITFIGVIIGYIPYSLTLGYFLYYSLKSFKNKTMSITMLFTFYDYSRSIGFLAYPWGLAAFTVNNFNNLIQIADIFGVFFVSFAVYFLNSGIADFLIHKNKTNLLNIAFPTLLITASFTYGMIKKIELKNLLAKEIDSLNIAAIQLNTDPWLPGNDKKGIRDSIEITEQALKENPKIEFVIWSEGVLTYPFSKEDQHFKSSDLHNELKNFIKEHKIPFAIGAPSNLDKAIGIQQNSIYMVEPNLNITNIYSKIFLVPFAEKIPFYEYKFVRNFFLKNFRILGQIEGNKIEILKLKKFKFAPLICYDDAFPELSRFYKTQGANILVNFSNDSWSKTNSAEWQHFVVAKFRSIENGIKTIRATNSGITATINEYGETIKKLETFKKGYLLSTVKLSPTFTTIYEKIGDSFIHILVMMFLITTLRFQFMEDKNQLLSSSVVKIKV

>BB0238

MLMEVLMRRLFLLYILCSFVFLNLFAQGSSSYIDKQKELAIFYYEVGQRYINVGKIKKGKLFQAKALKIYPDLKKGFDIKLAVKELDARIKDDNPKVVMLEDIKLEEIPGIVHEKIEINDFTNAPKIEYIAQRERSKNQDKIIKFQFGKFARALISRNFDLFDSVIADKVNVMGQFESKNDFISTLSSASSKADADELEYLSVDDYYDLKSLKISKSNDTSFAVNVNAKKNDVTKNFPFWKERQTLIFTTEDDNNWFLSSIN

>BB0239

MEVDLVIVIEGLIGVGKTTLGNILSKELEVPFYSELNNDFTLAVLDKFYKDKSRWAFPVQINFLNERFKLIKGVFRTKGGILDRSIYGDCVFASLLNCDGHISDEEYKIYIDLLDNMLEHSQRPSLLVYLDCSIDEVERRIKNRNRSFEMNIPRDYLEGLNRKYLKWYDEYNLSSKIKFSYDNINIFSEEDRNKVISLIRDKLVL

>BB0240

MNYTKFQEFISEFLGTFILLALGTGSVAMTVLFSSSPEIPGEIIKGGYTNIVFGWGLGVTFGIYTAARMSGAHLNPAVSIGLASVGKFPVSKLLHYIVAQILGAFTGALMTLVVFYPKWIEMDPGLENTQGIMATFPAVPGFLPGFIDQIFGTFLLMFLISVVGDFTKKHSDNPFIPFIVGAVVLSIGISFGGMNGYAINPARDLGPRILLLFAGFKNHGFNNLSIVIVPIIGPIIGAILGATIYEFTLKNNKD

>BB0241

MKYILSIDQGTTSSRAMVFDKNANIKGFAQKEFTQIYPQPSWVEHDPTEIWGSQLGVITEAMANARILPNEIDAIGITNQRETTVIWEKNTGKPIYNAIVWQDRRTAKICDQLKKEGKDKIILEKTGLVLDSYFSGTKIMWILDNVEGARQRAENGELCFGTIDTWILWNLTQKKEHATDYSNASRTLLLNIKTLEWDDELLSILNVPRAILPELKESSTIYGKTDKALFGAEIPIAGIAGDQFAATFGQACLKKGMAKNTYGTGCFLTVNIGKEPIISHDKLLTSIAWGRKKSVTYVLEGSVFIGGAVIQWLRDGLEFFRKSSDAEALASSVSDNGGVYFVPAFVGLGAPHWDSYARGTIIGITRGSTKAHITRAALESIAFQSFDILNTMKKSIPNFEIQELRVDGGASQNNLLMQFQADLLECKVVRPKITETTALGAAYLAGLATGYWQSAEEIVSLWQVDKIFEPSMPKNQKEKLLENWNKAVGKAKSWIQNSHSS

>BB0242

MHNLFDFLKLKQHIIKMFGKQINQLYKQLLIKFFHLHLLILCMYSKNKLSKPFEKVKFIGAIQKMINNILNLKKNHKKLKNLPVQLVYSAIQ

>BB0243

MEEYLNFMNNNKETKLKDLENQEFDLIIIGGGATGLGIAVDAITRGYKAILIEKFDYAKGTSSRSSKLIHGGVRYLAQWNISLVKEALREKAILEKNAPHLINECALITPIYNVLEIPYYYFGLSYYHNLMGKEKTTKYKTKLLSKKSTIEKAPNIKTEGLKCSVLYYDDSFDDARMAITLLRTFTEKGGIALNYTELKKFNKENGKLSGVLIQNKLSKEQISLKSKCIINATGIFSDEIRRLDDEKALNIIKPSQGSHLVVKKDKFPKNHAILIPKTSDNRILFAIPWYDSVVCGSTDIPIKEIEEEPKRFEEEIDFIINNLNNYLNIKIEKSDVKSVYTGIRPLIMDPKAQGNTSKISRNEKIFISDSNLITIAGGKYTTYRKMAEKTLLKAIEQNLIPNRAPTTEDLKLHGYLKKEEAMKIPEPFRAYGSDFEILKNMEGFDKKIHENLDLNEAQIDFSIKFEQAKTIEDVLARRTRSLPLNPQATIEAAPRVAEIMMEKLNKSEEWKNEQIKNFLEISKKYLI

>BB0244

MKVNNLIAGALNLNSKDYKKSGKKVSFDKNNLFSSIFQAESVKEDKHFILLENGEFNLDLIKSMLDGINETGERLLSEPSRQNVIFYKKVISEFISIIISSSVCLKEQKGGNLGDPKRPKYRIIKIINDKLDKLAYSVLQNQMTQIKLLDSIEEIQGLLVNLLM

>BB0245

MLNFLTVKKERKAPSLFIFDEIKTIVGVGDFFKGDLVSNNFIRLDGDFIGTISSTKRVIIGESGRVKSSIDANELVISGMVVGNIYAKSKIKIFASGCVIGNISCKSIEVEEGAIIDGYMDIGAEYLRAPERNTFFYTGSYKVNEDLLIEINKVHQEEKKSFQLLEGKDDKYFSSVVNKIDESK

>BB0246

MKKRIRFKIILGFKGILKFFLVIYNSLFIALKAIHSFFKQNISFIVIPHVKGNVKNIKISFLTLFFFSTFFLGGFIGFVLLAVNYVTLSSIVKSTEKNYSLAESEIEDFRNTVVEINSVAKNFSKVLDELKTSLKINSNGVDLNKNKLDGDLSDFIDLQILEANSIKELSDLKNIKSKIESSIPPLKSIVKVLHAQDKLLNDIPSLWPLAGGSGIITLHFGPAIEPFTRQWYIHKGIDLGGVRIGTPIVATADGEVVRASYQSAGYGNFVQIKHKYGLATLYAHMSRLNTSKGSYVKKGQIIGFMGQTGYATGPHVHYEVRVGSQVINPDMYLNLATGASK

>BB0247

MKTLFFATTNENKINEVKNILDIPNLNLIVPQNFNIKETGKTFKENSLLKAKALFEILNNNQNVFGEDSGLCIEALNLEPGIYSKRYDTYKLCKKLSTNEKNQLILDLMKNEKNRKAYFICNISYISKNGQILNFEGIIKGKIALSLNDKKNYGFGYDSIFLTKNNKKLSDLTLEEKNKISHRGIAFLKFKKFLLKSLFNS

>BB0248

MINRNEINENDKWDLSFLFANEEEYVKTINAIEIKTKEFKKYEKLELNFDLFKETLNKYYEIMEDLEKVSYYAMLQLETDVTNKDSNKIYSICVNLATKVSNTTSYFMPKILKTDEKKIQAWINDPELKDKKIAIEKILREKKHILSEQEEKILANYTPLYTSYQSIFSALTNADMEFGEINKHPLTNSTYTLFLQNEDQKIRKEAFLRFYQKYKNNENTLANLIISDFKKNHFIAKTRRFQNTFSMQLFSNNIDKKVYTNLIETVNENLPVLNDYYEFRKKVLNQEYLYHYDVYVPLTKGIIFKNSFEDACEKILKSLEVLGNEYTKILRNGLLKERWVDKYENTGKRSGAFSAGSYNGKPYILLNYKDESIRDMFTLAHEAGHSMHSYFSIKNNPFPHYNYSIFEAEIASIINEQILAEYLLKNETDTNKIKYIKLTQIDDMISTFFRQTMFAEFEYIIHEMISKEEPVVKETLTETYMNLLKKYFGPSLKFDELSPLECLRIPHFYSPFYVYQYATGIAAALSIYKGIKENKKDAVENYIKFLKTGGSKYPLDSLNITGVDLTKKATIENTINIFKCRLEEIKKIFQ

>BB0249

MKNINLILAWLVHIFTASGLIVGLYSIISIVNGNYSLLLKLTVIGLIIDGIDGTMARKLKVKELIPEIDGTLLDNITDYINYTFIPVIFFYLGEFIEEKYKVAICIGILLSSAYQFSRTDAKTNDNYFRGFPSLWNLFVILNIIFKMEQITNLITMSICIITSFIPIKFIYPSKTKELRKITIPITIISCLIFVVSIFSELSTTALKMAKTVLILYFAYLTLASIYLTYKTRNR

>BB0250

MTKMYINTIIEYIDSNIAYSPIVFFSLLILAGLNVPISEDAIVLMGGILSSRKNEYTILIFLGIFWGAYLGDIISFYIGKLMGNKLFKNKKDNNLLDKINYYYGQYGVLTLFIGRFIPFGVRNAIFMSAGMGNMKSNLFIVSDFFATLLSIVVYFTLSFKLGQSFEIIFSKIKIIIFAIFIAVIATTIIIYVIKKNKKVDKNLK

>BB0251

MSKYEFIKIEKKWQEFWDNNKTYKVEEDPSIPKEKRLYILDMFPYPSANGLHVGHPEGYTATDIFGRYKLLNGFHVLHPIGFDSFGLPAENYAIQTGTHPQKSTEENINKFKKQIKALGFAYDWDREIRTHEENYYKWTQWIFLQLYKKGLAYVKEMPVWYCPELGTVLANEEIIQTSDGPKSERGSYSVEKKYLRQWVLKITKYAERLLDDLEELEWPESVKEMQRNWIGKSTGVEIEFEIEGHSDKIKVFTTRPDTIFGITYLVIAPENKLIEKITKNNFKQNVLKYVKHEELKSDLNRTSLEKDKSGVFTGSYAFHPITNEKIPIWVGSYVLGTYGTGAVMGVPAHDERDFQFAKKYQLKILPVISKSGKNEILEKAFVDDGISINSPNEFNNLKNSEVKDKVIKWLTKNKKGKEKVAYKLRDWIFSRQRYWGEPIPILFDKLGNAIPLEENDLPLKLPEIANYKPSGTGESPLSRIKDWVNVKDMGFTRETNTMPQWAGSCWYYLRYLDPKNSKEFANKKKIEYWMPVDLYIGGAEHTVLHLLYSRFWHKVLYDLGYVNTKEPFKKLINQGIITSFSYQKENGVLIPNDQVIEKDNKFFDKKDNKEVTQVIAKMSKSLKNVINPDDIIKEFGADSMRIYEMFMGPLTDSKPWNTKGIIGVFRFLNKIWNLREKELSKENPPREIISELHKVIKKVTEDTEKLNFNTAISAMMIFINELLKYEKNYLNIFKPFIIILSPYAPHLAEELWEYIGELPSLFKNSKWPKFDESLIIKGKKEIVLQINGKIKDKILLNKETGEKELKEIAMENSKIKSNLLNKKIVKIIVIKNKLVNIVIK

>BB0252

MDFEGLSIRYKGIIFTIFILITIFLGFFLKNLKFDANILKLIPKTKETESLIDIDKSNSLLSTIVIFQDKKNIFNKKNFETINSVISEITKILKVSPNAVTSIFSYFPQFKKEIYTDKDIEEIKSKIKSTPFVKNTFLGNSENLIYFIIIPSESDQINFSRNLKTELDEMEKTIKKYETDDLKLYLTGDLIVREKILNYMVEDFKILGPLATFVVIISLYLIIKNLIGALIPIFIALLSLIWTFGIKGLVQSPITVPETSMIVLLISIGCANAVHIINEIFKLIKKEQLSKESIKATIKKLKTPILLTSFTTAFGFLSLTTSSINAYKTMGIFMSIGVIISMIISLTVLPGIITLIPFAKKKSFEKEKENKLNKISFLERLAKLNTQITKSILKRKYTSSIMVLIILGISFVGLLKIEINFDEKDYFKESTSVKKTLNLMQKEMGGISIFKIEIEGRPGEFKNAKAMQILDLITDKLDAFSAKTQSSSINGILKFTNFKIKKESPLEYKLPENKIILNKLINLIDKSDWTKDNKRMYINDDWSLISIIVRIEDNSTEGIKKFEKYAINTINEYMKNNKYHFSGVYDKVLIAKTMVKEQVINIITTLGSITLLLMFFFKSIKTGIIIAIPVAWSVFLNFAVMRLFGITLNPATATIASVSMGVGVDYSIHFFNTFILQYQKNQIYKTALLESIPNVFNGIFANSISVGIGFLTLTFSSYKIISTLGAIIAFTMLTTSLASLTLLPLLIYLFKPRVKLASNNNFKKLKQ

>BB0253

MDESKKARSGDKKKEKAVAGILPHSNKPARVPLIAVPSHPVFPGMFIPIVLISDSDMKAIDYAMKGNGIIALFVLNDKFLEKNNNNAQQKLIIDYSKDIYSVGVTGKIIKKINLPDGGYNIFVSTFDRIKFVKVVLNDKFPIIEIDYLKQIPVRKDDIQSKAVYGSILLRTKEIFAHRKMPEVQLNMVNIEDKGKLCDIVASTISSSKNDHQIVLETLNVKDRLKKVLELIYEELNLIEIQNKIAKGIQERLEKQQKEFFLKEQLKAIKAELGIGDKKSSDLEKLKTKLKALELKGEPLEVVEKELEKFSLLETSSAEYIVVRNYLELITELPWRDFKINFDKLDLQKSKKILDKTHYGMNEVKDRIIEYISVLKLRKTQKGAIILLVGPPGVGKTSIGAAIAKVLRTKFFRFSVGGMRDESEIKGHRRTYVGALPGKIIQGLRITKTNSPVFLIDEVDKISASSYGDPFSVLLEVLDPEQNVRFRDHYLDLPFDISNVFFILTANSVETIPRPLLNRMEIIEISGYIDNEKIEIARKYLIPKVLSENGVDKDSLKFQSSSLVQIAQEYARDNGVRNFEKYLNKIVRKVARKLIENTEVKSYQISNDNLEEYVGVPVFRKESMPNAMYSGMVMGLAWTNYGGSTLMIETVKTESKVGGIKLTGRLGDVMKESANIAYTYVNSIKGDLSISKSFFEKNIIHLHIPEGATPKDGPSAGITIASAFISLALNKVVRPHLAMTGELSLTGNVMMIGGLKEKIIAAKRSGVEHIIVPKANRVDLEEIPTNIKSGINFYLVDNMREVIKLLF

>BB0254

MKIWKQKETNIQAQELTRIAKQYNINAFEATLLINREIKEEDFMFFLEDSVNLLHNPFLLKNIDKFINRINKAIKNNENILIFGDKDADGITATIIMYETLKDFGLNVSYKIPSNGEFYGLSNELINTALEKKISLIITVDNGISSIEEINYANSKGIEIIITDHHLPGENFKTENIVINPHLKDDKYPFKEIAGCCVSFKACLALSMSFTDLYSKNLVFLFLEKTKNEIILHAIEINNYILKQYLRLNNKNDPLINSNKLEKFVQNKCIIIFNKEDQNELLNKHFAKSININTIDISENFIKKYPNFRKKTLTDLIQATKYFKYKEVEIKDKLYYIFYNVIFETNKNLLQKCLKRLSFVAIGTIADNMPIINENRIILKVGLKEIALRERMSINYLLKDGNILTKPNITSTDIAYKIAPILNSTGRLEKADIAINFLLTNDINQIENKFKEIKEINELRKYKEEKAWNSHNKNTIFKNDKFIVCYDNNTPKGISSRIATRLSSYYQKVAIFLTKQDNIIKGSIRSNNKINSKTLISIIPSHLVINSGGHKAAAGFTLHENLLEDFIKELEYATTKVEYETTNENESIPIDAILPKNLTKDSLFKTIEIFEPYGYEFREPILLMKNAYLQELKIIDKNHSSKHINMRIKSQNDYYKAIFFNGTKKIEELDIKEDQYLDIIFTVNEDFYYPREKILKIIDIKKNAQINV

>BB0255

MLKSMYRIQKALLILCILGIENINSEIINTIPKVQYKKEAFQGDYIYFASNQNFKSLSLLSTNKNPIISSSPFKFTVGSKIYYIALMGITPMIKEGKRKIQIEFENKSYIKEIEIKKFHFKKTKISFNKEKAKLITQKKSTKQKEQALVLWNIIGNTGDTTIYHYDALVKPIKDQYIVTSLYGDLRLYMQGDKKISNYTMHNGIDYAPFKRENTPIFAAGKGKVVFAQNRELTGNTLIIQHLPGVFTIYLHLSKLGISENKIVSAGEYIGHTGNTGLSTGPHLHFEVRINGIAINPDFLLNGMLIDKNKIINNIKRIE

>BB0256

MVTVTVDKNENLEKALKRFKRMIEKEAIIREWKRREYYEKPSTIRVKKEKAFKRKQAKKVRKLKQKTNR

>BB0257

MKDFYQYFQFLFFFMLSVISFSLFVALTPLSNVFVFFVFNLLGQILLNVFSFLSFYLIVYPIVNWYAYKKHIFTKRFIFNWNYTVILFFTLIFLIKINSNVEKSYFIKIFLINFGIVLGNFFIFTLLILEFVVWIYLNYVFFKDVNFILDTFKFLEFKIKILFENILSYFPFSNSLDVKKDIKVYGDSVDDLKDSQVFDEKKNIINDEEYQALWSFSAFLRNNKKPSNINLDKTIFEGSDLKEASSLNKDILNENALNLDENVDEIDESCEYKYLDNLEDNKLVISGKVKACEIRTKGIISQVAISHVYNENVALNKKNDSYVIDISVFDQKEIKNDVEDIEYDKEIQKQSMILQETLKEFNINAKLIDIIKGPVVTMYAVRPDKGIKLSKITSISDNIALRLAAIRVRIIAPIPGREAVGIEIPNKRREFILISEIIDSKEFRGDFRIPFALGKEISGENIVFDLVNSPHLLIAGATGAGKSVCVNSLIASIIFSKSPDEVKLIMIDPKIVELKLFNDIPHLLTPVITDVKRALEALRWCLDEMERRYVLLDNLLVRDISSYNKKIKDENLNLMILPYLVIIIDEFADLILSARKDLENLISRLAAMARAVGIHLVLATQRPSVDVITGVIKANFPSRISFMVASSMDSRIILGSSGAEKLLGKGDMLYISSLNPFPXRIQGGFLKEREVYRLVEEVKKFGSPNYIDDEIFIDSVKEPDLVALGPSDEPMFDEALEIVKTTRKASASYLQRRLKIGYNRAARIIEIMEDMGYVGPVNGSKPREVLI

>BB0258

MTNILSAIILGIIQGITEFLPISSSGHLLLFRHFINLKLSIIFDIYLHLATVLVIIIYYRKRILELFLTFIRFSLRKTVKSDLTNLKLILLILIITIVTGVVGTFISKYESMFTLSFVLINFIITGILILMLEFNFLKVDFKGNILLAGIFMGLMQGLGALPGISRSGITIFSASVIGFNRKSAFEISFLSLIPIVFGAILLKHKEFYDIFMVLNFFEINLGALVAFVVGIFSINFFFKMLNNKKLYYFSIYLFALSIIVCYFVRI

>BB0259

MFHITLNMIKIELRDMKKINMFNRSSCVLQNFLFLFLFLSLVSCFAKKEISGNNFIKAHSKEFDLNNLNWLWNFDYTKKNFDKHFNIDPSSYIYVAYLFKKIGFEEKFVEYMKKAIANGDSIASQFAGIKLIEYFNSAKEYFASELIGEKLYKKYENNKFIILGYFKSLYWQKKNDKALSLLNKLDKMKFSDYQENENILLKAVLYLNLSNVSESKIYFNELFENLPANYLHVRAYDYFIIENKSRYFGANFLNLVRFKYEVANGNFNGAINILNKNGLNDYYDNNIVLSDVYKAFISSGKVSNALTFFSKIKSKYKNYYLGILNLREKNNLGLLLLKEYLEGLDLNNEINRLDLLNTAFSNLIFTKSARDYFAESLPKFYTEGDKKNSTFIKILEEYILESIQLEDYGNLYKLYSNAQKVISNSVLSKLAFINARLIYHKLIKPNVSGEYKSLLHSAVNYDKWSYSSFMSRYLLDQNIDEFFTGGSDIKYEQSDYEIFLEGFLKFNLCNYVRGFISEDFRNGYKFSLDFYRKVYDELLKSENYYDATLVINYLVNQDESALMENDYKRLYPYLYGSLIEYWAKRRGLEASVVFSLIKAESSFEKNAVSKPGAVGLMQVMPSTANDISKELKYFNYDLKIPKDNIIIGTYYLKKRISTTGSLYKALASYNGGIGNVRKWEKSYGHLSKELFIEAIPFSQTRNYIKKILVYSVFYDALYEKKGIDSVIVKIMGEFPKN

>BB0260

MKGFLAIKLSNNEYYPVLNLDDSSVKRIILGKVAGDTSIKLNLYVSEYEDFLDPFLVGSFFLDNLKKESLSVNVYFKVVDEILYVYGESDGIQDKSKFDLSLVDFNQNLKGSNRGNPLNDFKSDIGSDLSVENLGSEFDLNFEEKDDFVKKDVSDVSMPTINSLDLKTEEDQKIETNVSDFEDFDDNYDDSLVDSKKLNLENKKVEYIDEKSLNLNNFEFQKLEESSLEEEDLHDLSVEDIIADIDKELIDTSDEDVELDLREDFENDMVKNNFKLNSSEGMVHSPMLYLSLISLFLLIFFSLFLVFSKILKPRDFVSYYFEYDKNRIKRYEKDQYV

>BB0261

MLSLFIVISSLTVFILVFLFFKIALKLTIGKNIGKIKKDDERTRKLIERAISLLKTNPNEIGALEILNNYYYKNKDHENGIKYAKKLCQLIEDNPINQEINTFKAFLSYGFYNLKRNFNREALEYLRKAFLIKKTDEDANYYLGVAFLKNEMYKEALYYLKKVHNFNKNNKDVLKHLGITLFNLESYRQAVIIFNNIKKNIQGDIEALLAYAKSLSKMNQDHLALEIANKIKQKDGMIYEALLITSEIHSKNKELEKLEQNIKEIIKVKPDLPKKTFLELFYNLGELQISVENYQKATEAFTKVEEIDPNYKNIKEKLEFSKRLNENIALRIYLRSSKENFEKIANEIILKLYLNKFQIRDSKINEVTTQFIDINFHLANNQWEENLIVRFVRTEQDTFGELFLKDFISKIKENKIKGLCIAPSKFSLKAKQMIEGRLIDLVEGKKLAQILKKINISKYT

>BB0262

MIIPKKKQRVEKRKKNFLFNSKKSVNFELKDFANISNIGKRRKKVFKIKNFFKKKINFFKKVSLFFYKLKIQNINHYEYKYYYKSLRDKVFDIFSVRFDYKLVFKLNAIIFIFILTFYINIFSYYGSYVFLNRLSLPKDYFIDTFLYYSDQDIAQISSYLPESNVSANVPGFKKNFVLKVFDHKIKPGETLSHVAARYQITSETLISFNEIKDVRNIKPNSVIKVPNMKGIVYIVKKNDSISSIASAYNVPKVDILDSNNLDNEVLFLGQKLFIPGGRLPKDFLKEVLGETFIYPVQGVITSGYGYRPDPFTGVISFHNGIDIANLANTPIKASREGVVVTAGFNAGGYGKYIVISHSNGFQTLYAHLNSFAVKVGKKVSRGAVIGYMGSTGYSTGNHLHFTIFKNGKTENPMKYLR

>BB0263

MRIFKAHKYELASILAACLFLITLIKLFLSFYIVKGESMTPAIFEKNWIVNHKFAYGLRIKKHQKYLLLWKTPQKNEMVLIKDPITNKIAIKKIFAIPGEKFKQIEKNTICIHDLNFKIDENILKKNTKKIPEDHYLVIGENKQISLDSRDYGFIKIDNILGKIIYYF

>BB0264

MFMKKWIGIDLGTTNTVASYFDVSSKIILNERGERITPSIVSFSDKDVLVGSAAKNQILVNPQKTFYNFKTNIGSNNFYKVDGEFYKAEYISAHLLASVKRNAEKFLDEEIENAVITVPAYFSEIQRRCVVEAANFAGLNCKAILNEPTAAAIAYAFERQIDGIFLIYDLGGGTFDVTLMEKQGDTYTVLSVKGQSRLGGNDFNKIIEKYVLDSFKNKYPDFNLEDIFLLEQLRERIEEGKKNLSVMEEVDITLLFLDGKHLNYNLKRDEFNSMISEYIDKTIQLSMECIADSGVDISSVSKIILSGGSTRIPLIEKVLKESFPSATILDALNQDEVVAIGAGIHAFSLSRNDSVIKFKDVTPYSLGLEIKDNEFFTLIKRNTALPISRSKLFTTTNDYQDEIEIHILQGEYKKASLNYSIGRFSFGNIQKALKGIPKIEVLFTLNESGILSVNAKDLETNSSNFIEIKITSSSDNVAKESLSNTFTSIID

>BB0268

MFISRELKYILLTSVSALFISAVLGLFCGLSFFTILVRSLLQFVFFFVIGLLIEYIFKKYLSNLFSTELSGNMENKPQDDKKSDKDFKENLDFQNKNSLYENSQNISSSGDFIEEVKKYKFETEDVSRGSDKNKKMSFIEDNDPKVVADAIKTLMSKKE

>BB0269

MEDQAQSLRDMMRLNGKFNFSVDEKVQNSKTRFIAVSSGKGGVGKSNIAIGLALKYSELGKKVLILDADIGMANVNILLGVIPKYSIYHMIAQSRDIREVITKTEYNIDLLAGASGTMELLDLSDVDVNKFIKELLKIYEYDIVVIDTSAGISRQVISFLLSSDDVVIVTTPEPTSITDAYGIIKVLSYKMENLKNLRLIVNRVANVSEAKGVAKKVIDISGQFLNLNIDYLGHIYEDQNIRSSVFKQKPFVLVNPNSKASYCLDSIVATLEEVSLDNRKRRGVIGFILRFFGVE

>BB0270

MVQYFTEKGPTYNEVIEIIKKKYGKNARVMTYKTVPHGGILGLFSKDWVEVSGYVRYDIGNQQINVEDEKRKILQSIKREENSSIEDVLKEVKSLKTELAHKKENINHPTITKIEDILRENDFSENYIKDINEFIKREFSLSDLDDYERVREDVVLYIAKTIKCSGSIIDNLKKRVFILVGPTGVGKTTTIAKLAAIYGINGESKSLNIKIITIDNYRIGAKKQIQTYGDIMGIPVRAIESFKDLKDEITDSKDFDLILVDTIGKSPKDFMKLAEMKELLNACGRDAEFHLAVSSTTKTSDVKEIFHQFSPFNYKTVIFTKVDETTCVGNLISLIYEMKKVVSYVTDGQIVPHNISVAEPLTFIRRINGYRISDDAEFIKKIKSKSYY

>BB0271

MLDARKNSILGYLGLNNKSDLIISVGLIFVVAGFILPLPAVILDVLITVNLVISLLIILIVLYSKRSLDFSVFPTLLLVMTIFGLVLNISSTRLILTKGINFDGQMIRTFGTFVVGSSGIQGLVIGFIIFIIIIAVQFIVITKGATRVAEVAARFALDALPGKQMAIDSAYSSGNLTEEEATRQKNDLQSEVNFYGAMDGASKFVSGNVKVGFLITLINILGGLLVGITLQGLNFNEALNNYVSLTVGDGLVSQLPSLLISTSTGLIVTRSISKNSFGGEIFDQFTNHLGIYWIVSGFLLFLAFLPGFPTLILMFLSLSIAFLAYSLSGIRQKEEIDKKMKLEEEQASIYSDKDVSPVVPLDPLALEIGYNLVPIVDDTKTSELLDRIVKIRREIAFEFGIVVPKIRIVDNMRLEPNAYSFKLRGVEVGRGEIKLGKFLVINVGIDSGIDGDLVKDPSFGLPSLWVNDDGRETAEKLGYTVVDPPSIIATHMTELIKRHSYEILTRQDVQNTLDVFKKDYGAIVEEVLKNFSVGEIQRVLQGLLKEQVSIRNLVTIFETIADFTSITKDIFFLIEKCRQSVGRQITSGYLDLNSELNVITLNPSFEQMIIDSRVESNHDLISSIDPNLKTKFIYELFKIVNEVQAEGFYPVVLSSESSRPIIKVITSREIPDLVVMSVLEVPQNIKVNVLKTVEVEE

>BB0272

MIKDEFLIKSWYIPLDFFSADDEGRTELPTDQKKQKAREEGRVLKSTEINTAVSLLLLFALFFFMLSYFALDLIAVFKEQAIKLPEVMRMSVYTMGFAYIRSIMGYVVLFFFASLAVNFFVNIIQVGFFITFKSLEPRWDKISFNFSRWAKNSFFSAGAFFNLFKSLLKVVIICLIYYFIIENNIGKISKLSEYTLQSGISIVLVIAYKICFFSVMFLAIVGVFDYLFQRSQYIESLKMTKEEVKQERKEMEGDPLLRSRIKERMRVILSTNLRVAIPQADVVITNPEHFAVAIKWDSETMLAPKVLAKGQDEIALTIKKIARENNVPLMENKLLARALYANVKVNEEIPREYWEIVSKILVRVYSITKKFN

>BB0273

MYYWDEILNLNFLVLKSFTILPVLVRIFMFLKFSPFFSTIKIGYFNFFFSLILSVIVVEKIKIIYPLDNMLSFALILLGEAILGLIQAFFVNIIFNVFHLVGFFFSNQIGLAYANIFDVFSEEDSMIISQIFAYLFLLLFLSSDFLLRFFVIGIHDSVLNIRVEHLVNMRNSGFVKLLLMSFGFLFEKALLISFPILSLLLLFYLVLGILSKSSPQINLLIISFSTSLFLGLLILYIGFPSLAISSKRVIELSLDSLASFLKLFSRVLK

>BB0274

MTAGHILYLIRISIENIIILSAPMLIIALIVGLLISIFQAITSIQDQTLSFIPKIIVILLVIVIFGPWILNKLMQFTYMIFSQLQNV

>BB0275

MRKCFNFFLFFSVTSLSFAQTKSLQTTNGLNFPFLNFDSIGGSEIAFSLQLLILLTIITLSPAFLVLMTSFLRISIVLDFIRRALSLQQSPPTQIVMGLALFLTIFTMWPTFNSIYEQAYLPLKESKINFNEFYNKGIAPLRIFMYKQMSDGRHEEIRLFMSMSNYDRPKNFSEVPTHVLIAAFILHELKVAFKMGILIFLPFIVLDIIVASVLMAMGMIMLPPVMISLPFKLILFVMVDGWTLITSGLIKSFM

>BB0276

MNNKFLFLVFLSFFNFFTYANSQEQVNSASTDLENESSLPIFEEDKANFVNNDSTQPVSIFNISDLLKIVLFLLIAFFIFFLLKKLIFYSKKSKYEQNSNLIKELVFYEIDVKNSIRIINILDNVYIFLVSSNSFTLLKEIKSEEELEDLKLRLSKINDSAKKDSFQSIFKKMLLKKEEIPSSGNDYVKLEEKIEASLKDKQDRLKKF

>BB0277

MSVDEKSDNGEKPEIKGVKLPDLIDTLPEGVDPSNFGLLMDVSMQLTVELGRTERKIKDILGMSEGTIITLDKLAGEPVDILVNGKIVAKGEVVVIDENFGVRITEIIKTKNE

>BB0278

MANNPGALSQDDIDSLLESINSSESLSLDESLSNVISSPTGKKQKVKVYDFKRPDKFSKEQVRTVSSFHEAFARYTTTSLSALLRKMVHVHVASVDQLTYEEFIRSIPNPTTLAIINMDPLKGSAIFEVDPTIAFAIVDRLFGGDGDTIKDKSRDLTEIEQSVMESVIIRILANMREAWSQVVDLRPRFGHIEVNPQFAQIVPPTEMIILVTLEVKIGKVEGLMNFCLPYITIEPIVSKLSTRYWHSLIGVGTTSENLDALREKLENTAMPLVAEIGEVKLKVREILSLDKGDVLNLESSLINKDLTLKVGTKEKFKCRMGLMGNKVSVQITEKIGDIKGFDLLKELTEEVE

>BB0279

MPNKDDDNLDMGDSNVSRKGGLLPDIIIKILQILAIGIFTVAIMIIVSYFVSKMVVSQSGAPSDFPVFSNEYLGKPPMLIWYESIDEIRGNTLDVPPKTFVVKLALGYAENNVNILNELGRQKVRLKDIIREYFSQRTGQEIKNESQIKAEIKARINSILRNGEIKEIALTQIDIFDM

>BB0280

MALRIKKPSKCDEGSPDYMLTYGDMVTLLLVFFVTMFSLNDIIFQENVIRIMSASFTGAGFFKGGKTLDFSKLSYLSNSFMSLPSTVRNKQASQTAKNKSMIEFIEKIQSKNIVVRQEERGIVISLAADAFFDSASADVKLEENRDSIQKIASFIGFLSPRGYNFKIEGHTDNIDTDVNGPWKSNWELSAARSVNMLEHILNYLDQSDVKRIENNFEVSGFGGSRPIATDDTPEGRAYNRRIDILITTDASLSFPKEIKQ

>BB0281

MNLASIIGWGVGFGAILISMAFTPTGLGVFWDLSSVFITVVGSFSALMASSEVVAVKKIPTYLGFFFRRNSYAKVSIIKILVELSEKARKEGLLSLDDELEQINDPFFKSGMRLVVDGADPEVIRTMLYLELDQMQERHKVGSDLFKTWAKLAPAFGMTGTLIGLVALLGNLEDKSALGSSMAVALITTLYGTIMANLMFTPVQLKLEKIDTEEAAVKTMIIEGVLSIQSGDNPRILEQKLMTFLTPKDRSQLNSSIGGE

>BB0282

MIFVTKLNGDGYYLNPYHIESIEANPDTTILLMNGKKLIVKEKVEEVVNRIKLYRKEVASLEKILGEGNGGVEL

>BB0283

MMRSLYSGVSGLQNHQTRMDVVGNNIANVNTIGFKKGRVNFQDMISQSISGASRPTDARGGTNPKQVGLGMNVASIDTIHTQGAFQSTQKASDLGVSGNGFFILKEGKNLFYTRAGAFDVDSDRHLVNPANGMRIQGWMARDLEGEKVINTASDIEDLIIPIGDKEGAKSTKNVTFACNLDKRLPLIQEGANPADIARGTWVVNKSLYDSFGNVSVLELRVVKDLNTPNLWNATVLINGEQNSNFTLGFDNEGALASLNGQPGQKGDILQIPITFNVLGANVGEVGEQQTVNLKLGTVGSYTDSITQFADSSSTKAIIQDGYGMGYMENYEIDQNGVIVGIYSNGIRRDLGKIALASFMNPGGLAKSGDTNFVETSNSGQVRIGETGLAGLGDIRSGVLEMANVDLAEQFTDMIVTQRGFQANAKTITTSDQLLQELVRLKN

>BB0284

MNKINGVENVFNLNISNKVKKKTDFNVDNISNKVNLGKDDFLKLLITQLRYQDPTNPMKDKEFIAQMAQFSALEQMANMSRSFEKLSSSLEIRKDLDLLGKVIKFQHGDGEIVEGRVTNIKTGAIPQVMVNGNYYVYKNILSVGLEE

>BB0285

MYMSNLLNLSKAYGNKLNLLNTIKGLNLNVSKMESKGNASSFLNVMSSESKKLAKAKFMIFDFLNFFKDNGLIAKNLKKSPLNKSFFFKKLENEDFVSDLKSLIARMNVFLDFEGLNSIKEDLSSNFDFLGKEKFFEKIEKLCLAFNDLSSFLGFDFLTALIDDYYNQISLNDKKEEKNVINIDVKNFKKNNSDHNDFVFSKFSLNAIDGQNFVDRYKVKEISNDSLKGFVEEFANYNIKSSKDVGGFDFVSSLKPEWNLKINKNIVDKAKVVLKSNNTGEIKLVLKPKELGSIRINLNLDSNNNLLGKIVVDNQNVKMLFDQNMHSLNKMLGESGFNASLNLFLAGENLNSFTGNFKDDSKDQNFHFGYNKFFKIEEEVEFSYDVDKNVNLIV

>BB0286

MKVNNFLSFFFRAFFLLFLIVILFFFVLFFIDFIGMYNTKRYFPEFVRTKLLGETSLVFDHNSNIILDEARLVKEREAIDIKNQQIEKLKEDLKLKEDSLNKLEFELKQKQKDLDLKQKIIDDIINKYNDEEANILQTAVYLMNMPPEDAVKRLEDLNPELAISYMRKIEELSKKEGRLSIVPYWLSLMDSKKAAILIRKMSVSSLE

>BB0287

MNDLNFRKQKLNRILTIRTYFRKLSERDLMNINKKISKINQFSDGIPNILKNLNGFDDLYIRGYIDCLNYKKTQNFKILEELRKHYNKCYDVYVDKYRQEKKIKILIKNLNNSIIKNREKKESLLLDEHVNYKVCQNLRNESE

>BB0288

MSNFFENYLRQVDDIETVSFVGRVQKIKGLLVESLGPQCAIGDLCLIDQRNGKKVCAEVLGFNGPYVSLMAYEGFSGIEVGNKVYSLNKGLEINLSDELLGRVIDSLGRPIDNKGSFLNNSYKELIFEKINPINRSIFEDQILTGVKVLDGFLPVAKGQRVGIFSGSGVGKSTLLGMIAKNSNADVNVIAFIGERGRELNEFIEHELGEERLKKSVLVVSTSDESPISRYKGAYVATMIAEYFREQGKDVALLFDSITRFANAKREMSLSLGEPPVAKGYPPSVFVEIPILLERSGFNGNGGSVTGFYTVLVEGDDFTEPVADNIKAVLDGHIILDRDLFDRGIYPSINVLSSTSRSIHRIMSLEKQKLIMKARNLLSIYKDYEDLIRTGIYLKGSNKDVDFAISKYPKIINFISQGINETFDFENLEDEIKEILS

>BB0289

MPKVLYKSSEVDNLVKFEFVEIAKPVFESLEIKEKEGKVYDIESQISNLKEELQLLRDEKLQLEEELAKRQELAKEEVQIESKRLIEEAKAKANEVLEAAKQEADLLQKEAIYKKESIETESNAEIERLAREYEEKLKTDLEIAIAKGREEGYSKGYESGFEDFDKVMRKLHVIIASLIAERKGILESSSGQIVSLVMQIAIKVIKRITDSQKDIVLENVNEVLKRVKDKTQITIRVNLDDLDIVRHKKSDFISRFDIIENLEIIEDPNIGKGGCIIETNFGEIDARISSQLDKIEEKFKNFSLLS

>BB0290

MEEKKEKEILDVSALTGKQKAAILLVSIGSEISSKVFKYLSQEEIESLTFEIAKLETITSELKDNVLLEFKELMMAQEFIQKGGIDYARELLEKSLGTQKAVDIINNLGSALQSRPFEFVRRADPANILNFIQQEHPQTIALILSYLDPQKASFILSSLPTEVQTNVARRIALMDRTSPEVVREVERVLEKKLASLSSEDYTSAGGVDNVVEIINMADRKTEKFIIESLEEEDPELAEEIKKKMFVFEDIVLLDDRSIQRVLREIDGQELAKALKSVDIPVQEKIFKNMSKRAASMLKEDMEFLGPTRRKDVEESQQKIVSLIRKLEEQGEIVISRGGEEDVLV

>BB0291

MSKFFTNFFVSAKGIFKKASTVQKIALGLIIFFVILALVFLIGFSTKSQSIALFGVEIKDQYLLDRISQRLDRENVKYFLSSDGRIYLDDEKLAKKMRAILVREELVPVHMDPWALFDIDRWTITDFERSINLRRSITRAVEQHIVALDDVDAVSVNLVMPEKALFKESQEPVKASVRITPRPGSDIITNRKKVEGLVKLIQYAIEGLESDNIAIVDNSGTILNDFSNLDGIDRIDLAEKERKLKLKYEAMLRGEIDSALSKVLSVDRFMIARVNVKLDTSKETTESKEYAPIELQSQDPKASYNTRKVSDSTIISSQTQKKEYQGQGYSPWGPPGQEGNTPPEYQDLSDITGKYNESQEIKNVALNEKKSTSEKEPARIVGVSLGIFVDGIWNFVYDEKGDFVIENGMRKREYKPMALEEIKNIEDVLQSSFEYKPERGDSITVRNISFDRMNEFREIDENYFASERFKYFLFIASIVFSLLILVFTIFFAISRELERRRRLREEELAKQAHLRRQQALMDGGDDIGVDDVVGGIREGDELQSNAELLAREKPEDVAKLIRTWLLKNA

>BB0292

MVRTDAFFTENNINLVKKNPLHFDVNLFSSKSNAKDNDIKTFKDVLINSITDVNKSQLNVSKVTEQAILKPSSIDVHDVVIAMSKANMNLSILKAVVERGVKAYQDIINIR

>BB0293

MGLFSSINVASTGLTAQRLRIDVISNNIANVSTSRTPDGGPYRRQRIIFAPRVNNPYWKGPFIPDYLDNGIGQGVRVASIEKDKSPLKLKYDPAHPDSISSGDKKGYVELPNVNLVEEMVDMISASRAYEANSTVINSSKSMFRSALAILQG

>BB0294

MNDFERSVDFSHRYLDVLSLRQSVISDNIANIDTPNFKRSKISFESELEKAFLNEDKNDLNLIKSSDKHLSGFKNLKYSDVKPHRVLDHFSTMNNNGNNVDIDSEVKALVQNQMMYHLMTNVQAHYFKSINIVLK

>BB0295

MCLRRLKMNKLEEHYIVPKDVVAELDKYIIGQDEAKKLVSIALVNRYIRSRLPKEIKDEVMPKNIIMIGSTGIGKTEIARRLSKLIKAPFIKVEATKYTEVGYVGRDVESMVRDLMSIAVNMVKEEMYSTVRDDALVRTEERIVDSLFKGSSNSENMDPNEIKAEEKVKEKLRKKLRAGELDDTTIEIQISSKMPFSTIEIFTGGNFEEIDMGIGGLLGNIFDRKKKRELKIKKAKEIILAEELEKLVDHENISDIAKSKVENMGIIFIDEIDKIAAKNRSGNDVSREGVQRDILPIIEGSKVNTKYGIVDTSHILFIAAGAFNLAKPSDLIPELQGRFPIKVELKSLSIDDLKKILKQTKNSLIKQYVAMFKVYDLDLKFSEEAIDRIAELTFNMNLESENLGARRLHGVMEIVLADLFFEVPGSKLKKFEINLDYVNKKIQINEQKDLNYYII

>BB0296

MSFKGTTVIAIKKNGKTVVAADGQVTFGHTVLKSNAIKIRKLLNGKILAGFAGSTSDAITLFEKFEEKIKAKGDGLIDIKRAAVDLAKDWRSDKILHKLEAMMLVADSNNILLISGTGDVVEPEEDVISIGSGGNYAYSAALAYMENKKLSAFEVALRSLKIAARVCIYTNSNIVLEEIENE

>BB0297

MMKLLYIDNLKFLKGKEKLKLFNNFDFNNVIKLTQKDIESYFLKSFRRLFKLPDLKLVELQEKVIQRTKAKVAILGSKSYPNKLKRIYDPPFAIYYKGNLPDCSLLSWAVVGSRKISKTLAERTREFSSHLAKNGVEIISGFAIGADIEAHIAAINENKRTFAVIPTDIDNIYPRQNRKYVSKLLEQGGGIITETLPFDKIQNYFFAKRNRLVSGLSDAIFITYAPLKSGALITAELGLDLGLDVYVYDLDFCGDGAVKLHDFGAQEIKTVKDLYALLNIKYVDSNNIEDDSKECCNCKNVSDVLIGELLKEVCK

>BB0298

MKILWLIILVNLFLSCGNESKEKSNLGLRLRELEISGGGSESKIEVYKEFIEKEDKNILKIVNSIDKKARFFNLIGLEFFKLGQYGPAIEYFAKNLEINPNNYLSHFYIGVASYNLAKNLRVKDEVEKYIILAENSFLKSLSIRDDFKDSLFAISNMYVYDLDKQLEAKNYLNKLGDMGEDYFEFLMLRGANYYSLGDLGNAILFYDKASKKASTEEQKEGVSRIMSNLK

>BB0299

MEEALMKDYNMIDSHTRRFDSTTNPTILKVIGAGGGGSNAVNRMIEYGVRDVEFIVANTDLQALQTSIAPIKIALGAKVTAGLGAGGKPEIGQAAAEEDIDVIRNHLSGADMVFITAGMGGGTGTGAAPVIAQVAKELGILTVGVVTKPFKFEGPKKLRLAEQGINNLRKSVDTLIIIPNQKLLTVVDKRTTIKDAFKRADDVLRMGVQGIAGLIIEHGEVNIDFADVKSIMQGQGDALMGIGYGKGENRAVDAATSAISNPLLEEVRIEGSKGLLVNVTGGDDFSLLELEEIMGIITVSVDDEATVIYGHAINSNLEDEIYVTVVATGFASKKQKEISSTPENNTLSSKEFDTLMSGNQNAPSGSYEQQDSSFAAKSKNVNYFDDDIDVPTFLRNLNKKSSDD

>BB0300

MSRNLIVGLDVGTSKICTVVAEVNLNDQLEIVGIGTSISRGVRKGVLINIEAALDSISNSIEAAELISGCDITSLSVSMSGSSVEGTNSRGVVAINSKTREINEEDVERVIEAAKAIVIPMDREILHVIPQEFIVDGIPHIKNPIDMMGIRLEGEVHIITGSSSSSQNLVRCVNRAGFAVDEVVLGSLASSYATLSKEEREMGVLFIDMGKGTTDIILYIDGSPYYTGVIPIGVNRVTLDIAQVWKVPEDVAENIKITAGIAHPSILESQMETVIIPNLGTRPPQEKSRKELSVIINSRLREIFEMMKAEILKRGLYNKINGGIVLTGGGALFPGISNLIEEVFNYPARIGLPMSINGIGEEHIDPKFSSALGLVLYKHEQQKFNKLKKVSSKVKRKNKISSKLKGWFLKEWF

>BB0301

MIFERKFLIKYIYFLTSLIFFEIIIIIFASPYFLIRYISINNDISLSKEDIIKISGIKPNTYYHNANVRIYEENLKKDLRVKNVKVDLKFPNKINIKIEKRIPIAVALENVNGNITYYCIASDGVILEKSKHLIYDLPVISGLVLNDNNVGDFLEDRMLNIVRGLDYLKINQKYLYNLISEVNFLKLNFYDYNVILYIKSIYNKILITVDMNLMDVMHKVFLAVNLLKGKPGVIDLRSGDIILLGES

>BB0302

MVVEINSLRTCYLLVLLLLVAYGLVVFYTSSFFLSLELTGNPNFLFFTRLNYLFLSFMVFLVFERISLNFLKKSIFPVLIITLFLIMATFLSPSISGAKRWIFFQGVSIQPSEIFKISFTIYLSAYLSKFDPRKNNGISYWIKPMLIFAIFWVLIILQNDYSTAIYFAILFFIVLFVSNMAFSYVFAIVVTFLPVSAIFLMLEPYRVSRIFAFLNPYDDPSGKGYQIIASLNALKSGGILGKGLGMGEVKLGKLPEANSDFIFSVLGEELGFLGVLFAISLFFLFFYFGYFIAIHSNSRFKFFIAFISSLAIFLQSMMNILIAIGLLPPTGINLPFFSSGGSSIIVTMALSGLISNVSKNLSNN

>BB0303

MFYLLGLRLLKYITFRMAYATIFAFLLSLIVGPYIILKLKKLRADQILREDGPKRHLSEKAGIPTMGGILIFFCVFISLVFWSNILNVYFLIMVFVMLGFAFLGFIDDFLKIKKKTSDGLKARFKIYGQIIFSFFSVGILYYFGGEHVSVIYFPFIKSFQIDLGLFYIPFGMFILISASNSFNLTDGLDGLAIGLSIVITGALIIIAYLTSRADFAAYLHIPNIKGSEELVIFLGALLGGSFGFLWFNAYPAKIMMGDTGSLALGAILGMAALILKSEILFSILAGVFIIETMSVIIQVLVYKKTKKRVFKMAPLHHHFEELGWSEMQVVIRFWIIGLIFAIIALSTIKIR

>BB0304

MRIKIKDILISSKDVKFVGNIKNIERVVSFYSLDSREIKDDNINDSLYFAYKGNKVDGFSFVKYLIDLGVKCFACSREHESECIKYLNDNEGLVFLLTSNVIKLLQALASFLIEKTSFKRIAITGSNGKTTTKEMLYSILSKKYKTYKTWGNLNSDIGLPLSILRVEGNEEYAVFEVGVSYVGEMDLLSQILKPEIVIITNISYAHMQAFKELQAIAFEKSKIIGKNIEIFVVNEMNDYCVYLEKRAKIANPNVKIVYFDFENLSIKSFSFLDGKFSFDFVYKGFEYSILLLGRHNIFNAIGCINLALFLGMREKEIKEGLIETAFQKGRAEILTKNGYLILNDSYNGNMGSFMALKNMILDLNIQNKKFIVLGSFKELGELAYKTHKDLIQEAISMNFDKIFLIGEEFLDVRDSENLVEKCLYYFSEFDKFIDFFLKSLEPSVFIVIKGSRFNRLERILNIFR

>BB0305

MNSISKIEFKVYCILVLILTVILCFNIYLNFRYVVKLREFNHLDNEQENIIDDNLRLLTVIYELENIDRIESFCFGELNLEKKANEDINIFVE

>BB0306

MNNNAFHFPVLLDAICKLIEDLPVKSDLIYIDSTLGEGVHAKAILEKYDFLSLVGIERDPQILERARQFLSIFEERITYFNDWFDNFFVNYPLNVKANFILVDLGISMFHYKGSKKGFSFLEDEPLDMRLCSSSCKISAAEIVNTYSKYDLEALIYDLSNEHYSRRISKAIVEYRKIKKIETTKELQSIISKVYPFSKVKINPATKTFQALRIYVNDELARLKRSLPFWVENLAKDGILAIITFHSIEDRIVKDFFRSLSCDLYAKISKKPIMPSFDEIKKNKPSRSAKLRVVKKL

>BB0307

MILIVFIFFFNILDLYSFLEFRNDEKFALVKDFGVLDNNKLNISLRLRPLEKTVSVFSNNYKILYSKNSLNRDGSILIIFDNDLNLNLEVFGGFLYKLGKIFLKDEKSVIDLVVNDPSAKKIINPLFIIKNRNNVVAETVYTLGRVFLKGKGDDERLELSKNINLNVDSGQYSLLLYFHTQKVESFENSLKGIYYFEAILNNKSILRSDFQNIFLINDTHTLAQEKNYGLDILNIKKDGGCLKINDLNFVKGKNELKIKYGDVYGNEKKIIYRFKLNE

>BB0308

MSFNVEEGTIKFKKLKFFLILSLFLLFIILIDFFIRSTMNVSNFYDFKNFENKSDCKNINLSKNVFVSNKVLSLNFGESCYSLLSDNLISYSDYYYVLFNSGEDYSVFSVKNNKFLFTLKLKDFVFAINNLIFTLNNLYKTLEVYDSSGNNILMLNFLSSILSVDYNNEVLVLGLSNGEIYIYKQGKIIYMENFLERKFPTCFVKLSSDNKYLVSLKGSSEYFLEIIDLENNYKKILELNNLTINSFETFIKIDDYHNLFIEGKNSLAVINIKSGRIFKVENKNSILRASYDYFQNIYRVYFYSESEKIINIKTYSANSFKLFDNIFIKDEISSFVEFGKGLLYFNSNNDLKYLGLAQ

>BB0309

MSFRQVFMDLIDNENYKKIVYINNLVLRTLNDIAAIKETGEFTSNAKLSFNLIDFNLNVLSYISSLNYFYTRPRLKVNYSIKKILSGLISDFSLVISPVLSITPRELIEMPQALNLNPEERFLIIKKLGYLIDLAKIFSKKDSKTLVFLEDMYLKFIVFSKNIIDFRDFSKNLKLESPYYKFQFEHLIKVLELLEEGAFILRGKYEISGSHEFGLHSLGYLEAGRALATIASQKEAAEKFSRFHGVWSSKFSSDLIKVK

>BB0310

MFFLIKIFLGCCLNVWFNLIFNKVRGFYMFYYKDFNVLFIRRVNV

>BB0311

MINANLTTFPIKINMKNKVLLCINTLKSGASILGNDVKVYLETKYFVEVVLIDVGRPLFSFPKENFLFLITLGGDGTVLLAVNLLLENENIDIPIISINMGNVGFLADIKIEDFKKVIDRFFNNSLVINKKFLLHVTVSQHGKDLISKYALNDIIIRSSVLNKMIYVDLMVNSESFLSYKSDGIIVSTPTGSTGYSFSAGGPILEADLEGFXLTPISPHSVYNRSFVFSKLSKLSISFSKEYFIAAASIFLDGINFGSFGVDVVFEFKISSQSLNFVSFCTDTFVKRLKNKLL

>BB0312

MFRKESSKDSRSQLQVAGFKIGKESYGVSIEHIREIIKVPSEGVYAIPNVPEYIIGIYNLRGSIIPLINLNIKFGVPSISVTEEDMLLTGYLIVKIKNKLLGIFVDRVLKVISFDDSRVQEPPATLQTLDRKYISGVVKLDEADNLESEYLVLIDIAKIFDKCEFDDIPYKDQYEE

>BB0313

MYRLDDEYSKKAKREGYLARSVYKLIEINEKFSLFSSGNVLDIGASPGSFSQYAYKKLKRGILVSVDINDIGLRYDDNFYFIKGDIFLDDTVFKINTFKPYSLVISDVAPKTTGNRLVDTSNSFNLSMRIIDLSLEVLLKKGNLLVKVFQGGDEMQIFKKFEKYFKFVKKIRPKAVRKNSFEIYFLGKSFGK

>BB0314

MQNKLFLKNIEKNINKIFSTTNFLNLFKDNDLKFTFKIKKETLDYIKAPAIEIVNRGGKRIRPMIMILLAYALGLKEKNTKLIYKLSLLLELPHSGSLIIDDIEDNSLKRRGASAIHLIYGIDNSINAGNLIYFLPAKLIEKSNLKENQKLLIYENFFTTLSNLHLGQGIDIKFHNESYIPSIKEYISLVELKTASLFGMASFLAAILTNNEDKAKKIYSTFLKLGVYFQIIDDIKNIKNKINGKEFGDDLLEGKKSLPIIYFLQEKKFEPKIISKFNQIKNTKTTKARKEIFKLTEMINSSKSIKNSTIVALKYLNEFKNELNLYPLTNRYKNLLIDTIEQIKEGI

>BB0315

MRKITIMILFYGLIINVCPTTTTSILKLNKKANKHTIEKLYQKSMLLKDSKKYNKAIESLTKIINMDQNQADAHLLLSELEYLNKNWKKAIIKSQDYLKIIDFKDKKNFLDISWAYFLIGEVKNSMDYIIKFFQSGKELFRENIFIAIDALFKKSIYHFTNNENAAFNAILSSTFQLALNDDTLFIIFLNNLEIIKQIPFYHFNRKKLEELYLQISTLKTIQNTTCRT

>BB0316

MFSIFEQAIVFSYLALGVLYTEKIGFLNVSIEGISYLSIFLTSFFIYLGYGIFMSTIFTLFISFLFGFFLSFVVKKNYDIFIAGIGINIFCYFFVXYLMKSNFNFIPGFTLNLSGNFEIFVFIAVFFIFLFITVYVISYSRIRAVFEFISSGSYEDILGEKISSRFKSFAIFVSIFTASLAGSFIAVSLNAYSYNLGLNNGWLAICILYIAFSNPLLIFPISFLIVFFEYQFFRTQEYVNSYFSLSFQFYVAIIINILVSLIKRKDRS

>BB0317

MIFFRNSFMALIFSFSILSISYFFGDFFQFSYIKMISWRFILFLIMATGIATCAKSNSLNLGNEGQIYFGAFLVYIFSSFFGLTYFNFVFLILLSSFFVGLLGLIPFFITFFFGLNKALTGLLISYGNQRLVDGFILNMLKTGSFSNQTKRINSLFALDSSLIYLFLLGVSVWLFYVFIHKKTIYGLQLEILSNKKKIDIFFNINEFKYKFFAVFGSAFLNGLAGSMFVVFFRPYLVLGLTSGLGWSSLIVAVISGFNYVYVLFFSLLFSILIEFNNFLNINYDFKYEFIGLCQSIAIFISLFLIKARKK

>BB0318

MVEFKNIVKYFPDIDKPILDSINLKIGEVKIFTVVGKNGEGKSTLAKIIAGLIEFDEGEILVNGIKQKNWNVDKAKNNGIYLVSQVPNLKMNLRVWEYLSIYWFGYEFFMPMNKSKTYKYYRWLMQFYKISFDLDKKIKDLNIKEIYFLLIIAALKENAKIIIFDESAAYFSQKEAQAFIKLLVLLKKSGVASLFITHSEITDAIKFSDEFIILKDGKCFRTVNKESILSKLESSSDKVFVANINCNKFEKDPIKFNLFFEDFWKYDVSFSLNKRGVLGIIGEEAVIKTWEKLFLGELLFVGCIKIDGIRYERINIFECKAGFLPLGIGNLFPDNSSILDNFLAKFMNFENKIFIRQSYINQIKDFFKKKMEFYSEEKIYRILYSKSLAFSGGTLKKFALYREMYIAKSFLICFSPLSNLDHKAYNEMSVAIRNYSKEKPVLLITSNLDELLLLSDNILAMKMGEVLLNVSREKISKEKLKELLFL

>BB0319

MSKKVFFKGFWILFTIFHLYLFVYLIFFKKRKVDISNKTNIALFIPGVISGSPSYKEMYDSLFEFKKNHENLEIKVLEAGFNQSEWIEMLEKLLTSKKYDFLITTNNAMQDIVDSVSSNYPYTKFLIFDSLVKNTNKQVYSVSYNVAEEAYILGYYVGLFLKEFIKSGFGNAALIAGQNYPVMNDYIYRYFKKGILDTGMRSEVYYRVLGNWHDSNLAKLLSDSLIKDSGALVILPIVGPAVEGVLSSVRENNISAVLFDSEDYLDNKENIIGSGITNQKYYVSHILDKALKSEINYGNSDIFGIKHKGVLFNVSNVFYLERTSQKLKEDLLKKIEEVSANGIKINLEQN

>BB0320

MRSSVDRIINFLISFGGFIFYSLLLIFYLTFMALK

>BB0321

MLDGMVYSLKIQIEEEINIFVFISCLKLLISAILKKMKNFQVLLYYSTKFKIHIHNLLNILLNLG

>BB0322

MLSSRTLFSQVAVVKEIEGRVSVVRNTFPVKLDLDDEIFEYDFIEVGENSKLKINLYEINGISVDLIFYSNTNSFVFYSSLKDLQDAKIYLFRGSVDAIIHSIVKGSSFSVIIDNNLFKAENTSKFYVNSDYFNNCFINVYKGSIRHINKTEYLIFPNTSLLLFNGNSFLHKVNEGTLKGVNQNFIRMAKDNFMSLNKRFLYFFVLKYIEDSFRFNFMYNYLMKDFKFNSIYSKWSLEDKNYKFGNRVDMIKNVNYLKGRIGVLFNNFVDLANRFYFVDDVLKYFSTFFDNSTTVNGPISKFLKDYKANKNLLKNKFFKTIHSLKMYLRRSNDDITSNLNVNELYLLRPREF

>BB0323

MNIKNKLISLLIVVAISFIACKTPPESRESKNAKIAQPDNKNFQLRDIKDIKNELIRERGHLFYSKEFNEAERLEEAMKQSFSKKKAIEGNEIALKVLERYKTIIRETREKKEKTNYLKENIEKYLNDAEANEAYIWIPLEIDEVNNLYFEATRKYKNYDLDNALDMYSKAFNRAQQAAKNAKEAKALKETDERMYKQLKALEAASNLPIYSNNKLIKPSPWNGRAFIKERNSHLNLLNTNKDTYLLGEAEISIPIVLAYEEKVEIAKNSKPQEQFKTLELIERSRTLWEKGVEAKNVKNFRLANELFLESARYLEAYQSNASSELYVIKIGNTLWGISKKLYNDPYLWPKIWFANRQKIQNPDLIHSNWKIIIPAK

>BB0324

MKKLILLNLIFISCYTINLEKLTKETPYGVYLREAQKAVNVNDYNSALKAYEKMIQNFAHNSNIVATGKYEIAFIYYTTNKTEKAKKIFEELIGNNMEMPKWIKPLAKKILNKIENNKK

>BB0325

MKKIFLFLFISFYLFGFEDSSLKIGIDDVYVEAHEEGFHLFIRKKPAIKSVILTESFEIPDKKKDVATYSFRTLSYNKVNGDEIRILNGRVIKNKELLSLTSSTPVPNKKFGEAFHILIPKKLKYGFPNFSTRSGDIDLEVLKSKKEPFWFSIRSFEKKYNDYLGRYQDNAYELLFKDDQNQGKIEFNELKDTFTKFSDEVVIANNGIDIVDKINKILKNSEDSVYDLDLVLVVDVTDSMKSNIEILKEHLFSIIEPQLQKFKSYRIGLVFYKDYLEDFLTKAFDFNTIPYLNNILKYVNVGGGGDYPEAVFEGIDAAVTQFDWRAERRFIIVIGDAPPHEYPRGSIVYKDVINSAKEKDITIYGIIFQ

>BB0326

MPDVDKIIQFKREILDNLSNERLSKESFGLSMDVKLPEPGESIVPWIGEDLALDETDDELDLNFMLDALENEDKLSYSDIFNDNLPLSGSNLRVDVDSELSTLNNDFDVSSSDSFENNIDKVLDDNSIDLEIASKLDFDNLINSPELSSEELINNQGNNNFFEANNDSSVLGDSNFLQSNEFNIDDAVNGKNQTDEQSEMFVGDSLNLSADEDDFENVIDDFKFLEYDQNANFKRFEFKVNYPLFLKHLNSYPRNLRIAIAEALTKENVSRFKLEALIDLVEKNKKRLKFIAKFVGDIVGRSIKLPVIYFKAEEFSKLQQKLSYRVSRALLPLIKIASFFVVLVLVSLYLIVDVIFFYVASESKYKEGIESIYANKRDLAKSIFRDAYYIRPDDKWFINYAKAFEDVRDFDSAEEKYEELFTIEPFSKNSTNRRRKKFNKEGYISYASMKIGLGEHSEANSILDEVISYDLYDYDALVLKGDNYFKWAKTNSNYYKDSINSYTVVLSKYGQKKEILFKLFNAYIEANLDTESDNVNNFIKSNEILDIDEVVYTKYAKKLVDKYISFVTYNQRANNLAINLNYLNGQTNLLNKEFSDFKRNDGRTIFKLDNNVNMNSEIEYILRKILNKNPNYDKALFESGRYSYYIGDFKKAEVYLLKALNSFRHKNSIEDAGDKILAYKILADIYEKTRDSLRASNIIGLALSDYSFYKKHNLIKGSKEISSIYEKQGDILRSLNDFKSAISSYKLAINEGVDYPDVYYKVGLLSYRENNYDDALKYLFKVESMAGFSSSNEVLNTIALTLYKIGDFLASRSYYLRVMQNLELEKANVLNFNPKENDYHKTLLLKEIETYNNLGVVEVMASFSSIRDTKLFNSGVSNLSESAKIFDILNRDEDMVKSVKKDLASLNLRNIFKNSFSKSNVLFYENLSEKL

>BB0327

MFVQNESFDKYFKDMESDFVSQFKSVENVNYLDKSYRNADSKSRRLADRMIERLLESGSTIVGIQNILELYQKTKSGKSSIILMEHYSNFDFPCFQFLLYKMGYHDIADHIIPIAGVKLFRDNLFVKTLSLGYNAILVYPPHAFVGVGLEHARQRRVFNTNSMKYIYEKKNSGYIILIFPTATRYRKGRPETKKIILEIGNYFKIFDYYLMIGVNGNVLEVSEDGDMSHDVFKRDSLIYNADKVISIAEYRDEILNTLKDSQTEITKEVLGLKIAEDLENRFNVLHAKGHEFYKKSFL

>BB0328

MKYIKIALMLIIFSLIACISNAKKEKIVFRVSNLSEPSSLDPQLSTDLYGSNIITNLFLGLAVKDSQTGKYKPGLAKSWNISEDGIIYTFNLREDIVWSDGVAITAEEIKKSYLRILNKKTAAMYANLIKSTIKNAQEYFDETVPESELGIKAIDSKTLEITLTSPKPYFPDMLTHSAYIPVPMHIVEKYGENWTNPENIVVSGAYKLKERSINDKIVIEKNEKYYNAKNVEIDEVIFYPTEGSVAYNMYINGELDFLQGAEKNNLEEIKIRDDYYSGLKNGMAYIAFNTTIKPLDNLKVRQAISLAIDRETLTKVVLKGSSDPTRNLTPKFDDYSYGKNLILFDPENAKKLLAEAGYPDGKGFPTLKYKISEGRPTTAEFLQEQFKKILNINLEIENEEWTTFLGSRRTGNYQMSSVGWIGDYFDPLTFLDSLFTTENHFLGAYKYSNKEYDALIKKSNFELDPIKRQDILRQAEEIIAEKDFPMAPLYIPKSHYLFRNDKWTGWVPNIAESYLYEDIKTKK

>BB0329

MKLQRSLFLIIFFLTFLCCNNKERKEGVSFKISLGAEPSSLDPQLAEDNVASKMIDTMFRGIVTGDPNTGGNKPGLAKGWDISSDGTVYTFNLREKITWSDGVAITAEGIRKSYLRILNKETGSKYVEMVKSVIKNGQKYFDGQVTDSELGIRAIDEKTLEITLESPKPYFIDMLVHQSFIPVPVHVTEKYGQNWTSPENMVTSGPFKLKERIPNEKYVFEKNNKYYDSNEVELEEITFYTTNDSSTAYKMYENEELDAIFGSIPPDLIKNLKLRSDYYSSAVNAIYFYAFNTHIKPLDNVKIRKALTLAIDRETLTYKVLDNGTTPTRRATPNFSSYSYAKSLELFNPEIAKTLLAEAGYPNGNGFPILKLKYNTNEANKKICEFIQNQWKKNLNIDVELENEEWTTYLNTKANGNYEIARAGWIGDYADPLTFLSIFTQGYTQFSSHNYSNPEYNELIKKSDLELDPIKRQDILRQAEEIIIEKDFPIAPIYIYGNSYLFRNDKWTGWNTNILERFDLSQLKLKNK

>BB0330

MSFNKTKKIGKKIKIVTLLMLAVSLIACNNNSEKEKLAFKVYIGGAPSSLDPHLVDETIGARILEQIFSGLLTLNTKTGKLKPGLAKNWEASKDKKTYQFYLRDNLFWSDGVEITAEGIRKSFLRILNKETGSTNVDMLKSIIKNGQEYFDGKVSDSELGIKAIDSKTLEITLTAPKPYFLELLLHYAFMPVPIHVIEKYKGNWTSPENMVTSGPFKLKKRLPNEKIIFEKNERYYNAKEVELDELVYITSDNDLTVYNMYKNNEIDAIFNSIPPDIVNEIKLQKDYYQHKSNAIYLYSFNTKIKPLDDARVREALTLAIDRETLTYKVLNDGTVPTREITPDLKNYNYGKKLALFDPEKSKKLLADAGYPNGKGFPMLTLKYNTNETHKKIAAFIQNQWKKILNINLMLTNENWPVLTNSRNTGNFEIIRVGRIGEYLDPHTYFTIFTRENSQLASYGYSNLEFDKLIRESDLEKDPIKRKQLLRKAESIIIEKDFPAAPIYIYSGHYLFRNDKWTGWNPNVSEVYYLSELKPIKNAKHN

>BB0331

MSNLIFNKMYFLFLIFYLKFYSLDLRRIFLCKILSKIIIESYTLFMYFCFK

>BB0332

MLKFTLKKILGIIPTLLVIIFLCFFVMRMAPGSPFDSEKPIDPQVKARLMEKYHLDKPFYIQAFYYITNALRGDLGPSLKKKDLTVSQYIKLGFPKSLTLGVISLIISLSIGIPIGILAAIYKNTYVDYIITSIAILGISIPLFVIGPILQYFFAIKWGLLYTSGWITERGGFSNLILPIITLSMPNVAIFARIIRGSMLEIIQSDFIRTARAKGLSFKKIVIKHMLRGAMLPVVSYIGPAFAAIISGSVVIEKIFRIAGMGMFITESALNRDYPVLMGGLLVYSIILLISILISDIIYKILDPRV

>BB0333

MNSLEKQNEENNSKLERRAWSRFKENKLAFGSLFVIGFYISIAILQPILPIYKYHTQIVEHSDLPPSFQAAGELWYNKEKKFIEKLAKKEKREINEEELKKLEDIKRKIENEVQIIDKKEVKIHKRVYLLGTDNLGRDLLARLIQGSQISLSVGFIGAFLSMIIGTILGSIAGFFGGLPDKIITKTIEILYALPYLLIVIILMAIMERSIIGLFIALAFVSWLTVARVVRGQVQSLSSSEFIQAAKTLGATNQRIILKHLIPNSIGMIVIFTTIRVPSFIMAEAFLSFLGLGISAPMTSWGELVQNGIATFVEYPWKVFIPAIVMTIFLLFMNFLGDGLRDAFDPKDSI

>BB0334

MEKENILEIKNLTIEFRLKHTTIHPVSNVNLSVKRGEIRAIVGESGSGKSVTSMAILKLLPELTTVYKSGEILFENQDLLKLSEKELLKIRGNKISMIFQDPMTSLNPFLRISTQLEETIILHQGLGKKEAKEKAIEMLKTVGVVNAEERIKHFPHQFSGGMRQRVMIAMALSCHPSLLIADEPTTALDVTIQEQILLLIKNLSKKFNTSTIFITHDLAVVAEICDTVSVMYQGKIVEEGTVEEIFNNPKHPYTIGLLKSILTLEHDPNKKLYSTKENPMKITKTSTEEF

>BB0335

MSSKKEIILKVENLMQTFTTGEDFLFWKNKQKVNAVNNVSFEVEKNKTLGLVGESGCGKSTTLRSIMQLYTPTSGNIYFNGKNITKLSKKELLKTKKDMQMVFQDPHTSLDPRMTIKEIIAEPLEIYNENKILPKTKQEIEQRVNELTDIVGLHKSMLTRYPHEFSGGQRQRIGIARALALNPKLLLLDEAVSALDVSIRAQILNLLKALQKEFNLSYLFISHDLAVVKYMSDKIAVMYLGVILELAPRETLFSNPIHPYTKMLIASIPEINPEKRKNKNIKLDEQTLANIRKIHLSTQVHPKLEEVEKDHFVSKYLFDEMNR

>BB0336

MKERCLYLLVFVALCVNNLFSDDYLIYDFDLSLNEFLEVSTRKDNLEPMVDSNRILLFYPPKKEIRKIFAAFDFDQYSKKYLFKKNEHGVFFVKVNIPHGTSSIKYRLIVDGVWTNDEYNKNVVYNEDLIPFSKIEIAKEKSSYISLRNPIQSYDNNEIEIFYIGRPGQIVTIAGSFNNFNPFLNRLIEKEDNKGIYTIKLKNLPKDRIYYYFIDSGNKVIDKNNVNRINLYFVEGIDNKIDFEVSYFDHK

>BB0337

MGFHIYEIKARQIIDSRGNPTVEADVILEDGTYGRAAVPSGASTGINEAVELRDGDKSVYMGKGVLKAIENIKNIIAPELEGMSALNQVAIDRKMLELDGTPTKEKLGANAILAVSMATAKAAAKYLGLRPYQYLGAYKANILPTPMCNIINGGAHSDNSVDFQEFMIMPIGAKTFSEAIRMAAEVFHTLKGILSGKGYATSVGDEGGFAPNLKSNEEACEVIIEAIKKAGYEPGKDIAIALDPATSELYDPKTKKYVLKWSTKEKLTSEQMVEYWAKWVEKYPIISIEDGMAEEDWDGWKKLTDKIGNKIQLVGDDLFVTNTSFLKKGIEMGVANSILIKVNQIGTLTETFEAVEMAKKAGYTAIVSHRSGETEDTTIADLVVALGTGQIKTGSLSRTDRIAKYNQLIRIEEELETTAEYHGKSVFYSIKQK

>BB0338

MKKSNFSNVNLSMGTGRRKSSVARVYIREGSGNIKVNNRDFDSYIQLENLRTMALSPLVLTNTLGKYDLYINVYGGGISGQSGAIRHGISRALFKLDESNKMILRSNGFLTRDSRKVERKKFGQKKARKSFQFSKR

>BB0339

MNKITNNDTIWIKPKTVEKKWYVIDAADRILGKVAVDVVKILRGKHKAYYTPHQDLGDNVIIINASKVKLTGKKYQQKLYYRHSRYPGGLYSDTFRTLSERKPCAPLEIAIKGMLPKGPLGRNLFRNLKVFSGSEHTLKAQNPIKL

>BB0340

MYDLPLIDNLPVIKRARFFYLYDIHGKRYLDLYLNGGRNFLGYRVQGLNRLFKQTMSRGLISPYPSVFKNQFINLVFTFFKEAGSVYIFKLEKDAKEFLLSLTGKNKFFMPWEKEEGIYEFRVGFSNIKYPMIFNIPLPDFMSVSIVVMDNLSRKIEFKDNFDAVTLSLARHTLSKLLFYKKNIDIDFNSFATPLFRIADRYMLPLYDACYHAEIFNEFLKFGYLISPNFSIPSIVPLKFSKGDLDNFKKLCFALKNKFIDGLDSDPYK

>BB0341

MEYKLVIGLEIHVQLGLKTKAFCGCKNEFGGVPNSRVCPICLGLPGSLPSVNVELINSAILAGHATNSKIRNVVKFDRKHYYYPDLPKGYQISQNDKPICEGGSLLIETPSGPKKINIIRIHMEEDSGKSLHLLDSENQSYVDFNRSGAPLLEIVSAPDINSGDEAVAFLSSLREIFRYLDLSECNMENGSFRCDVNVNLIVKENGVEHKTPIAEIKNLNSFKSIKAAIEYEELRQQQEWIQFKKTLNSCGKHTRGFDDRSGVTVIQRNKETVSDYRYFQEPDLPLIEIDDSYIDNIKNLKLIELPFHARIRLKGQYGLSDFDVITLTADKHLLKYFEEAVINSSDPKKVANWILSEVLSVLNDKGISVLEFNLLPSYITELVEFIVAGKISGKMAKRVFSEMMTRGVSASVVISENQLEQVSDKFVIKQIVLEVLDENPKSIELYKKGKDHAIKFMMGQIMKKSSGKINPILANEILLESLSNV

>BB0342

MDIFHLLKYWSKDKVLDLSNLTLTKIQELVLTRKCKIYDILLAYKNNYELNKDINGYIEFFDDSLEIAKRYDDCLKNCELEDLPLIGMLIAVKDNISIQDKSLTCASEILKGYISPYDATVIKRLKNKGAILIGRTNMDEFAMGSTCEFSYYGATLNPLNREYVIGGSSGGSAAVVAAFQAPFSLGSDTGGSVRLPASFSGILGFKPSYGGLSRYGLASYASSFDQIGFFSHSIEDIALILKHTCGSDKMDSTSVDIFDDFYPLKIESLQGKNLAVIKELSEDLMDKNVANSFAKFKLDLLSKGINIKEVSIEEINFILSIYYIISPVEASSNLARYTGLCYGKRISEGLSLNDFYFKHRSNFLSEEVKRRIVLGNYLLSERYDSKYYAKACEILQNLIIPKFNKLFESCDFIITPTSFVKPFRLGLDFDDPVKMYYSDICTVIANLIGAPAISLPYSKDEEGLSIGMQIIGRSKKDFELLSFSKNVIRELGLNGI

>BB0343

MKDIHLKNSLKLSLVTLSRESEDKFISKFEKVIKLVNKISNFEVQINFNANKKKISTLREDKVEFSLSIEAIKKLSNSFLDGYFSSPKILE

>BB0344

MMDKIKKFFSSLNTSQEKIVFSKSKNPMLVLAGPGSGKTRVIIAKIVYLIKYMNIDPNEILALTFTNKAANEMNDRINDLLKFDKKLHIQTFHSFGSWLLRVYYKDFNENYDSNFTIWDTNDVVKFVKQIDLAPNLEMAKHIAALILKDKENFFLEKFIQFTEKEYEYIKIYEEEKAKNNAFDFSDLIIKPILMLRQSKSLKESIQSRFKVIFVDEYQDTNYSQFLFLKELYLDGMYFMVVGDEDQSIYSFRGARIENILEFEKTFDNVIKFYLVQNYRSNSNIVGIANEVISKNKNRYEKQITTQNSSNKRMKFLVFQSTSDEAEYFSNLLISNDIKTAILYRFNSQSFHFETSFLKKNIPYKVLGSIKFYDREEIKDIICLLRLFINKKDKISFLRMINKPSRGIGKTTLDKIISSLNDKDVNFNLFCASKKTLGLLKNRAKESLLLFLNVYEELGKKLFEDNYINLSAFIEDVVIRFGLLDYYRKFDKDEKLRNIDELINSGIEYSGTFEGLAIFLENSSLSPLISGDFKSNILLSSIHGVKGLEFDRVVISGLEKGLLPAEIEELTEDRLEEERRLFYVAITRAKSELIVTLNLRRAFRGSYKGTLPSVFFQDIDKNSYDIIFIPEYLKENFNNFFINNKRDIGFNIGDYIIYNGEKGIVVDSWYQSNLQFVKISLRNGKKAILSPEYIKKIVKV

>BB0345

MKENDFIKFGSYLRKVRDSKNLTLEMVAEDIKISIKYLKALEESNIEIFPNEVLAVGFLRTYSEYLDIDSRLISTLFKDYKSRLNNSYIGIKSEDKISNLGFLSDNKVSEKKIFFFSLESLSIFKVFLGIVGVLLLFVFLYFREVEGYFKKFFNLSQDEKIISNIHEVSFDKKNFWNVSLKEGDFLSLTYSDDIAKYRASFIGDDLVIVDESKKSKNILNLGEFKEINLDDNIRVKIIYENYYYDKLKIAHVSLESFALNVKYVSETNIDNRFNILNWQFDVKGTEKLPSSNYLTLYSSQKLSNVDLKIDFLNDTFFRYADENNLYGKSLFASKGIPINLAFEKSLILFFSRLSDVNIILNDRDITPFLKEQGKEIFAVQFFWVKTPSGFDLKVSEVY

>BB0346

MIKTILLLVLYPVVVFSQISANQYFEGIYAKYQNIEDMQATINFTLKGLKQTGVLLYKFPDKFIINLDSNNQVFVSDGEFLTVYVPSLGTSFNQQLLKGSSGGGLMKVLNSEYSVSYTNSPNLEDLDSSEPGKYIKLTFSRKLYKGAATINSFIIAFAPDGIIRRITAFPTSGGREIVIDLTAVKFNVGILDSKFKYDPPKSSNKVDNFLYDIKKN

>BB0347

MIKMSLNYTEINTLIKEIPFTNSLITKIIQPDYKSLVLEIYNKIDNKKFKILICLNPNTTRFHITKKNFKKNALKLRFSDFLKSKIQNGKIIKAFQMKNERIISLEILQKDMIILFIKLWPSSPNIIATNSNFKILDAYYRRPKIKETTGEIFLKAKEIHESNKMSDKKIMELKEEYNNTSYTSYSEFLENYYESLNDQIKKTNIKELLIEKYKKELIVLEKRIDSLKQQIKLLENIENEKEKGELILLNINKIQKGIKEINLLNYKEEKIKISLNQSLSPKENALQYFKAYKKGKNSFKTIQNQLKDNLDKFNLIQSKITMLKVENLIPEEEYNQEKTAIKEKEKTPKIGLHFTYCGFEILIGRNAKENDKLLRHCVKGNDYWLHTRDYPGAYVFIKNQKNKTPSLDVLLGAGNLCVFYTKLAKKSGKADLYYTQVKNLRRVKNKKLGLVIPKAEKNLHIKLDENLIKKIKNQT

>BB0348

MISKLTKIVATISDLRCEPEHIKDLHDAGVNVIRLNTAHQSHEDTIKVIDNVRKISNKIALMIDTKGPEVRTANIENPIIVKTGDKVIISTSPINEPNNFQTNYDGFVKEVPQGSKVLIDDGELEMTVVAKLPDRLICEIKNDGQIKNKKSINTPGISLKLQSVTEKDKGFIELAAKYNVDFIAHSFVRHSKDVQDVQEILTASGNPDVKIISKIENQEGIDNIEEIAKASYGIMVARGDMGVEIPAEDVPIAQLKITQTCIKYGIPVITATQMLHTMIENPRPTRAEVSDIANAILNGTDAIMLSGETAYGKYPIEAVKMMTSIAKKVEKHRKMTLYKDELFYDKSITRNYIIKCAIDATKLMDIKAIIVDSLKGKTARIMATYRASVPLFITTNSERLARELALSYGVYSNLVDNNFKRTTEFVVTSLKMLKEQGVVNDKDTVIIISGNPNRNIEKGTEFMEINTVEDAIKGRNI

>BB0349

MVENIFYSDNTNDLSFKLEEKKTHKALLTSYGSYEFFLKNECLFKKIISNQTNNVFIISEAKSNFLINISNHNVWKIFNKNIKVNLKILKLLKTLNFINIDDKLIENDHKIEITLNFISNIKENIKIIPIIFGKTCNKHLLKFCEFLKPFINREENSFIFLSCFISKSTNIKKALKFEENLKHILLEKKLPNLNLILENYKSKKIFPENINAIMTISSLFKHFEFTDSKITFNSPEYLISNSILIR

>BB0350

MARKCEITGKKTMFGNNVPRKGLAKKKGGAGQHIGVKTKRTFKVNLINKKFFIPNLGRSVSIKVSANALRSISKIGLDAFLKKNCKKIENFL

>BB0351

MMNLGLFDFILSMFSINKELTSEQIKQKRLKEVKVSLGRVSNFFNASKIQALPQFSRFLYNFYKIFSPLRPFAQRYKNSNKIVHFVVEKYLNENQKKSLDYIYSFSASDNINFASDLPKNLHNNLSYLFKNITQEQIKLIDETYEALHNFFDLVLYQYHLVLKNFDNLLPEDDFVYRPRFSSIGCGVIIDDLKDLLECISCIKNISIWKNLYDIILEIYGNKEDFPIKSNVWIKVISSILDINKSKEILYLIRYVSGDPDYFPISVGQKPNPIARMFFNDLTKHVATEIEKIKVLQKNNKSKILAEQLFPGISFLNLDNYNEKMNEKIVSKIMSTTGYIYCELLVYLRTYTIYFVKKDLNDIINLLIIKGQWKLIELSREMSNDMHALINIYASLIDFDSNLGEQGGYGNRINALLHRASLGDKSSEKLLLNIIADVNKKAFAISSEYYSKIYSIEQRLQDCLSDYSKVSLERELIYNWKELDMDLAKSYGNNLNFGGMMKNILGSLALFLKLMDLYLEKKS

>BB0352

MNNFMRIKNLILIAILLISPSCSTNKNIVVLTDNKTIPFYINQFNIENKANFIIKFRNNIDLQTIEKENAQIIISKNIGNTNIANHFKSVKINYNPDYPILKHIFKQFNYKIIPLGFDIPILIYKNTHHIKKYINTKYLKEEYENFIKDGKFFISPYVSENLFYVISQINNVRFSFEKNKLNYNENQILKMLEYFSSFLNTKQMDLQKDFFNKYGYLKLNKILLNKKSLLIAGLSDITFYNSLSEQEKSQIKFSYLINDNNEIVISNPNFIGILETSVLTKKFINWILYKKTQKTLIGFNNQSQSNICFGFANGFTPYKELNLKIKHSIDGISPFIIDETQINSHSYVLSKKTIEKENLLINEWFFSKANNLKKNKN

>BB0353

MKREIYAFLSNFIIFMCFFLGLLFSYSYFFGENFLEKHKLIATFFDSILLFYKYFFGFFIFIVCIYFAFFVQQEIKIHLKSHNGYLFSRLYAFLLLFFIIGLFFTFIFNLILPYIIAQRNEYKFSYDRYNLLESEANEISLKIKHIDISLAANRFFLSSDLTDSMKQKRKHLENLIRIYDKMRIIYVNNEELLTNYYLVKSEYSKIPSYDVDLEKVKKTFSKYPLQSLKKQDFFNIVNEFISKNDYYTANYFAYIAYVATKDDNFVVLLNLTLKFINENRNFEKEKMQLISEEKQKNFLFLNTEKFKLAYYGFSNLYKLLPSDNEILNYKNKSLEKLRKRYLFFDEIEKYFEYYGINDVFLLQPDSKRGFYDYIYMQKVVAFNNHSKIIKNFELIRFNNTGNVILHIKIPFATLKGNSVYQNILDKDNEQSEITLTKVFVSTDSFDTNVLEVVKINENVENLALFSNFTEFGFFLKIQNLPSAFHRVAILNLKLINTFSLSLVLLISPISLVLIGAFFISLFSKIEFNFNSKAMIFLVSLMIAIFSGITCLFVNYFLIVFTSLLIYVFNSVYVSLAILSALLFFLIFKIITLNYKERLI

>BB0354

MKRLKRRLKIFWSITKRLKVFSIFEGGGFAVFDSLRLIFLIICRFILIFCLFSLMFICTFYLKYKFLYFNFSIFSYSLYYNAYIYSFPLSLVVTFMRISCPFYGIVLNSSRESFYFYCIIFVLILLFSYLGFLVSHSFHSYYINSNRNDNFILKDEIVHFLNDKIIFSSNRPRIYGFNGVLIVSENDKGDKGFSYQSNISNSSKIDFVENNFLEQKIYNNFVDFLFRDLKILNNFLLSLNYLNLIFNILGISLLLFAFSYVFNLIFSNSFAIFLYPIFIILFLKIYNVYSIEFPKIYNVIIGKSMISDFIPFIFCVLTFFSTYLFGFVSEYIKISKDLDNNLYKGS

>BB0355

MAFLLNQSVVYPMHGVGTIKDIRTKEFNGEIIDYYEIHFPFNDMIFMVPVAKVDDFGIRALVSREKVEEVFDVIKEFEGQIDSKKIKDGGHEFYKKSDILDTAKLYKFLYKKSTQKELPFYEKRILNDFELILEHEISLALQISFEEAKKKIKNILVDNKKA

>BB0356

MSIFQGILIIPIVIFIGLKAFLKALIFKKFRNHIKNSSLVFLNSKIVRFFYRIFKRVNIDCYDSNTVLLILMEILENAHKTCYIIDKDKVISKKKFLRLKESHKEISFIGYYDLKAVKRNKEMFFANINKLTPSVIISFCNDRYLENLFYENKFNIRTNLSVFL

>BB0357

MANLKDIYSKPDRFYFLGVPIDVFDSRSSL

>BB0358

MKQIVLDENCLAGNFIIVKDAKIYHHLVNVRRLKKGDKLNILLKDKELRASEIVKIGSNFIKFTTNKIDKIEKNNFEISIFISSLKGRKIDLVLRQVVEIGVSEINIINADRSVSKIDINNASAKILRFSKIIDEALKQSGNKIVPKINFYNNFFYLPYSFCTTRYYVAHPSGMILSKNESFDNFGKIGIIIGPEGCFSESEIVFFKEKGFNFVRFNTPILRADTAIIYSLAYFKALLEDYNG

>BB0359

MKNKFLICVYFLLTLGISSLVIVESIFAFDESNNKLSRSNYEQMMIQAFEFVKENYVDPVSDEVIFEGALKGIFQSLGDPYSQYLTKKDLEEISKTTVGDYVGIGISIIKKMHSQDKQDKAKDFDPNSACVSIVTPFEGGPAYKAGIKSGDCITAVDGKSVYSMEVDQVVDLLKGKEGTKVKVSILRGKNLTLDFELTREKIEIQTIKYDVINSDIGYIRIVSFNPHTSVDFRKALDNLKNKNIKSLILDLRLNTGGYFQAAIKMADDILSKGIIVSTKSRNSSKPIDYKASSKQVLPSNIKIVALIDRSSASASEVFVGALKDNKRAYIIGEKSYGKGLIQHVVPFYTGGFKITSSKYYTPSGKSIHKVGIEPDLEIKSPDFSEEEALIYKEIFDKKLIEGFLKGKKFITEQEIDFFVENLVKENPKYKIDKEFLGKYVFFNYYQDNNKELPIYNLHYDKVLKTACEYLSKLGN

>BB0360

MLNSHPKKTQSLYRAGLVVLQITESLLILALLYQAINKLIFINNYSIKFMLTFILYSPEFFMANLTTYYFIYEKFKILHSIIVITKLFQIILTLLLFILGFIFKIYVYQTSLAIILGITVVYLVFNVTILVLIKAKIKNLE

>BB0361

MIIIPVASGKGGVGKSLFSTNIAICLANEGKSVLLVDLDLGASNLHSMLNIIPKKSIGTFLKTRINFSDIIIQSGIKNLNFIAGDSDIPELANIAASQKKIIIKNLKSLKYDYLVIDLGAGTAFNIIDFFLMSKRGVIVTTPTVTATMNAYLFLKNIIFRLLSSVFKRGTKGNEILRTIKQNSIDLQRVYIPNLLLKLESEDPENYSKFNKLFRTISPFMIFNMLKAPKDIEKTEKIIKSAKNYLSINLQSIGAIYKDEIVDQALNSKIPITIYKPTSSTSKSIKKIAKKLIEIEDLTNDAELLNEEDLNESYDFVLREAQEEYIEKIEYLESLIKNKTIESSEIIDIIKSQKREIETLRKQNMLFKKKLVEKLEKAKEV

>BB0362

MPNYINYPSWLHPEVIQGIPITWYSLSYILIILISYKFIWYQIQSDNVDIKKEDYEIFMFSLVLGAILGGRLASTLVYDKSGIYYSNPWLILLPFDQHWNFTGFRGMAIHGGFLGAIIAPLITINTNLKNTNVQKYFLKLTDYGSIAFSSGYILGRLANFANAELYGRVMKGGIIFPNAEPFDTNIPGVKEFASSVGLEISPHDLLINLPRIPSQLIEGFFEGPVTFLLLWFLFKKIKKYDGFIFGVYVMLYAFFRFFIEYLREPDKELGFIITYKPITSLSEFSFLNISMGQILSLTLMLSGLIWIIVTKKIADKKIKNNTNLAYKN

>BB0363

MNKVNNYQNINSVIISKKEVGLRDLIKLKSIFNLIQIVKSEKALYSEYVKQNNIKFAIIYNYEKPIDFSINIANELKNANKIHSIIISKEKFDEEYLKLDHIEIIKDISELEYKQSLIHQKKLFCDNKNTTLDFFLNLSELIKEIVIITNTKNEIIYINEKGSKNLNLPMKTSGNIIKVTDIDIRDWEKLEKINLSYHTNSIPEFKNILITDCLLTLKNNKKLHVDIFISTIAQNNIDKLITIKEISNSNKIENYKYLEIIDSQDEIQNAKEIEKLLVNHMDIYKKKSIYLLNLDVSLTAEYEYKEDQEKLNAKILKIMYSKIMSLYSEYIFKLKHNNLIVIISTSGGEKRIISIAKKIKKTIALAFKKEDIIIFKFNIGIIEVNLKENLEFKIPKLMMATKISSEYKESNPTIYKEELPEAVILKNQNKIFQYILKAIKNDFFTLYYQKINPLKKNLKPKIEILTRLFDHMGKPIPNNQIFNLIDKYNLTVEVDTLVVKKALREYKSFVSKNGIHIFSINISPYSLKSQNFRIFLRDTLLKSQIPLQNICLEITETGILENFEIINKYFQELKSFGIKLALDDFGSGHTSLSYIKTLPIDLLKIDGSFIKAINSSEIDFVIIKSIKKIADTKNIKIIAEFVYNEEILKKIIELEIDYGQGFLWHKPEPI

>BB0364

MEKKIALIAHDKKKEDLVNFVKQNYLFLSKFKLIATGTTGSKIQQATDLTIFKYKSGPMGGDQQIGAEVAEGNILAIFFFRDPLTSQPHEPDVSALIRLCDVHKIPLATNVKTAEILIKGLESLIF

>BB0365

MYKNGFFKNYLSLFLIFLVIACTSKDSSNEYVEEQEAENSSKPDDSKIDEHTIGHVFHAMGVVHSKKDRKSLGKNIKVFYFSEEDGHFQTIPSKENAKLIVYFYDNVYAGEAPISISGKEAFIFVGITPDFKKIINSNLHGAKSDLIGTFKDLNIKNSKLEITVDENNSDAKTFLESVNYIIDGVEKISPMLTN

>BB0366

MKKQNPWIYLNEEEKNQILNFSESYKKFISKFKTEREVTAYALDKAKKLGFINAEEKKNLMPGDKIFYTCREKSVAFAIIGKNPIEDGMNFIVSHTDSPRLDAKPSPISEENELTFIKTNYYGGIKKYQWLSTPLSIRGVVFLKNGEKVEINIGDNENDPVFVIPDILPHLDRKIQRNKKSDEIVEGENLKILIGSLPIETKEKNKVKLATLQLIKEKYKIEEEDFVSSEIEIVPAGTAKDVGFDKALIGAYGQDDKICVFTSLESIFDLEETPNKTAICFLVDKEEIGSTGSTGLDSRYLEYFVSDMIFKIKKSEYNNLHVQKALWNSKSISADVCAAINPLFSSVHDEQNAPQLGYGIPIMKYTGHGGKSMASDADAELVSYIRQLLNKNNIAWQVATLGKVEEGGGGTVAKFLAGYGIRTIDMGPAVISMHSPMEITSKFDLYNAYLAYKAFYRE

>BB0367

MADLEKINKIKVAEHIVECFGGIKNIKNIDKDLTRIKILVDSNSLVKRDDLTKNDNIIGTIKSNELTEVVINFEIIEDVYNKILYMMNEQKQ

>BB0368

MSFYKVIGGVFMKISVIGAGAWGTAISKSLADKFDFNIFLWVFEEDVKNDINNDNVNTKYLKGIKLPKNLVASSDLFEVVTMSDYIFIATPSLFTVDILKKLDQFLHFLEIKPKLAILTKGFITFDGKTQTVIEAAERIMKGYKDEITYIVGPSHAEEVGLGVITGLVAASNNRENAYLFINLFSKTPISLFYSNDVFGVQIAAALKNVFAIAFGILDAYKLNYPNLIGNNTESFLFSISLNNIKDIAMELGGRNIETFLFLSGSGDLDVTCRSMFGRNRRFGNEIVSKNILESFLSIDDLISNIEKIGYLPEGVLAAKSIFFFFKQLNRDLNPNSLLSVIYKILNKELEPKSVIEYMRDVRQ

>BB0369

MYDRRALNCLFFNTFLFFMESRHLVFTEEHIFYGLIKSDKVKELLNLCAIDFYKLNKQLEEFFSKLPLRGNYIPDYVSSMDYLYDDIISVLFFYKKPYKIQEKDLLWVLVKKRKNSILDALLSSGFNLTIFDKLIEAHDYLAVNTKSASGDSELIAEYIHNNAPKRKGGFHIFDDKRDELDQNNIFLESKDSIGNFLTNVIDTLDLKYNPLIGRSQELSRLIQVILRKHKSNPILFGEPGVGKTVLIQGLAYKIKIENVPKDLIGYEIYSLDIGRLVSGTKYRGDLESRVNRVLDFLSSRKKVMLFIDEIHMIVGAGATSFGSMDISNLLKPILTLGKIKFIGATTEYEYRKFFLKDKALMRRFQSIELKEPNFEDAYNILQEIKKDYERYHNVEYTDEAIQACILMSQKYIKDRFLPDKAFDILDELGSKFKLENIKRIITKDDVCDLIKSIVGSNIFNFEEYDGELLINLENRIKKELIIHDNLVLDLILNIKLLKFNLLANRSTIGIFAFIGASGSGKCKLMDILSEEFKIPKFSLNMGEYNDFNSLDRLIGPVLSNEGYYESTRFFKFLNKSSNSIIFLSDFDKCNKRVLDFFLEGFKTGKLFDGLGKKVSLSESLIVISINAESKELNSIGFRNKMAGENDFNFILKKRLPNEFLELIDHVFVFKSIDELDFEKIIFNELNYFARILRDRKFDVFFEKSVVDYIREKIYGKGYSLKSVRKFIFKELGKLLIDEILFKKIENSGKIKIYLDETIKYEFL

>BB0370

MNLALSLLHKRGFLKQCTSLKVLSDLMDREKIVFYAGVDATSSSLHIGHLIPFLAMMHLRQHGHMPIVLIGDSTAKIGDPSGKSEMRKILSSEEIGNNALLIKNQLQRITKFTSECFIHNSNWLDNLNYIEFLRDVGMHFSVNRMLSFETYKRRMDFGLSFIEFNYQLLQSYDYYMLNKIKNCRLQIGGDDQWGNIISGVDLIRKKNGSETFGLTFPLITRSDGKKMGKSEKGAVYLDSNLFSIYDFYQYFRNTSDSDVKTFLYLFTFLEEDEIELISNFKGNSLNKAKEILAFEITKIVHGEAEALKVQEASFAAFRGSGDRSNIPFFKFSFSSLKEEILLVDLMLDSKIVPSKSEGRRLIDSGGVYINGKRVESQSHLLTKKDFNNNEVELRVGKKKFLRIVI

>BB0371

MVRMEDIISLAKRKGFVFQSSEVYGGLSGAWDYGPLGVELKKNIKKEWWKSMVYLHENIVGLDSAIFMRPEIWRASGHVDGFSDSMVDCKDCKSRFRADFIDLSKNCPNCKVGNNFTSPRSFNLMFKTHIGVVEDSSSEVYLRPETAQGIFVNFRNVLDSSRLKIPFGIAQVGKAFRNEIVTKNFIFRTCEFEQMEMQFFVHPKQIDEWFCYWQQNRMNFFIETLKISPDRLRFKAHDSTQLAHYAKAAFDIEYEFPFGFQEVEGIHNRGNYDLTQHAKFSNKPKVFEYHDLLTKEKYVPYVIETSAGLTRSVLMTLCDAYSEEELSDGDKRIVLRLHPKLAPYKIAIFPLVKKVELTEIARRIYMELCDDFHIFYDDSGTIGKRYRRQDEIGTPYCVTIDYNTIEDETVTVRERNSMTQKRIFINDLYSYIKTEILNYKEDFNK

>BB0372

MSTRVRYAPSPTGLQHIGGIRTALFNYFFAKSCGGKFLLRIEDTDQSRYSPEAENDLYSSLKWLGISFDEGPVVGGDYAPYVQSQRSAIYKQYAKYLIESGHAYYCYCSPERLERIKKIQNINKMPPGYDRHCRNLSNEEVENALIKKIKPVVRFKIPLEGDTSFDDILLGRITWANKDISPDPVILKSDGLPTYHLANVVDDYLMKITHVLRAQEWVSSGPLHVLLYKAFKWKPPIYCHLPMVMGNDGQKLSKRHGSTALRQFIEDGYLPEAIINYVTLLGWSYDDKREFFSKNDLEQFFSIEKINKSPAIFDYHKLDFFNSYYIREKKDEDLFNLLLPFFQKKGYVSKPSTLEENQKLKLLIPLIKSRIKKLSDALNMTKFFYEDIKSWNLDEFLSRKKTAKEVCSILELIKPILEGFEKRSSEENDKIFYDFAESNGFKLGEILLPIRIAALGSKVSPPLFDSLKLIGKSKVFERIKLAQEFLRINE

>BB0373

MVEKIRLGFNIIFLGLFIYFLAILRFQMKLSFILFNYQFIVVYFLLVIVFNVIYSQYFFPRLYFILNGMEDAFTFLKLKMVRKKLKSVFEISILLRFILIKQDKKSLDELYFYLKDTRLRHKTIIELYSVLISFREKEKASSLILNYKYSRNKWVKYCEALSMLSFEEHSKLKELVNFLDKFFLKNDIFTIYFYYLLRKSKTSFDLLESKKIEIRNRYYKFKNRIDSKHTKLLGSNLFFVVFYYIYDFSKKDVFY

>BB0374

MQNSESIIKNIKNSSYLIDKEFLVWPENAFIGDKNIELIEKWNLKSYIKERKNFFSDDSVKKEYEEIHKKFNEEAISSYHVIISNLEEIYENCKRNKKIYYQDIMPTVKKVIEFYKKQKKIFIKYFRIPKLSANYHIIHSVNTAILTVALGNEMGLNNYKTVELCSIALLHKIGFLFIPSKISEKKEALTEEELEIIKKYPIISYKIASTSNLSRSICLTLLTHKENLDGTGYPKGLTSENISIESNIIGAASAYSAIILDKAYKKSFNSGASIIELIKDADKKFDKRVLKLIINAISSCPLDFIVELNDNSIAKIVDIDESNPNLPYINYIIKNGKVIDKNEQSSVQSIPNTNTGIKKILNQNEIELIKNKYSLIDII

>BB0375

MILIISAMQEESEEINKILDNKEEIVLNDYLENKKIYKGKILGKDVISLTTGIGKVNAATWSSQIISKYKITHIINSGSSGGIKENSNLKILDIIVSSETAYYDFDLTKFGHKIGQVPNLPQKFKADEELLKKVANIVDNKLLNIDIHIGLILTGDQFVDNEKNLETIKKNFKDALAVDMEGAAIAQVAHIFKIPFIIIRSISDLPNNKDNHIDFNKFLKTSSINSSKMTKELIRLI

>BB0376

MNKIIAANQTLTSEAVSEGHPDKIADQISDAILDEILKEDKNAKVACEVIIAQNLVVIAGEINSPVKKNIDIKEVAKNIIKDIGYTNIDYGLDYKTITVIDAIGNQSRDIINAIEKKGSNALGAGDQGIIFGYACDETKNFLPAPYELANSILKKASNLRKSGAIKWLRPDSKSQVTIEYDKNRNPVKIKNIIVSHQHHPNISQKLIQQTIIEEIIKPTVQDKSMLDENTAYCINPSGNFVIGGPTGDTGLTGRKIIADSYGGFARHGGGAYSGKDATKVDRSAAYMARYIAKNMVAAGISKEFELQLAYAIGIENPISIQITGGINDPKYANKILNFIVNNFDLTPNGIIEKLKLKQPIYLKTCTYGHFGKNEFEWEKLDFVKKIQTALKK

>BB0377

MGKIRFCKKNTNSAKKMKKITSFTIDHTKLNPGIYVSRKDTFENVIFTTIDIRIKAPNIEPIIENAAIHTIEHIGATLLRNNEVWTEKIVYFGPMGCRTGFYLIIFGDYESKDLVDLVSWLFSEIVNFSEPIPGASDKECGNYKEHNLDMAKYESSKYLQILNNIKEENLKYP

>BB0378

MRRNFLFFFVFMLNAFRIYSGIPSYLNVYSGVGLGVDNFTQDLFFYERLKYQFFSGVGVNVSQNLAFGGEFNLDIKFLPSHTPYTNEIIFMLDDQAYLKHSLNYFIIKDVSFSLRMYGNYFFLSYTPMFSLIFFTGLKFSYIGAKICFVDSRDWVLLDNFVLGIDIGARINVDFIFLEYTISPIFYNKPLLLNQMHKITLGFIFQFDVATKNESEILSIL

>BB0379

MLFFYNRIFLMYDCIFCKIINKELPSYKVYEDDLVLAFLDINPLTVGHTLVIPKEHSESLLNMDDKFNERVLKVCKKISNALKRINSSIYGGINIYSALGAGAGQEVFHTHFHVIPRFKNDGFGFKRGNKLNLEVEKFKELSMQISMNI

>BB0380

MIDIDELRIFLKEKSYSKIKEKFLKXDSXDIAEALKRLNGTELILLYRFLPKKIAVETFSNFDQSTKNKLANSFTNKEISEMIDELNLDDVIDLLEEVPANVVQRFLASSTEENREIINKFLSYSDDSAGSIVTIEYVELKEDFTVGKALDYIRRVAKTKEDIYTYYITDDEKHLKGVIKIEDLILAKDDVILSSIMRSSGFYIVGVNDEKEDVALLFQKHDITSVPVVDNEGRMIGVIIIDDILEVIQSVNTEDFQMIAAVKPLDTSYLDTSILVMTKNRIIWLLVLMVSSTFTATIISNYQNLMLSLVVLANFIPLLMDTSGNAGSQASALIIRELALGTVKVKDFFKVFLKEICVSILVGAILASVNFLRIVFFVAPHHSDKLKIAFVVSSCLMVSLTVAKILGGLLPIVAKLLKLDPALMAGPLITTIADAITLIAYFNIAKWVLVSYAV

>BB0381

MNKKMFPKIYYYDQDFIDIYNKSLSWIQDKVILQKVADRGKKDKNYYSENCDYIDQMQACMSSFFLVYSNGEYSSTSAIDKFYQLQEESGAIRARYDNNNAIIDLDENEENIGFPIFAWAEYNLYHKTGNKKRISEVLPILDKYYKWIESKFLKENGLYSIDVNKIFYKNSPRVDAYYPIDFNSLQVHNAYCISKLADILNDKNLSLEYKKRFFSLKVKINSLMWSEKDGFYYDLDVNENILEIKTIVGFFPMLSEIPSEDRIERMIFYLKSTNHFGTPNPFPTLSVSEPGFSEDGNGYYGSVYTYMNFFVIKGLEYCGRANIAREFTIRHLYYILDTLMPFNKIKGHIWEAYRPMQEGPAYFDSNKKTYTEKGLICYLALFSISLMIENIIGLTISLPDKTVYWNIPTLEIMGIESLSLKKNQTTIICNKGKRGWEIKMESEKLYYFTINILNKKEKTLPIPSGRCSMLLDKLX

>BB0382

MRIVIFIFGILLTSCFSRNGIESSSKKIKISMLVDGVLDDKSFNSSANEALLRLKKDFPENIEEVFSCAISGVYSSYVSDLDNLKRNGSDLIWLVGYMLTDASLLVSSENPKISYGIIDPIYGDDVQIPENLIAVVFRVEQGAFLAGYIAAKKSFSGKIGFIGGMKGNIVDAFRYGYESGAKYANKDIEIISEYSNSFSDVDIGRTIASKMYSKGIDVIHFAAGLAGIGVIETAKNLGDGYYVIGADQDQSYLAPKNFITSVIKNIGDALYLITGEYIKNNNVWEGGKVVQMGLRDGVIGLPNANEFEYIKVLERKIINKEIIVPCNQEEYEIFIKQILKL

>BB0383

MNKILLLILLESIVFLSCSGKGSLGSEIPKVSLIIDGTFDDKSFNESALNGVKKVKEEFKIELVLKESSSNSYLSDLEGLKDAGSDLIWLIGYRFSDVAKVAALQNPDMKYAIIDPIYSNDPIPANLVGMTFRAQEGAFLTGYIAAKLSKTGKIGFLGGIEGEIVDAFRYGYEAGAKYANKDIKISTQYIGSFADLEAGRSVATRMYSDEIDIIHHAAGLGGIGAIEVAKELGSGHYIIGVDEDQAYLAPDNVITSTTKDVGRALNIFTSNHLKTNTFEGGKLINYGLKEGVVGFVRNPKMISFELEKEIDNLSSKIINKEIIVPSNKESYEKFLKEFI

>BB0384

MFKRFIFITLSLLVFACFKSNKKSIKSDKVVVGVLAHGSFYDKGYNQSVHDGVVKLRDNFGIKLITKSLRPYPIEGKRLLTVDEAMTEDAYEVQKNPLNLFWLIGYRFSDLSVKLSYERPDIYYGIIDAFDYGDIQVPKNSLAIKFRNEEAAFLAGYIAAKMSRKEKIGFLTGPMSEHVKDFKFGFKAGIFYANPKLRLVSKKAPSLFDKEKGKAMALFMYKEDKVGVIFPIAGITGLGVYDAAKELGPKYYVIGLNQDQSYIAPQNVITSIIKDIGKVIYSISSEYINNRVFKGGIIIDRGLKEGVIEIVKDPDVLNNRLVDEVIDLENKIISGEIIVPDSEYAFDLFKSKL

>BB0385

MLKKVYYFLIFLFIVACSSSDDGKSEAKTVSLIVDGAFDDKGFNESSSKAIRKLKADLNINIIEKASTGNSYLGDIANLEDGNSNLIWGIGFRLSDILFQRASENVSVNYAIIEGVYDEIQIPKNLLNISFRSEEVAFLAGYFASKASKTGKIGFVGGVRGKVLESFMYGYEAGAKYANSNIKVVSQYVGTFGDFGLGRSTASNMYRDGVDIIFAAAGLSGIGVIEAAKELGPDHYIIGVDQDQSYLAPNNVIVSAVKKVDSLMYSLTKKYLETGVLDGGKTMFLGLKEDGLGLVLNENLKSNYSEIYNKSLKIGQSIMNGIIKVPYDKVSYDNFVLQMEN

>BB0386

MSRKNKKIKKKVFVDTRYNSRIVAKFANRMMYDGKKSISESILYSSIDLLADKLEESDKMAVFYKALDNIKPLVEVRSRRVGGATYQVPVEVREERREALAMKWIIFAARKSSGRSMKEKLSNELLNAYNSTGAAFKKKEDTHRMAEANKAFTHYRW

>BB0387

MPTINQLIRKPRKSQTEKTASPALQNCPQRRGICTRVMTVTPKKPNSALRKVARVRLSNGFEVTAYIPGIGHNLQEHSVVLIRGGRVKDLPGVRYHIVRGAKDTLGVNNRKKGRSKYGTKKPKA

>BB0388

MKEIKDFERIKIKIASPDQIRNWSYGEVKKSETINYRTLRPEKDGLFCERIFGTTKEWECYCGKFKSVRYKGIICDRCNVEVTHFKVRRERMGHIELAAPVAHIWYYKYIPSRIGLLLDITASSLNSILYYEKYVVIEPGDTDLKKMQLLNEDEYIEARERYGMSFNASMGAEAIKTLLENLDLDELSSKLRIQMIDKDDKTDKKLLRRLEIIENFKISGNKPEWMIMEVLPVIPPEIRPMVQLDGGRFATSDLNDLYRRVINRNNRLRKLLLLNAPEIIVRNEKRMLQESVDSLFDNSHKRKVVKGSSSRPLKSLSDALKGKQGRFRQNLLGKRVDYSGRSVIVVGPELKLHQCGLPAKMALELFKPFVIRRLIESEAVFNIKRAKNLIEQEVDEVWQILDLVIKEHPILLNRAPTLHRLGIQAFEPVLVEGKAIKLHPLVCHAYNADFDGDQMAVHVPLTPAAQAESWALMLSTNNLLNPANGHPIVFPSQDIVLGLYYLTMEKKNVVGEGKKFLNFNNVILAINNRSLDYNASIYVKIHGEYKKTTAGRVIFNEALPKGIEFVNKTLSDLELQILISKVYVVHGSSIVIEMLDIIKELGFRYATKFGCTISMSDIIVPDEKRTYVERANKEIAKIQNDYAKGVITGEERYNNVVSVWLKTNEELTNKMMEILKKDRDGFNVIYMMADSGARGSRNQIRQLAGMRGLMAKTSGDIIELPIISNFKEGLSVIEFFISTNGARKGLADTALKTADAGYLTRRLVDIAQDVVVRIEDCGTINGIKVETVKNGEEILESLKEKAVGSYSIERIKNPITGEIVLDANEEISEAKIELLEKIGIEKLVIRSVLTCEAEHGVCQKCYGRDFSKNKPVNIGEAVGIIAAQSIGQPGTQLTMRTFHIGGVAQAGSEDDKISLKNAFILNGIEGFNVRVDNGILFTRKGTLKIINVFYEEKIKNIKEIKVLDSQRVIKGIPLFIDKKGSEILSSYIGYVKLRDDNFFIVSEEQEVSLKAGTKLEIEVGDYVESGKVIGTFDPFAEPIIAEVKGKIKFKDIILGTTLKEEINTETGNVEKRITDNVFESLDPRIFIIDSSGMEVASYVLPGDAYLQVEDGQSINIGDIIAKLSKGSEKTQDITGGLPRVNDLFETRIPKNLTEMAKVSGIVQFKSIQKGKRLINILDEYGVEHKHYIPAGKHLLVRDGDVVKAGDMLCDGRINPHDVLEILGGISLQEFLLAEIQDVYRKQGVSINDKHIGVIIKQMMKKVKIVAVGDTNFVYGQKVDKHTFYEQNRKVIEQGGEPAIASPILIGVTKTSLNIDSFISAASFQETTKVLTDASIAGKIDDLRGLKENVVIGHLIPTGTGMGLYKKIKVSENIDSEV

>BB0389

MIKRVHLGQGRADEILDLPNLIEIQLNSYEKFLQLDKLKSKKPLLNEGLESVFRNIFPIKSGNGDVALEYERYYIENDALNFTEKECKRKGQSYEAVLKVRLNLQFLTTGEIRQKDVYMGTIPLMTERGTFIINGAERVVVSQIHRSPGVVFYKEKDLYSARIIPYRGSWLEFEIDSKKDYLYVKIDRKKRILITLFLRALGFDTREKIIETFYNIKKIKVEDGTKRDLPGQYLAKSINIRENMYYRAGDKITLQDVEDFLQNGVNEIELVDFDGYNDISGKRFVSSNVILNCLEKEDAFFALKDGSKELPKESVMLAVYGSLFPGEPISIDNAENDLKTIFFSERRYDLGRVGRYKLSKKFGFDDLTTSVLTMDDIVNTISHLLRIYEGHDILDDIDHLGNRRVRSVGELLTNIYKGAMSRVEKIAKDRMSNKEVFNLKPQELISVKPIVSAVKEFFATSQLSQFMDQVNPLAELTHKRRLNALGPGGLSRDRAGFEVRDVHYTHYGRMCPIETPEGPNIGLIVSLATYSRVNDYGFLETPYRKVVNGVVTDQLEYLSAIDEEKKCIAQANAAFNSNGKYLEDLVSVRISGDYTTTSPTNIDYMDVSPRQLISVSSALIPFLEHNDANRALMGSNMQRQAVPLLFPKPPIVGTGMESVVAKDSGVVVKAKRSGEVILATSSKIVVKPFEAENAKDLDEYHIVKYERTNQDTCFNQSVLVKEGQKVERGEIIADGPATRYGELALGNNLLLGVIPWNGFNYEDAILISDRIVKEDLYTSIHIKEFSIEVRETKLGPEKVTGDIPNVSEKILNKLDENGIIRIGTYVKPGDILVGKVTPKSEGDITPEFRLLTSIFGEKAKDVKNNSLKVPHGTEGTVIDVQRITKEDVGNLSPGVEEILKVYVAKKRKLKEGDKMAGRHGNKGVVAKILPVEDMPYLADGTPLDICLNPLGVPSRMNIGQLMESQLGLAGKYLGESYNVPVFESATNEQIQEKLKTAGFNPTSKEILYDGYTGEPFENEVMVGVIYMLKLHHLVDDKMHARSTGPYSLVSQQPLGGKAQFGGQRLGEMEVWALEAYGAAHTLQELLTVKSDDMSGRVKIYENIVKGVPTNVSGIPESFNVLMQELRGLGLDLSIYDDAGNQVPLTEKEEELINKS

>BB0390

MALNKEDILTWLEGAKTMEVVDLVTAIEEKFGVTAAVAAGVGGAVSVGSADSEEQTEFDVILMSFGDSKINVIKEVRAITGLGLGEAKALVEAAPKAIKEGLSKSDAEELKKKLEAVGAKVEVK

>BB0391

MFGGNIMSAKINAKKLEMFDLLKQFIDSKQNLFFLDYRGLNVAQLTELRNKIEGEHGSLKVVKNNIMKMVLKEKNINVVDSCLVGPTVVVTALEEANVIAKIFYDFVKSSTLKVKGGFVLGEFYDEAKVQAYSKLPTKKESISLFASVLKAPVSKLARTLKALADVKN

>BB0392

MSKKGKKYIEAFSKVDKNKFYNIEDAILLLKEIKFAKFDETIDISINLNLKKNHTVRDTIVLPNQFMKPKRILVFAKGDRADEARAFGATYVGDDDLINKIKSGWDEFDVVVATPDMMKDVGRLGPILGKRGLMPNPKTQTVTNNLKDAINSLKKGRTEFRANKNGVISFSFGKSSMDNEKIKENYEEFVKEVVKKRPSDLKGAFIDSIYISSTMGPSIKVNFVWR

>BB0393

MAKKKAISWIKLQVPAAQAAPGAKIGQALGPHGVSGPQFVKEFNERTAKMDPGIVVPVIITVYSDKSFSFIVKTPPASILIKKAIGIESGSKKSNTDKVGTISKEKLMEIARIKMSDLNAKSESAAFKIIAGSARSMGVEVEK

>BB0394

MSRAWYVVQTYSQYEKKIEQDIRLLINEGVFGGVVLDVKAPIEKVEEIRNGKKRIRERKIWPGYILIELDLPEVGWKDIIANIIKVQGVINFVGVSKGQRPIPINDEEVKSVFMLTGEIKANKSIFMLYDFEEGERVRIKGGPFDSFEGLISSIDYERKKLKVAVQIFGRSTPVEVDFQHIEKI

>BB0395

MFRFIKDSILELKKVTWPKYNEVVGNGKQVFWLVLFVSIFLGIVDYLMFLVVTYVF

>BB0396

MGKKKGKGAVELISLICEETGIRNYTTTKNRRNKQEKLELMKYCPKLRKHTLHKEGKIK

>BB0397

MHFLKFLFSYLFLLYSNVSIIKDEAAETSVHRIIDWDRKVICFDIVKEINENEFRPVGLNTASKLIATINDFKDTLIRESLFKIIMDSENTFKNYFDLNPSLILNFSGPNSILKRSYIKYSEDLRSLTVRYELSLFPDFINLFFSHETPYKAFYPLVNSDVDKTDYTGIVIYVGEVYNNTSGSKKLEDSFFIKIYDENIRPYFDKRMVSSEALKKWGMLEYSNDVLYNNKNRVGHRPLKLVAKSIYGKNNTDIILDEYSINKLFSNSNNIKLLQDGKLVVIK

>BB0398

MNLLVKIAKFILILFLFTSCNQKQSEIQNLTHLLKSSNKNRLDKFLIIDRVVNIYIANKNYEDALEIVNNGIIDDESREYYPLYLYLMGNIYDSMGEDFVAFNIYKRVVDNFDDYVYENHSMKTRVAKKIVNLNIDSIDKINYYKFILNMGIDNLNNEEKGNYFYNLALSLEDVQDYDESYFYYKKFLSIPRAHLKIDSRDYFNVVTKINYFNNPEFVVYRNLGDLIQDVKNFVLSGNTSKLLNIRDKNNFFIQSWDQKGGKSNSINTNSFLTTMIRLGGRRKNGIQFAKHLEADSSDDISYLESRGWDHIHEWYFVFKRIVYPKDPEINNGWTWIGVYLGKK

>BB0399

MKKEFIMLLLLLQTIMNLNSINTNTSTSIVKELQKNLYIFNSKEYQKDKDTLNEFINSININDKEILQSLEKIKNELFIISVFFNNKKGILIALNLGAEINFKYKISPISISIINNEFEITKILIDYGISLNQIDDTGYSPIFWAIYTNNEKIFEFLKESGADLSFTLKNRKTPMQAAIETENIKLIKSLEKKKIYIDDNFKKKLKKLKNKEIVRILVK

>BB0400

MLVGVFGGSLYKYPDSVDTDLNSRLPNILTLEEHDKQFFTKDFYKNLISSSKEIGFKLHKVLVDYLNPQSEEVDRVLKYNQVINIYWSFLRSIAKNISKLTMEQKILFRFAALIPNALGSEIQLLISKTIWDNHYNESFIYFDEWLYGVNNFKLSRLATDLPTDNFKEEDMEKVLLNKKEKLLANIDFAKSSLKRTDKIRKEALSKLRSMFEFLFSNNSQSDLTYMTEYGVQSSYPNSILKPLNFASNYVDDLIKSNRDINVFINKIEDTNRELFEIQNKMNNIGMSTESTIAHDEVEVIRSANKLAIGPRGNHFPILLKNNVVANPQFFGSRERIMQLVWEIEDIQPRLFQKAYRGDLLRVVPYFILIPSYGDKGICWESIDVKNRANGRGKILIPMYAKNLRKAVILGIGDFVWELAKEQASFRWMETGITGQYYDYYVKFIKKGNVKKFFLEDYFLWIEKESKGIQKLEKLVRGIMWRNLPFSKNLKETLAKKSFIYKDLIDKDKNIQASDGY

>BB0401

MNIKINFFFTLPIGIFLGLFFPLGIYSSLSHAFIRLSYLSLIPFLIFSIPLGIENIIENKNFKKLFGKTIYYGILTNLSGVAVSIIAATIYLPQRIPILEKTIQNTCFFEKEALLETFFPKNIFKIFTSSNPNLLSIYMISIIIGTSFYYAKQKGRIARELMLSASNLFYHANGFIVNILNIGIIFITANYAANLKNFKDYPNYTNSITFFLAWTIIILFVILPTISYRLTKSFKMIYKGIFVSFQNIIFSGLAKDSYSPYVILIEDIKNERINIKKSIIINIPLINFVSKFGTIFVSVISFFIILKSYSSLPISIYEISYMSTLSFVFVFAFPHIPNSLIYIITMLCSTYTKGIELNVSNITPMLPILISLALLIDFAFNIAIIHIINFKELKDQEKIN

>BB0402

MSDFIASKEDDYSKWYLDIVQKAKLADYSPVKGCMVIMPYGYSIWSKIQSILDKKFKETGHENAYFPMLIPYSFLEREKDHIDGFSPEFAIIKDAGGESLAEPLVLRPTSETIIWNMYSKWIKSYRDLPLKINQWANVVRWEKRTRPFLRTTEFLWQEGHTAHATEEEALEETLLILDVYKRFIEDYLAIPVFCGKKSEKEKFAGAVSTYSIEALMQDKKALQAATSHYLGLNFAKAFDVKFQDKDGKMRHVFASSWGVSTRLIGALIMVHSDEKGLVLPPRIAPIEIIVIPIFKKEDEINKKILDYSDCVVDALKKAEFRVEIDKDVRSSPGFRFSSAEFKGIPIRLEVGINDVLLNSVTISRRDKDRKFKYQISLDSLISKVKVELDLMQKDLFQRALNFRILNTKEIFRSSKDSYETFKAYVNDYSGFVLSCWCGSLNCENIIKNETKATIRCIPDDFKARDLTGMTCIYCSSKAKYFVLFAKSY

>BB0403

MIKLYIVFFYFFSFLLGFPENIFFKNLGFSNNDRYFMFGEYGFENGYYYSAAYFVDVVKNNFANSGVHSKTFKEHIGYSDSYDKSLYELLKMINFKVKEFKINHLRRGREIYFYVKSEIPETDFLNFVDFKTGNEYQVFVNKDINSQELSSSFNIFLSVRYCNSTLEKHLTVGRGNYYRKNVIDYRIREIVLFPNEDGIVFVLEKIMLNSYGNRYKRFMVEVKKY

>BB0404

MKKRINGLKLASKSLRQIKFFCHSFIIKHCKKTYLLQIHKFIFFSKAKKSKQKYLPKNPLQTNKININIQSSSIIIAVFVIKNFLITKTLINKAIKNSTIKFCYQNKQININIFNFLCFIKNIVKIISKIENKKGEFQ

>BB0405

MRMLLATIILILTTGLLAAQSKSKSMTEDDFDFDKLLAKEESVRRLFGIGFGVGYPLANITISVPYVDIDLGYGGFVGLKPNNFLPYVVMGVDLLFKDEIHKNTMISGGIGIGADWSKGSPEKSNEKLEEEEENEAQQVASLQNRIGVVIRLPLVIEYSFLKNIVIGFKAVATIGTTMLLGSPMSFEGARFNFLGTGFIKIYI

>BB0406

MIKIFKKIYILTLVLGMAHLSFASDNYMVRCSKEEDSTTCIAKLKEIKEKKNYDLFSMGIGIGDPIANIMITIPYINIDFGYGGFIGLKSNNFENYLNGGIDVIFKKQIGQYMKIGGGIGIGADWSKTSLIPPNEEEETDYERIGAVIRIPFIMEYNFAKNLSIGFKIYPAVGPTILLTKPSILFEGIKFNFFGFGFIKFAFN

>BB0407

MNNEDNIFLMKNNIKEYDWGGINFIPNLLGDKIDGKPKAEMWLGAHKTFSSKILYKNEYVLLSDFLEDHKELLGCNDEFPFLLKVLSANKPLSIQIHPSKDIALKGYESENNKGIDINDPKRTYKDKNPKIELIYALSDFYALKGFLPLDEIKKIYEILELNFDFQSHKDFVKTIFDLQMYELEKIIEKILKNLDLIDNFRGYWFNEIYNIYGIDVGLLVFLGMNILKLKPGEVVYTNSQEVHAYLKGDCIELMTNSDNVIRAGLTTKYIDKDEMLRVGQFEEGKLSFLNPDFQDNFSVFRLPNTNLKLIQKKINENICINRNSAMVLLVLNGCVSINKSLNLKKGESIFIGKKAENLFIDGDGEAFIAGFN

>BB0408

MFFNFLKKDLVFVLPEVNSKEDVIDFLIEKINDKGYIDNKKEFLQGILDREKIGDTSWENGVAIPHFIGDVVKTSFISLLYIKGSGVKWSEENPPVNLIFLICMSKKQQGNEHLKAIAFIAKLFEDDAFQNALRGFVTTDDIYYYIENVQRKAKEEVFGATKAEKIVAVTACPVGVAHTYIAAKKIENEAKKQGYSIRVETQGSIGIENALTEEEIKNASVVILAVDKDIDEKRFEGKRVYKVSTVKAINNTENIIKESFNAPVFKSKDSGTNSDTKASVATGKGSFYKYLMSGVSPMIPVVASGGILIALSIAFVGIGPDGPNFAEHPFYKQIADIGSIAFGMMLPVLAGFIAMAIADKPGLTPGLVGGVMSGNVKAGFLGAIFAGFLAGYVARFLARRSVPEWLRPVMPIFVIPLISTIIVGFFMLYFGVYIGKFMGVLESGLKSLQSNSETFGVLGKIFLGLVLGSMITVDMGGPFNKVAFLFGVGLIPQVPEIMGMVAAAIPVPPMAMGLATFLAPKLFENEEKESGKIAFLISFIGISEGAIPFAASDPGRVIPSIVVGGAVSSIIAAFLGVANHAPHGGPIVLPVIDNKFGFIIAIAVGVAVATALVIFLKSLKLKESE

>BB0409

MKKTPNTCIFLTLLIISNLNALANEEGNTNEKNDQPKQISNFFSPERGFIYSTGIGIGVGFFLNSNIKHLIFRPYYTFSNNTFDFLIVAMILTRESLNIPKKMQYFKSYIGGGINWHIANLIKKTKYFSATIGIGGRFYLSTNFIEDIRFYEKLPYVIEPYMFIEISSKKAIPLMGLDFKIDFLFLDTFNISFNFTIRYNFKDKNEMET

>BB0410

MKKRSKFFLYCYILCLTGFLFFSLNPKALKQIKHKFMTI

>BB0411

MVELALTLLKSKKIKRSTKFFEDTNIKGAFPKLEDYFKSGYDRGHIVSSADMSFSENAMKDTYFLSNMSPQKSEFNSGIWLKLEKLVREWAISKGYIYIISAGILTENKGFIGKNKILIPKNFYKIVLAINNNNYYDIISFIIPNEKAKDLDLENYVVSVDLIEKKTKIDFFEKLDSKIKKNIKKIKNTHSWKFK

>BB0412

MKSIFAKLNASINLFLFIIFILATIVILTFSYKIKYNENYQNYILEIYNNNFIILVNKLTIFIAGIIGSLWSYINYKRTNNIQFIFFYCFISSYTLDPILISEDFFLKNNLNSSYYLFTKFILFVNTFSLLNLFFLSLYICDFKIKSIHYTIYIILIFACIYSYTMPINSYENSQNHGILKIENTKFYIDAFLLLILTNFIVAFLRKKSFDYFFLFVSMLLILSGIYLNLLKMPYAFLPISIGIPIYLKKSGKIFFYWL

>BB0413

MMFDEFKRTILREDIKYEIFRKFFHIFSLIVLVFYRINFWIGLFSNILFMILYLSSEIFRITEKKILFFKNISNIILKSRKILPNRVSFSPVFLFLGILISYCLSMHPFNYIGIFSVCLGDGFASLIGKLIPSFKLVNGKTISGSLVVFCVTFFSYYYFFPYLTVALILGILAVLVELFDAANYDNLFLPLVVSASSYFLTSFFYSQ

>BB0414

MLEIEDKLFLKFCDFIYNNSGIRFDEKNKFVLQSRVNDAVRALALENPSQLYNLIISEKLKKEYFLDLVTTNLTRFFRNSLHFQTFEKFVIPNLINIKNIEKKNRIIIWSAGCSTGEEPYSLAFVLKSKLPKEIDFVIIASDLSLKSLMIAKEGYYSSNKCENIPKEYRHYIYSHSNGYKIKNEIKNHIRFDYHNLNFESNFSEIDVVFCRNVLIYFDEKSKIKVLKKFYNNMSKNSYLFIGHSESLFGLNLPFKFLKTPWAIIYEKKDTGCQKEKFKSQNKYKL

>BB0415

METKISVLIIEYFAVKRKLISDLINSSPKLQVIATASNSKFATNKLKKHKPEVILMNLEENNIKDILFLEEKNSLNKTIPIVVTSSNQNLINIAASKGADDLILVSKNKKSHEIKKEQIINSLLAYGSISIKNKIACNKDMKTKNYERANFILNHKNDISSLNQLEEHAKEKTLNEKEIKKLKLRKFDIIAIGVSAGGPVALKSILPEIPESFPPIIIVQHMPKGFTEEFAKNLNNLCKISVKETTNNEILKQGYAYISSGGYHTKIKKIDGNYQIKTLDGKHINGHKPSIGVLFQSIAEIAKDKAIAIIMTGMGNDGSREIGDIKKAGGLTIAQDKESSMVFGMPKIAIKENNIDYIVPLSHMVKLLKAILINS

>BB0416

MDNKKENTETEDCFSHVSKFNIHNKTIYILGTAHVSKKSSEDTANLIEILKPDYIAVELDEARYHSILNTNENEKWRNLDIDKALKQGKAFFLIINIILSNFQKKLAKEQGIKPGEEMKTAILKAKKHNIPLILADRKIETTLKRAWISIPIFEKAKIISSLFSLTDAKITKDEIEKLKEQDALSKIMEELSKEIPKVKKVLIDERDEFITNKILEGEGIILAIVGAGHVSGIMRTLKEISQNKKIINVEELEKIPKKHFSFSKVLSYLIAISIILLIVSSFYFKGFDFAYKNLKLWIISNSIFSGIASILLKSHPLTILTAIIGSPIFSLIPFIGTGMVAGLVEAYINKPKVKDFENLQEELSTIKGYFKNKVTRILLIVIFVNLGSTIGTIVGLKFLLNVFK

>BB0417

MGLVFLGPPGSGKGTISKIISNEFKYQHISTGDLFRENILNSTALGQEIKKIVERGELVPDLITIKIVEDKIKAIKKNKDFILDGFPRNICQAEALDKFLPNVKIINFLIDEELVIKRLSGRRICKSCNNIFNIYTLTTKKNGICDVCGGDLYQREDDKEECLKTRLKEYKLQTKPLIEFYSKCSRLNNVDASVKIDEIKKKIIKIMLKKN

>BB0418

MLIKKICFCLLLLQAKIILSQDQQNLEFNNEYFYFNFQSAYYPPHELGTNGSGFSQSFKHPNFQNIDPSLKIPVNYWGGIKLISYLGYYKNFKALNNPNSIFFKNNGIDIDLNIGLSPVIVSFKSTVSFTPIAFLNLYASNELGIGWQAFGFKGVGVHIENGKYSNAVEFYSEITAGGRFQFDLNAIFQGEWTHIITVIGNDFTYLINPHAKKDQLWKYKADDGKNINGMLIKPYALLAYKMPIPLNTIGLLYEGKTQIGKERNISSWKNKGWGSDIFYHNISIVANFEIIKPLTLGLQFKLSTNPTYTSNTAGLADISKRIATGNSYFYYDSIGMSITYKY

>BB0419

MEMIIKDKAFEAENQKLLIVDDSPHNLDLLVNILQGAYEIEVATNGLDALKQVEKDSPDLILLDIGLPDINGYEVCRKLKSDPDTKEIPVIFISSRSSTDAQLEGFNVGGVDYILKPFNSRIIDARVKTHLELKRLRDYFKSLSRIDGLTQIPNRRFFMDKFSKSWMKALESKEIIIVGMLDIDNFKNYNDNYGHTNGDECLKLIAKALYKVSLKYKIDVARYGGEEFIFFSVNKSLNEMVSIIKTMINDIKRLRIVHEHSSVSGIVTVSIGLAQEVPIDNNFTNIIRLADRKLYEAKVSGRNQFRY

>BB0420

MKKANFLSTNFLILLLVCFVNVNLFSKDIFKFKLVDQFFPFYYKNNKGEYEGLIFSILDKWAKDNNADIMVEHIDNLNESEIEDEAIYLGLTYNVKLNDFFYFKSELARSISILFFKNSNKKYKNTHSTFLSNFNIGVIKNTIYEDILRLKNVNTIFLADNSQELVLALKNDKVDYIYGDCKTLHYIANNFLSEDLVIFTGDVFYSIKNRVAISRNAPEIVKNLNLDLFSYLMKMPEELVFSFLDSNAKGSFVDVGLYNDYPPLSFINSQGKLSGILVDLWNLLSRQHIFKPIFKGFSKEDIKKSLDGKSVGIFGGIISNDSVLENVNYVVSKPIYPLNFKFYSKDLSNDAGPINSQFIDFNFNNIQLNKNKDIVNNFIDIVNNSYGFIENSITTKYLLKLNGYNGRLKSYDSIFNKNRFLVLAIDNRIYKVIKYILNSIFDDISFESLLQIDKNWLDKEEINSSRINSYKIMNKVKFNIEEKIWLSKNNKLNLAVKNWYPIDYVEANNYKGINQFLLDKIRMFSGLRFNIIKVHSSLDLKKLIKSGKIDMLNTNATDSNLDNVFNIKLNSRIPLYIFSNKKRVLPSRSLEKFAILDFLYSKNLASNIKSKLILVSSFNEALLLLYKGKVDGIISDEYTAAAVFEELNIDDVEKIPTFRDLAFDLSLAIYNQDYILKEIIQKVVMRSNVDSQMYLNDWKFDIYYKSRSIRFKNFKFLVITFIIFYFTFLGFVIIFMFRLSFEQKRRYSFVMNEKKIAEAANAAKTIFIANVSHDIRTPINGIMAATELLDTTILTDVQKDYVRMINYSSDSLLSLIDDILYLSKIDVNELYVESQEIDLESEMEMVLKAFQSQCAKKNIDLFSYSKSIFNNYIKGDIVKIKQVLINLIGNAFKFTDDGVIVLNYEEVCRTRTDGNRVLVTVEFKVIDTGKGIEKENFSKIFEIFKQEDDSSSRVHEGAGLGLSISRELIRLMGGLGIAVDSKVGEGTTFSFMLPFLLGSELKSKKLSINRFQSVNGDNKVLNVLLSQKSIKIFEHCSILLGCSSNVRYVASFEDAYKVFKKYPSYNFVYINVNNDNIQEGIRLANNIERLNSDVQIIFLFYYLDNKALKNLKYGYVKKPLMGLGICSILYKKEFNPEMDFEDLVPIDSALRIKEPINVLIAEDNQVNQKVLKDILVVIGINENFIDVVDDGVKALKSLKDKKYTISFIDIRMPRYDGFSVAKEIRKFEKAKNLKPCVLVAVTAHALQEYKDKCLASGMNDYISKPIHISSIKTILKKYLQFEVDDIGENENLNQLVKFPNLDVNRALKELNLSYVSYSELCRGLVDFISINIIDLEKAFDEEDLSLIKDISHSISGALSNMRSELYKDFQKIETSKDSISELKKMYSFVKDDLFQLISDIKENILFESEIVSENKLYFKNNDQFLNLLNKLLIGIKTRKPREYKEILESINKYVLDDNIQVLFSDLRRNLRLYRFAESSKILEEIIEMLNNKRY

>BB0421

MNSNYKRYKMLVFDLDGTLLNNNHEIAFLTLEVLLALKEDFKIIIATGRRLSEVKNIRSQLKEISINENYLVTANGAEVFLQENLIFRYAMNYDLAKEILKINTDNVDVNLYTFDTWYSNADVKSPIMKHFIKDLGLNVIIGDLTKLNVDSVSKIVYYCDDLAILNKLDTEIKSKDFQDTRVFFSSKDLLEVTNINANKYNAIKNIAFLESIPLCDVLAFGDNNNDYEMLKNLGKGVLMKNANEFLKINLAKNEITRFSNNEDGVARFLIDFFKLNIKY

>BB0422

MDRYFFLQDATTVAKLLLGNLLIRKIDKEEIVTRIVETEAYMGITDSACHSYGGKITNRTSAMYRIGGYSYVYIIYGMHYMFNVVTADKNNPQAVLIRSVEPISPLLGEKSILTNGPGKLTKFLNIDLTFNKVDLIGNNELFLQRGLNLDFNIVCSKRININYAQESDINKLWRFYIKDNKFVSRR

>BB0423

MMSERRTSIVASLNPYYRCQYLVVGIRIRLPVISWRKAKIALNRYRSYVLGYKFATITQKSQAKYHKADFSLDLPDTQWHEVVIVSNRVYLNIEIE

>BB0424

MHFSETTSGFIESLLLLLDIFLNINRSQLNPEILTSCVSHSNNYFNKVT

>BB0425

MEDERREELSKVKSQKNKQNLLIFLNKKIK

>BB0426

MIGVFMKIYLASPFFKEEEIKLRDEVLKFLEEFNLEVFSPEHHAVKKMGLLEKVDYKFANRDIREKIREVDLKELVSSDIVLALVNYVDSGTAYERGFAFAKKIPSIDFFKDKQDSDFYNLMYSDCAAAFSNYKDLREGILTFKELWIKFKGDNENFRTFFDYLKAKLGNKLKKIFTTLPANEKCGC

>BB0427

MAYVLFLYLVSKRFWIFIIKKNVFNIFYLFLVLEELKGPVLYIVGTPIGNLEDITYRAIDVLKSVNVIFAEDTRVTSKLLSRYKINKKMISCNAVTENKKISLLLDYLAKGNSVAFVSDAGTPGLSDPGSLLVAAAFREGYKVCPIPGVSSFNTIVSVNPFRDKSVFFEGFLPNKGLKRFKRIAELYKRGDAFVLLESGHRILKLLVEISSVSLDAKVLIGREMTKIYEEYQIGKPLELKKYFESSKDKVKGEFTILVSRSRS

>BB0428

MFALIRKIFMIYFLCITLAGFAMIFIDSKFTEQPNVKENQSKINQHTIEPNLIMFTSSIGGFLGVYVGIWIFNYDKSNFYLNWGNLIILIYNIALIITVYSKSHS

>BB0429

MISGLNPTLRLFKDHKILYSNMERGLKPLLEVDNFINKYIQNKEGLEIYDKVVGKAAAVIIYNIGLQNVQAGVVSQPAKDFLESRGIKVAYKKLVEKINDRAESLIESLENPEEVYKYMIKRGIIVNNL

>BB0430

MMFVPKNNSNSKIEIKKSIFVSYIFNIEKKDDINKTIKKYKIKFKNATHVVYGFRIGNKNSFLNGMSDDREPNLTAGKPTLDAIIHNNLTDTLIITLRYFGGTLLGRGGLIKAYYKSAKEVINNTSIMEKEELEILSLNLTYNQYNSLLKMKNKLEIEIIDSNFSNKINTSIKFKTKNKQKISEFFIENGLIQEILKFNKE

>BB0431

MKIISVINQKGGVGKTTSAINISYSMTLLNKKILLIDIDSQGNSTSGTNTSKHIAEKSSYELINKKIKVKPLNHFGLDIIPSSIKLALLEKELINELSRENFLKNALTLYEKDKYDFIIIDCPPTLSILTINALIASNYLLIPIETEFFAFEGINQLIDTITTVKQINKNLEIAGVFINKYDIRNKSKEKYVSSLKKVFKEKLLNTKIRKNITISKSQEAKMPVYEYDKESNAAKDFLELSKEIINKIKE

>BB0432

MSDNLETLMFLMGKKLETSSNNSENTEKKEIISIERKNFDYNKLDKDISDFLKKKQYEIFNIFNNTYTKIGKILKDAQDKLKGNNQYNGLFYQWFKSMGFKKDKVYALISRYNLLVENSDKQLTIEKLPLSLSYEISKKSCPPILKTEVLNGKINSLKEFKIVYKKSFDLKDTRKPLLKKNEKYENDIKEVLDFILKNIKEFKNIEFNKLRQENLKLFFNSILEIKKKIKYIKNNSI

>BB0433

MHKFFKLILKLFSFYKEILGFKRRAKFIFCYL

>BB0434

MDGVFKMIDIHLLDIDNDQPRKSVSLVELEELSISIKENGILQPLIVCKANDRYKIIVGERRFRAAKLIQLTNIPVIEVDIKESCKDFMPLVENIQRENFTPVEEAYAYKNIMNKYSLTQKDLSEKIGKSRTYISNLVRILDLEQEILNAIHRKEISFGHAKVILSLKDRQDRYNLYLIILKKKFSVRDAEKYVKNFSKSIVKKRELEQDPFLNNIKEFLFDKIQTKIDIKGNQNKGKIEIEYFTAGDLKRIVSLFGHSS

>BB0435

MAVGENKEQILNVRIEDEIKTSYLNYAMSVIVSRALPDVRDGLKPVHRRILYSMYEMGLRSDKAFKKAGRIVGDVLGKYHPHGDQSIYDALVRLAQDFSLRYPVIRGQGNFGSIDGDPPAAMRYTEAKMEKITEYIVKDIDKETVNFKSNYDDSLSEPEIMPSSFPFLLVNGSSGIAVGMATNMAPHNLREICDAIVYMLDNENASIFDLLKIVKGPDFPTFGEIVYNDNLIKAYKTGKGSVVIRARYHIEERAEDRNAIIVTEIPYTVNKSALLMKVALLAKEEKLEGLLDIRDESDREGIRIVLEVKRGFDPHVIMNLLYEYTEFKKHFSINNLALVNGIPKQLNLEELLFEFIEHRKNIIERRIEFDLRKAKEKAHVLEGLNIALNNIDEVIKIIKSSKLAKDARERLVSNFGLSEIQANSVLDMRLQKLTALEIFKLEEELNILLSLIKDYEDILLNPVRIINIIREETINLGLKFGDERRTKIIYDEEVLKTSMSDLMQKENIVVMLTKKGFLKRLSQNEYKLQGTGGKGLSSFDLNDGDEIVIALCVNTHDYLFMISNEGKLYLINAYEIKDSSRASKGQNISELINLGDQEEILTIKNSKDLTDDAYLLLTTASGKIARFESTDFKAVKSRGVIVIKLNDKDFVTSAEIVFKDEKVICLSKKGSAFIFNSRDVRLTNRGTQGVCGMKLKEGDLFVKVLSVKENPYLLIVSENGYGKRLNMSKISELKRGATGYTSYKKSDKKAGSVVDAIAVSEDDEILLVSKRSKALRTVAGKVSEQGKDARGIQVLFLDNDSLVSVSKFIK

>BB0436

MNGRFMNYVASNIQVLKGLEAVRKRPGMYIGSVSINGLHHLVYEVVDNSIDEALAGFCDRIDVIINLDNTITVIDNGRGIPTDIHEEEGISALELVLTKLHSGGKFNKGTYKVSGGLHGVGISVVNALSSFLEVYVNRDGKIFRQTFSKGIPTSKVEVVGESSVTGTKVTFLADSEIFETLDYNFDVLEKRLKELAFLNDKIYISIEDKRIGKEKSSKFYFEGGIKSFVDYLTNDSKAFQSEPYYIDGFINDVIVNVGLKWTESYSDNILSFVNNINTREGGTHVMGFRSGLTKAMNEAFKNSKISKKDIPNLTGDDFKEGLTAVISVKVPEPQFEGQTKSKLGNSEIRKIVEVVVYEHLLEIINLNPLEIDTILGKAIKAARAREAARKARESERKKNAFESLALPGKLADCTSKNPLEREIYIVEGDSAGGSAKMGRNRFFQAILPLWGKMLNVEKTREDKVITNDKLIPIIASLGAGVGKTFDITKLRYHKIIIMADADVDGSHIRTLLLAFFFRYMRDLIENGYIYIAMPPLYKIKYDNRIYYFYEEKEKEKFLDSIETKNRNSISLQRYKGLGEMNPTQLWETTMDPARRKMRLMNIDDAIEAEKIFVTLMGDLVEPRKEFIEQNALNVINLDV

>BB0437

MEKSKNIWSLILTEIKKELSEEEFYVWFENLCFLESIGDNIKISTPNLFHKNQIEKRFTKKIKEILIKNGYNNIVIVFTNQPPKTHSNKQETKNPALNETFSKFDKLKEKTTSKEAIQNIQDRIKMYIKKEEEEPTNFKNPFLKKRYTFENFIIGPNNKLAYNASLSISKNPGKKYNPCLIYGGVGLGKTHLLQSIGNKTEELHHNLKILYVTAENFLNEFVESIKTHETKKFKKKYRYLDMLLIDDIHDLQKKEGIQEELFHTFNALYEDNKQLVFTCDRSPSELTNFTDRLKSRFTRGLNVDISKPNFELRAAIVEKKAEEDGINVPKNILNLVAQKVTTNVRDLEAAVTKLKAYIDLDNIEIDIEIVEKIIKEIIIYEKETTNEPNNKINIENIKKILLRELKITHKDIEGHSKKPEITKARHIYAYLLRNFTELSTVEIGKIIGGKTHSTVLYSINKIDRDRNNDKEINNLITELMNKIKKN

>BB0438

MLHNTFFICETNQIMNEIEKAKGIILNRNMNDIWSALLIEVKKSNLIIKSTDRNIFFESTISIVSETDFKVLINASNFYDAVKAFSFYKKIKIVFNENNSKLEIMGELNDEKEEYEDHLKEPTFSYEEIENYNYDMVNEDYTFGIEIKQKSFKKVINRIAFSAHLDESKNVLNGVYFSKDEDSKLLLVSTNGHRMSICKTEVIVEEDVNFIVPVKIFNFLKHLMSGEGMVKIKFSDKKFYVEFDNYKIACSLINGNYPDYKSIIPKEQKNKSLVSLGILKDRLARVNLYVDKSRKLVLTFSELQLKLLGEDLITGRKGEFFIKDPNYLYDGADEVMAINISYFVEAISVFETSKIEIQFNSGNVLKLSEPENFNFTHLIMPMSLG

>BB0439

MNDSAFKKIGNVLKDYLESNLLVNKKISSKLLIADKWNQIFEALSDDVKFLDFKNEQILFLEVSNSSILCSIAINKSKIINSVKELTGIKIIDIKVLVR

>BB0440

MKRTYQPSRVKRNRKFGFRARMKTKGGRLILSRRRAKGRMKLTVSDEKKKY

>BB0441

MRKRNISLKSKIEIQKIFKEGKLIRFSNLNLKMFYKSNHLVYSRILVTFSKGFRGSVKRNRIRRLFKEAFRKRLELLEGIALDIIFVVSYGKLTLTYFSIESLMKGLVLRCERGIGESK

>BB0442

MNQSRRILRTVYLSLFLIGLFMLINDIFSSNILSSKSSDKEVQFDLNKSFDDNEMSSVKSNSFNLINKSQDIIVETGIYVATFSTFKGNLVSLKLKNHLNLEKNPTDLINIDRKNETFFDISFDYFVDDLFLYKKIDDFNHEFKAYFKNNGKTYEYVKKYTFSKKDEYLMQFKVTVNGLEDYNLFDFDSYKIIFSSEIERLSDKAKLQYNNYLSQIIYYDNKLKYGKDGLRINNPRWIGSSTKYFGVLVSKENMEVEFKKERGTLKSFIINNVRNKKNISDEFFIYAGPKDNRYLDVFDKRDDNTFGLFDIFFGMSVEKSFWYLIQVPMQMVMQVFYDVIPNWGLSIIFLTIVVRILIFPLTFKGFRATAELSKLQPKMKELQAKFKHDPKKLNEEMGRLYKEEGVNPLGGCLPVILQLPIFFALYSLVNNLFLLRGASFIPGWIDDLSIGDSVYHFGYKLYFVSWTDIRILPFIMMFTQLGSTIVSSNMDLKNLGAQQKFLYFGMPIMFFFILYNMPSGLLIYWITTNIFTILQQYYIKMHLS

>BB0443

MSYEFYGKTEQEAIKKAMRDLELKEGEFDVEILDKERVGFLFKKEMIKIRVSPHAKEVKKDDFEIKIGDEICDKILEFVKEMLIKMGYSVHLTIEPKEGGYVKISIETDSPNILIGREGKNLDSLQLLTNVYASKLIGENGAFNRVILDIGDYRERFKSRFINLAINSFHKVKRTRRSILLPSMNPFERRIVHTTLNRYSDIKTESEGDGNIKRIRVSYVRNNRYGINNSRGYQKRDIGFKK

>BB0444

MKIFLTGIAGFIGFHVAKKLVEKGHEVLGIDVLNDYYELKFKHERLEALGFCSKDVKTHKIIKSEKYNNLSFAYLDILNKDKLLELFKDHKFTHVCHLAAQAGIRDSLENPDSYVSINIVGFFNVLDVCRVYKENIEHFVYASTSSVYGINENMPSSEDSITDHPLNLYAASKKSNEMMAHAYSASFNIPTTGLRFFTVYGTYGRPDMALYLFSDGIKNGKAINIFNNGNMARDFTYVGDIADGVYKVLKNPAKSDCNFDVKNPNSSTSSFPYRIYNIGTGHATKLLDFISELEANFDKKALKNYMPMQKADVVESCCDILKLKNDVGYEAKVSIKEGIKEFSQWYKMLESTKKT

>BB0445

MGVLDKIKPGVVYGKELHFLYEICKKEGFAIPSINCIGTNSINAVLEAAKEINSPIMIQFSNSGSAFISGKGLKMEKPQGVSIVGAISGAMHVHLMAEHYGVPVVLHTDHCAKNLLPWVEGLLEYGEKYYSQHKKPLFSSHMLDLSEEPIKENIEISKKFLERMAKIEMFLEIELGITGGEEDGVDNSDRALHELFSTPEDIYYGYSELLKVSPNFQIAAAFGNVHGVYKPGNVKLTPKVLKDGQDYVISKTGVNMAKPVSYVFHGGSGSTIDEINEALSYGVVKMNIDTDTQWAAWEGVLNYYKKNESRLQGQLGDGKDIDIPNKKFYDPRVWLREAEVSMKDRVKIACKNLNNINRN

>BB0446

MFKVIKCNELNEKLIDKKVEINAWVKKIRHHGKFIFLNIRDRYEKAQVLVNEEKLLKIAEKIKLEYCIKIQGLLIKRPPNMINANMKTGHFEILAKNIEIISKCNELPFMIEDDNNASENSKLEYRYLDLRRDSLKNKIILRCQATHLIRNFLIKRKFLELETPTFVKSTPEGARDFVIPSRIHKGSFYALPQSPQLYKQLIMIAGFDKYFQIARCYRDEDSRGDRQPEFTQLDLEMSFVKKENIFKLIENMLFLIFKNCININLPKKFKKITYKKAMNKYGSDKPDTRFELELQDISRNLKNSEFNIFKDTLKNKGSIKILIVKDKADKFSRAKINNLEEIAKLYKTQGLYFTKIENNKFSGGIAKFLKTEEQELIKTYSLENNDIIFFTANNNWETACKAMGQIRIKIANDLGLIDENKFEFLWVYDFPLFEYDENTKTYSPAHHMFSLPKKQYIANLEKNPKKTIGEIYDLVLNGVELGSGSIRIHNKELQQRIFKIIGFQKEKSEDRFGFFLKALEYGAPNHGGIAIGIDRLIMLMTKSTSIKDVILFPKNSFAASPLDNSPSKISNEQLKELGINIVDGDN

>BB0447

MNKKIFYITILLHLPNLLFSYSTKYDIEVKMSAFVMSLAIIVISSISIGNLVAKIGIPKVIGQITAGIILSPNAFGKIQIPLLFPLGITQIGENYLINEKIFAISTIASIILLFTAGLETDLKLFIKFLPRGGIIGITEVVGTFTSFVLMASIIFNVPLISPTSLFIGIIGTPTSAGIAASILSAKKKMSTSEGVTIISTSIIDDVLSMLMLTSVITISRSISDLDIASSIKAIVQNIVIWLCLTFSLIYISETLSRLLKKLNSVTLATVITLSLALTIASIFQNLGMSFVVGAYVFGLAMSKTDIVYVIQDKLTIFERFFIPIFFTSIGLMSDINEILSKEVLILGLAISAIAIITKSIFCFIPALFLGFNKLGALKIATGMVPRGEVSLIMANVALSSGFISQKIFGIIIIMVFLPTIIATPIINFLFKINKSGLKKELPIDQNTHICVSFEYDNLAKILIWDFKNELRKEGFFTQQIKNDSSQYINARKNNISFSIKREGSKITFECPNNHLIIIQDLFRETILNLEKITKEVETVSLRAKKLDYSINYDKILSNINLNKRIKKENIILELKSSNKADVIRELLSVINIEIDKERIFQDLMEREKLITTALKEGFAIPHLKTNLISKIHIAIGISHEGIDFNALDKNLSHVFILILCPAKDYVSYPRILASVVGKVDLYKKEILNAKTDKEIYNIIVS

>BB0448

MQEVEIEIINKDGIHSRSANIIAEFANKHSSCDIKITTKDGRKADAKSTIEIIILGIIYKEKIKITVVGKKEKLAIKNLLNLLKYNFSKEL

>BB0449

MEPKIQTVNYSLNENEKNFILKKLEKFDTHIKKHIDNLKITIKKEHELFKLDAHIHFNWGKIIHIREDGKILLNLIDSAIARLYKTATKEKEKKNNK

>BB0450

MIKQKLKISQNLNSIQIQTIKILSLNQKELTKLILEESENNECLEINSNKIFFETLKTYRFKKVFYKEDDMIKNQHDIALEKTQTNTSLKEHLLLQLRIQRINEDEIKIGEILINNLNSKGFHIINPYDLFKKEEKEKVKKIIELIQKFDPIGICVPNIIESLILQAKHHKLETNIIKILEKAELLEKTQKKLKEELKIRSKEFNTALEIIRQKLNPNPTLEFKDPNDTNFYVDPDILIINHNNKFKIKIKEVNIFKKELKRTSENPQKQKKAKWLIESLRYRDEILAKIGIAIYTLQKEFLRRGFKSLRPMNLSILSEKISVSKSTISRAIKNKYLKCEWGTILIKELFSSVGGAKTNEFSKLSIKITVKKLLEANKKMSDKEISVILKSKGISISRRTVNKYRNELKSEKGRTYYGT

>BB0451

MILINLFITFLKIGLLNFGGGNGIAAIINNEIINNKHWITKEEFVNMITISRITPGPIATNIATYVGMKTAGIAGAIIATVALITAPIIIMIIILLILHKIGFLNYCLENLKPIIVALWIITIIILLENTYLKIENNKTELLKTLAIVGINFFILFFYNKISPALVIILSGFFYTLI

>BB0452

MTQYFKDTIKHIFITAAQQQNEHYNNICDKISIQRFLLNLTKQMYKKKQKKIYEILDLFLLVFKTTTLTIGGGLIIISELKKIFVKKRKIISEDDFNKILATSNVIPGVTAINFVFLVGRKFGGFPCALLLVVAGILPSIIAIIMVFLYLKLVPDSIHVKKFLEGAKISSIIIMITVVLKFSKKMLNDSIIKWTICFLVIFAIFKLKIKISYILLIFFLVYTFKYITIKKILTK

>BB0453

MFKEFFIFQDYFNYIIEGVVGYGLKVSIAIVLWYFLKLIVSKMGKILFKTLEKSRLEEKLEVTVFNFLKSFFKILTDFVIVLIILPYLGVPTTSIIAVFGSLGLAIGLAAQNILSNFVSGFIVLNSKFFKCGDHIQCGDVEGLVADVQIFFTTLETFNKEIIKIPNSKLTSNFVVNFSSCTRRRVVFSFQVPYDTNIGLLKDKIEDLMIFNNKKFNVELCAPTLIVKKYTPYYIVLQVRFFVNTEVFWDFQYFVGESIQNVLLDMKIKVPICFVPFDKLY

>BB0454

MKVAIFTDTYIPEKNGVATSIKQIKEGFEKNGYEVYIFCPKSKKSLNEKNVYRCSSIQINKKLDAVIAFPNKRKISKIIQSYKPDIIHTHSEFSMGKIGKQIALKHNIPIVHTSHTMWDYYLHYLGIFKYFIKPDKMMRKHYNKIKHFIYPSSKAKERYFQLSNNSSNYKIIPNGVDRKLFIKTLSKEKKDEILKKHNIKQTDKIIIFVGRINKEKNINLLVTHLKDLLMQNNNYKLILIGKGSEEKEIKNFSIKHGLEKQILLIGTIPWEEIYYYYKISDIFASLSKSEVYPMTVIEALTAGIPAILINDYIYKDVIKEGINGFLIKKYENLSRYIDKVIKDDEILKKFKENAKKHSTKFSSYFFTKKIKNYYSEIIARKNH

>BB0455

MQAVYLLLGNEQGLKEAYLKELLIKMDAFKSEVSVTKIFLSELSAVGFAEKLFSNSFFSKKEIFIVYESELLKAGKDLELVCNSILKSNNKTVIFVSNSNTCNIDFKNKLKFIKKVFYEIPDDDKFTFVKRNFFNLNIKITDSAINLMLLMLNSDTKILKFYIDSFALFAKNNTIEEEDIASWISFIRFENTFSLFNSILRKDMTQSLIKIKSILDQGEDLLNILMSLIWQFKRLLKVQIDYNAYGSLQSALNKNKIFFSLNKIYRVGIKNYSIPEIKIVLKILYKFDLYLRIYSKNIHQNLSYFLIFSILKLNNNFLMHYSTESKFNF

>BB0456

MKQKLSWILLFCFLSCRSESRLAENVLIEFFDSIKNFQSSPEIFFNYLNIPSDDDLKAKIRGLKSQAKDDFIFYPLFFNNLRYEIIGRKNISKGFEFEVVIKNINFQNGIEKFLAKLNKIEGRSLNIKNLEKKERKKIFDNLINEVIGELDDFDYTEVVHFFRVVKSSSESYKIELLGDVLNIQSRNKLINDLFLVLSPGI

>BB0457

MKENLTNLFEKVIKLPTTSGCYKMLNENKKILYIGKAKNLRSRVKSYFLEKNSHKIKILMKNVKSIEVITTNSEYEALLLECNLIKTHKPDYNVKLKDGKGYPMVRITHEKYPRIFKTRKIINDKSEYFGPFTNVKKLDQVLDFINKTFKIRKCKKKSNAPCLYYHMGQCLGVCYKENLEKEYQKELDKAKSILNGNISEISSQIDIKLKHAIQKEDFETAIKLKEIRNSLIEINQIQIVTKTNNLNIDYVHVHPGENVNTIIVLKYRNGKLVERDANFDESICKENELILQFLIQYYTSINMIVPDKIHIFLKDIDTKNVEKLINEIKNTKTEIIYKETEEILKIMEMAISNAELSLREYENKSTKALESLKIVLEMDKLPKIIEGFDIAHLKGQETVASMVTFKMGMPFKENYRLYKLNSLLKGEIDDFKAIKEVISRRYSEIINNNLELPNLILIDGGKGQLNAALSILKGLKIENKVKVCSLAKKQETIFLTTNKKGINLPQGHPALRILQNVRDEAHRKANGFNKKRREKITLLYTKIHGIGEKTAQKILKSIGTYKDILPLSENEISEKIKVNVQLAKRIKEFAIKENSIKNNNQDK

>BB0458

MFYVLRYLKIWVITNKRSKMRLILMLLLXFLCFSTLLSQELKLILDSKKNFKFIQDFSNVTFERDMRGLLGIYLDRYKAVLDLNNIDLRLEIGRDNKLKDTSSNYLVSAKSLRVSNEFRNVSNGSLIFYSNQNPVKFKPLTKKAFFFSGNTVSDFTIKFWVYRTTSVTGEIIFSWDGYKKINNSWVDQSIRLESDEGNFVWVLNNVFLKDNKNPIKIRMKSNDDFIPKKWHLHTLRYRQKDGILEYLIDSKPQAIEYITDDKKEGSGYLLSIGNFIDFTLGTYFTGAVENLEIHKSFEEVSSAFFSKNMGYIITEPIKLSKYYSQVLSFDVDSNVPKDTEIVYYYRLDNKVFYDTDSHGNIKKNLTGAWIHFDPKKDFPDSKISKYIQIKVEFYPSGDSVSSPSLYSMSITYVPEAAPFPPVITKVIPGSREVFIEWIPVVNSSVEGYYIYIGVVSGNYHGKTGGGVLTSPIDVGNQTSFKITGLEDGRLYYISIAAYNLDKSVNKTSFSKEISVRPMEIFKKYE

>BB0459

MNNFSFEKALNFYKNGDFKSSLDNLDVFDENFDSLALKALIYFKKKDYKALLYVLNTYPVVLSEYNFLVKLIDYGKIEKNKDDLGPFENYNLGVFYFNLKEYKLALSCFLKAKEQKSDFVQALNNSAVLFEMLDNKDEALKLFFEARDLDQNNSLVKLNIWILKNSASLQAASFLKVDKIFFDANLALVVNYLMYYFYSIGEISRAIRLSEKFLTDSHYSKYIWHNRATIFHKIGNMTQATTSYVKAILNFPNIYTIYNMHIATVELLKFSPKKSIERMVNDYSNLDLIYLYATLFFLRNRDLEDAYFYMKKLCELNPEPYSKFLKLLESSEDMLIETLLEEFAVSLRVNWYLEYLFFIDNSLNLRDPIFVFDHNIRVNTYIWRIKDECIELKFSNNEEKMVQEILHEECILPEIDISIGDFQNLIEAYKEFRINY

>BB0460

MKTRIIIFLSILSILSCSKSVSSKVNSEFEIKTKNIKENEILQNNNILHIDAKIPFMENANFEFENLIKKWKKDIENKISNPENSKNEYFYFSNFTIFKNENIGITSILYKESFREKESSTFLKYYSLNLKGNKKIEISEIISKDQLDSLINVLKEQLNSRIKDFYVKGKHSQKELEKKFTTIFPRYKYYFKNNQIIVFYNPFSNDCNGCDKIEFQFPIHENTENEYQPNKNLHSQS

>BB0461

MASSRGTALKKRPRDFNSLEGQDFVVETLKHSIEKNKIANAYIFSGPRGVGKTSSARAFARCLNCRNGPTVMPCGECSNCKSIENDSSLDVVEIDGASNTSVQDIRQIKEEIMFPPAISKYRIYIIDEVHMLSNSAFNALLKTIEEPPNYIVFIFATTESHKLPETIKSRCQHFSFKLLSLDKIYNMLKKVCLEDDIKYEDEALKWIAYKSSGSVRDAYTLFDQIVSFTDSNIKLDQIRSKMGLTNDEFLEKLSVSILGEDVKELICVLDSIFLSGVSYEQFLLDSIEFFREALFLKIGIKNFEFIGIKSEDLRKKLIEFDLNYLERIIVVLLETYRDLQFSVNPRYELEINFIKILRLKSYVPNHVLIKQIQNLEDNLLENIATDSNNFDVLSNNKSEDDLAFIPSKSSLKCEFPEIKSLEKEEADRDENLSTKIDKNILETNSIDEIDEIFIEDDNASNSNDFIDIRDKFIYIVSRYVQTLVHSGEVAIDDNVLYYKVFSEFEYNELQNYKGEIRSEFYKEFPNLSIVFQKNFKNLEKDFEKLETVKNIFGASEVLEG

>BB0462

MEQVKFWRDKNMAVNPLDFLKNMSSVKNNIDNIKKEISKITVCGKAGSNIVTIEMDGEFNVKKVSINKEFFDDLDNDAFEQMIKSALNDAVSKVKEEIKLKTMGVLPFGM

>BB0463

MSMLLQKTLCIVKPDGVRRGLIGDVVSRFERVGLKMVAAKMLIVDESLAKKHYLYDDIVFRHSEAVWNSLIKFISNSPVFTFVVEGVESIEVVRKLCGATEPKLAIPGTIRGDFSYHSFKYSNEKGFSIYNVIHASANEADAMREIPIWFKDNEILNYKRDDECEHYYC

>BB0464

MKILRLCLLFLFFACTFDYDEYSSRSDVAKKFPSIQILGIKYYDVVYNKEQTVLNSLSFSYFNDYKIYKAENGRFLYHSLDNEISGKFNNLEGSYITKDLDMRDSVEFKIEDKNNYYLLNSNRLLWKNKDKKLQSPPNELVLIRFNDSKINGKGFSYFLKSNVFYFDSGVEGIMN

>BB0465

MRDLILIWIFIIFINNIQATQIESSLKSERIKGSDEKSTNFTFKSDFAQGVVSSFYKKIVLKGNSEVISSDFNLRADEIEIYGENGSYLEARGNVFYKDYKNKMNVKAQFLFFNRKLDNFYLQKGVELEDLENNMLVKAERIEGSNKTNVYIMQYSVKIYKDDTFARAENGTYNKEEKEMILEGVPVIYQKDNYYSASRIIFNTKTNRYKLEGSVEGEFTQVENDASEEKK

>BB0466

MREVLRENLLKLKMMLLKKKNKIKEIKESLNLDSVNNVVLKADNIIKKYGEKLAVNGITINIYKGEVVGLLGPNGAGKTTTFYTIVGFIKPNAGKVLINDYNISSLNMYERARIGIVYLPQDASIFRELTVEENIMVALERREDLSKAERKIELVNLLKEFEIKRIQSQKAYTLSGGERRRAEIARALAVNPYFLLLDEPFAGIDPIAIGDIKNIIKILKEKNIGVLITDHNVRDAFDIIDRAYIVYQGQVLDEGDVDYIISSEKAKKLYLGEEFRL

>BB0467

MKTIEHELYYEFRIADDVKMIYTKKPFNLKLKELSNDNFNFVPRSKKIKYLKQLHTDIIYKVEDDFINFQEGDGLISSSLDVALVAYFADCLPIYFYDSVKKIIGLIHSGYKGSFNLIILKMLFMFEKMGSALKDLKIVFGPYNRSCCYEVSEIFLKEVSNKFSKDLLNASFVTRDGKIYFDNASFNLNLLSSFNLNIYNSKLCTYCLKNLYSYRRLRESQSYALIWRI

>BB0468

MNVRDLSFKLNSIFDINKYEHIDKNLNGLQVGNINAKVNKVAFAVDASFSTLKEAKGNDFLITHHGIFWSKKERIVSNMYDKTKFLIENNLALYSVHLPMDAHSVYSHSKVFSDFLGLKNSFAFANYGGVNLGIIADSVFSFSEILEKIKKENKHILFSKKFKESVNKVAIVSGSGYSFFEEALCHDVDLFITGDTSHQIYSLAEEFGVNLIFAGHYFTETFGLIKLMEDFKIQEDLEVKFICKNTNL

>BB0469

MSAKSKQYFNIFVFIISLIFFDQLSKYLVAKYVKLGSIYFSFFDDFFRIIHVRNTGILFSMGSNIHYSLKKIFFLAMPIFILIFVFYLSLKERNCIARISLLLIFSGGVGNVIDRLFRPSGVVDFLDLKFYGIFGLDRWPTFNFADSYVVIGMILFLVYDFFIKRKVLNK

>BB0470

MKILSFILCMLMNLSLMFLVFFLEFFLVVKFSIIVKPYLQFILIFMMIVFAVLVGYFVSIFIVKSLLIKLFELDQ

>BB0471

MSLRILITGEVVGKAGIIVIKSFLSSFKVEKKIDFVISGNNFTTGLRGLGKKHAFLLKKYGIDVLTLGENAFARPDLSDDLDKYNFILKPLNCPAKLKGYSYFIYNINGKKLAVIRIVGQTGITKYKFNHPFYSFDFFYQRIKMQTNNIIVLFDSNTTAEVNALFFYLKSRVSACLGTGKRILTADLRILDNTAIITDLGRVGSLDSVIGYSPDLEVDKFLKGFLNQKFNESWEGLGFNGVLIDIDENGHSFSVEIVREYIDCKSSLKDMDIV

>BB0472

MRFNFIKFLYIGGWIMHSYIVEGGYKIGGQITASGNKNAALPCILAALLTDEEVILENIPNINDVKVVLDILNDIGADIAREGNTLKIKVLNIVKTEIDSSFTDLIRASILLLGPFVSRFGKIDMALPGGDVIGKRRLDTHFYGLCKLGAKLSTKDRRIVLKANKLVGAEMFLDEASVTATENIIMAAVLAEGNTVIMNAACEPHVQDLCNMLNSMGANILGIGSNVLEIKGVKKLSGTVFRIGADFMQVGSLISLAALTGGELEIKKADPQHFRLIRHVYSRLGINFEYDRENVYVRNKQELKVKLDFGGHIPKIDDGPWPAFPTDLMSIIVVTATQVEGTVLVFEKMFESRMFFVDKLIKMGARIVLCDPHRVVVTGKSSLKGNVLSSPDVRAGMSLLIAAFVAEGRSEIQNVYQIERGYEDVVNKLINLGAKIKKVKSQ

>BB0473

MSTDKSKTRELILNGNLYKVLFLISFPIVITNIIQAFYDLTDMFYVGKLGAMPLSALSLAGPVNFFIIAIAMGMATGSISLMSKCIGEGNFSRFSRYAGQLIVLNFVLSLFVTICAFFFIDHLLDLLGVKGELKELSRVYFYVTIFAIPIMFLSISITYILNAQGETILSMTIVLFANIVNFILDPILIFSFNMGITGAAWATLFSKLLTVVFYLFLTYRLNYGLKIHLKDLVIDIRSIKEIVNLGLPSTFGQIMVSLSFFIFNYIVIEISPKFLAAYGLTNTIISFLFLPAMGIGTGIISIVGQNLGAKKVNRVEEVLKKGFFISLAILLIINSIVIFNKQFILRLFTNDLEVLNYANNYLLLTTIGTFGYGLQQVFFGGLIGSGRTKIAMIVIFIRLWLIRLPVVFIFQYFGIMENSLGYAFIISNYLAIIILIAFTCTRYWVKPILIKKYK

>BB0474

MAYLFLINLMFLALKIDFRFFVNLFLSVIVCLQ

>BB0475

MMKAQKFKLKLLPILVISGILIVFMSCMKTSTIKSKENAKEITYLISTIKINQKVEIVNYKSDSKNNLIITLKNKSTEDINANSLAIFKEGSKTGELIREKLNGLETKTFHLKTKINTKRKTTLYIFEKQ

>BB0476

MKFRRLVMAKEVFQRTKPHMNVGTIGHVDHGKTTLTAAISIYCSKLNKDAKALKYEDIDNAPEEKARGITINARHIEYETANRHYAHVDCPGHADYIKNMITGAAQMDAAILLVAADSGAEPQTKEHLLLAQRMGIKKIIVFLNKLDLADPELVELVEVEVLELVEKYGFSADTPIIKGSAFGAMSNPEDPESTKCVKELLESMDNYFDLPERDIDKPFLLAVEDVFSISGRGTVATGRIERGIIKVGQEVEIVGIKETRKTTVTGVEMFQKILEQGQAGDNVGLLLRGVDKKDIERGQVLSAPGTITPHKKFKASIYCLTKEEGGRHKPFFPGYRPQFFFRTTDVTGVVALEGKEMVMPGDNVDIIVELISSIAMDKNVEFAVREGGRTVASGRILEILE

>BB0477

MIAKDKIRVRLFSFDVKILDQSAESIVKAVQKAKAQIKGPIPLPTKIKKYTVLRSPHVNKKSREQFEMRTHKRLIDILEPTSALMDSLMKLELPAGVEVDIKQ

>BB0478

MLGLIGKKVGMTQIFQKNGIVVPVTVIEFQPNYIIGKKTVDRDGYSALIAGSVDLKSSKVSKPIKGQYKSLKDIEPKRYVIELKGLDGYDAGDEIKVDVFKSVKYVDVTGTTKGKGFQGAMKRHNFSGGPSSHGSKFHRHLGGTGQATTPARTFKGTKMAGRMGGNQQTIQNLEVVLIDEEKRALLVKGAVPGAKGSFVVVKKSKK

>BB0479

MERKVFSKDGKEIGTINLDDRVFNIEISHGSIYNAIKNELSNLRVGTSSTKTRSEVRGSSKKPWKQKGTGRARVGTKRNPVWIGGGIALGPKPRDYSYRLPKKVKKLAFKSVLSLRAADENSFKVIENFNVESGKTKDLALIIKNFASFNGKVVILLGNDDQMIKRAGKNIRDLKILSFDKLRVVDLFYAKNLIALESAVNKLNEFYIK

>BB0480

MLRISMKAYDIIVSPMLTEKTNTQRESINVYVFKVNKRANKKEVGAAIKELFNVTPVSCNLLNIKSKAKVVVSRKGYPIGKGKTSSWKKAYVYLKKEDKIDIF

>BB0481

MGIKTYKPKTSSLRYKTTLSFDDLSKGNDPLKSLTKGKKFKSGRDSSGRISIRRRGGGHKRKYRLIDFNRRDKFSIPARVASIEYDPNRSANIALLVYKDGEKRYIISPKGIKVGDVLESGPNAPIKIGNALPLENIPIGRTVHNIELNVGKGGQLIRSAGGYAMILASDGNYVTVKLSSGEMRLIFKKCIATIGEIGNEDYANISIGKAGKSRWLGRRPKVRGVAMNPVDHPHGGGEGKTSGGRHPVSPWGQPTKGYKTRKKKRYSDKFIIKRRNK

>BB0482

MARSIKKGPFIEKSLYQKVLSSFGSEKRVVIKTYSRSSTIIPEMVSLTISVYNGKTFIPIYITEDLVGHKLGEFSPTRIFRGHAKSDKKGRK

>BB0483

MLVNRRYTAKGKNLPSSPKKVRPIADNIRGESYIKAIAVLCSMPNKGAKLLEKVVKSAASNAMYHNKNLSEDMIFVKTVMVDDGRRRKKIWPRARGRADRLVNRNCHIFVEVDEKKDIKG

>BB0484

MGQKVHPYSLRVKINKDWKSKWYFDKKLYSAILHEDFLIRREIMKFLKGIKFDISDIEIIRNNPQKVTVVIVTPRPGSVIGLKGSNLEKIGQLLTKKISKKISIKIKEVKRPELDAQIIANGIAKQVENRASYRKVLKSSLSTSMLKGAQGLKIKIAGRLGGAEIARSFEVKEGRVPLHTLRANIDYGFSEAQTTYGIIGVKVWLFKGEVLGRQTNSDAGQVINKKPFRERGDAVKNFDKTLNNREKANEKQTRLLDKKDGLSKDEVDLLNKKKFSASFSKERDDSNEQDIGG

>BB0485

MLSPKKVKYRKKQRGRLSGEAQKGNKISFGEYGLVSLETNFITARQIEAARIAMTRKIKRGGRVWIRIFPDIPYTKKPAETRMGKGKGGVDHWNAPVKLGTVMFEMSGVVEELAQEAMSLASSKLPVKTMFVVRRDLR

>BB0486

MLKNFKNFTLEDMKAKRLELKKEYLDLRFKSVVGHVENPLKKREIRRDIARLNTMICEYELGIRKV

>BB0487

MARENKKELIGKVVSDKMSKTIVVEIVQRKMHPIYHKYLKVSKKVKAHDEKEVSKVGDKVKIIEVRPISKDKRWSLVEVLEKLK

>BB0488

MIVIQMQTYLTIADNTGGKVAQCIKVLGGSKRRYAKIGDIITIVVKQAIPNSSVKKGDVYKAVIVRTSKEVRRKNGTYVRFDDNACVILDANLSPRGKRVFGPVARELRDANFMKVVSLASEVI

>BB0489

MKTKLKIGDSVKILSGKDRGRIGKIASINRKKNKVIVESCNMVKKVIKARTPQEKGRIIDKEAAIDISNVMIFVKGTSSRLGIRFENNEKIRYLKKNGQRI

>BB0490

MNYVPELKKYYKDSVIKELVKEFEYKSIMQVPKLEKIVISVGVGEAVRNKKLLDSAVLELAQITGQKAVKTKAKKAIAGFKIRQGQEIGAKVTLRGNAMYEFLYKLIHLALPRVKDFRGINGDAFDGNGNYSFGITEQIIFSEIDYDKIERISGLNITIVTTASNDKESKALLLKFGMPFSN

>BB0491

MECRLVIRGFIRYMAKKSMIIRALRKPKYKTRQNNRCKLCGRPRGYLRDFCMCRICFRKYASEGLIPGVSKSSW

>BB0492

MAITYSIGDMLTKLRNASRVGHGSVDLKMSNMNKSILNILKEEGYIKDFNFLEKKGIAFIRVLLKYDNKRNPVINKIDAISTPGRKIYSSYRNMPRIKNGYGILIISSSQGVITGKEAKDKKIGGELICSVW

>BB0493

MSRIGRLPIKIPDAVKVDVKDNLVIVEGIRGRLVQDIKDSINVKVENGSVIVDRVLNDKKAKAYHGLYRSLIFNMVKGVTEGFSKSLTINGIGYRVEQQGNSLFLSLGYSTQFEYVIPDGISVKLDGNTKISVEGIDKFKVGQVAAEIRSLKKPEPYKGKGIKYDNEVIRRKVGKSGVKK

>BB0494

MKKIKEAEQRKLRRKKRIKDKIGRGVASRPRITVFKSNRYFYAQVIDDSKGHTIASISTIEKSLNLGKNIDDVKKLGEVLAKRLKEKNINNLIFDRNGYKYHGLIASFATSLREFGINI

>BB0495

MVDVHAQRKQIEKLISLNRVTKVVKGGRRFSFAAFMVVGDGEGHVGWGFGKANDASDAIKKSLTSARKNLRFVPIRKGTLPHEVIGCFKKAKVLIKPATHGTGVIAGGPVRAVMEALGVHDILSKSLGSNNSMNVVKATFKAFDLVLNAEKVAEMRGKTLKTLWG

>BB0496

MIKRKLRLQLKKARFNASRSRSKNKCFIKRMENNRKIISKNNINVQVFLVRSLIGKLNKKVKVLKALGLNKIGDKKVHFLNESIKGMLNETINMILLSEVM

>BB0497

MFNLLKPKGASKRRKIVGRGPGSGLGKTSGRGQKGQKARNTSPRLGFEGGQTPLYRRLPRKGFSNSDYKLEYAIVNLGDIDKKFKDGQVVNYDTLLENKLIKKKNKKIKILSNGKLTKKVSFEVSKISKSAESLVIKIGCTIQLV

>BB0498

MKELFLSLFTVKDLRNKFLFTLFVLFLFRVGSYLPIPGIDSVALKSYFKSQSDFSIANYFDFFSGGAFSNFSIFMLSIGPYISASIIVQLLVYSFPSLKKMQEGDGGRQKTKKYTKYLTIVAAVVQGYATSLYAKGIPGAVTIPFYRYIFVAILTVTTGTFILLWFGEQINQRGVGNGTSLIIFSGIVVRLQAALFNLFQSMQDPSQNVNPVFVILIISIFILVVILIIYEYKAQMRIAIHYARANSNNTVSSYLPIKLNPSGVLPVIFASVLITLPLQILSGFAETSSIARQILSYLRPNGFYYTFLNVILIIGFTYFYSKIQLSPKDISNNIRKNGGTIPGIKSDEMEKYLDEIMNKTLFSGSIFLSIIAIIPFLVQNIFRFPHDVSRIMGGSSLLIMVGVALDTLIHIDAYLKTQGFSHGNKKNYAFLQKI

>BB0499

MIMKVRVSVKPICEKCKVIKRKGVLRIICDNLKHKQRQK

>BB0500

MARISGIDLPNNKQLKIALTSIYGIGRTRALEVCNKSSISPSKIAKDLDNDEVNRLRKVIESDYIVEGKLRSEVAMSIKRLMDIACYRGVRHRKGLPLRGQRTKTNARTRKGKRKTVANKKIASK

>BB0501

MEGKLSAKLSTNSKKKIKRNIGEGNVYIQATFNNTIVTVSDIKGNALAWASAGGMGFKGAKKSTPYAAQITAESALNKVRDFGINYVHVYIKGPGIGRESAIRAIGSIGMTVKSISDITPIPHNGCRPKKTRRV

>BB0502

MMLVEKFLKDFTIPEKIEFLKSQGDGSYGKFTIYPFERGFGITIGNTLRRVLLSSIEGYAITAMRVQSNNKDSSSKVVSSEFDLIPGVSEDTLEIIANIKNIHLKLGEGEQRKTISFSVSGKDTNVLKASHFERDGVEVFNKDLVIATLSHDVNLDLEFQINYGRGYVSSEQNSKYLEEVNVIALDSIFSPIEKVSYSVEDTRVGQRSDYDKLVMEIWTTGVISAKDAIKKAASIVREFLFPLVDFEDNVNTSFEKSKSESSNLLDMSIEKLNLSVRSLNCLAKENVRTLGELISKNAEELSKARNFGKKSLEEIIEKLGSYRLYLGMSKEDALSVLSKNVKISE

>BB0503

MKTKLGFNRLSRKSSHRRALLKNMVISFFKHEKISSTKTKLFEVKRFAERLITRAKVDTVHNRRELSKFIHDKHILNKLFTKISPVFRQRSGGYTRMIKLGKRYGDAAEMAILELVEKPLKVE

>BB0504

MIYIIFSSIFAGFILGFLVRVFLGRLSLLDLEKNLKKVRVESQLEIENERRQIIANAKSQMLKEKNQQDRDIRDRKNEIVNLEKRLLQREETLDKRISALDKQQSRVDFKIKEFEQKEKVIREKEADLVKRLENISGLTREDARKIVIEKVEHESKRDAQVIINKSEQEAQLLADKVAKDILVSTMQRIVTEVSSEFTVASVELPNDEMKGRIIGKEGRNIRALETLIGADIIIDDTPEAVVISCFDPIRKELAKRTLERLVTDGRIHPARIEEVVYNVTNEINSIIQEEGEKVVFDLNIHGLDKRLIRGLGRLYFRSSYGQNVLSHSKETAIIGEILAKEMKLDPVVVKRACLLHDIGKGMESISDNSEGHAITGAELAQSCGESEIVVNAIAAHHNEVKPESLEAIVVQIADAISASRPGARRESLNNYINRLKRLEDIAYSFEGVQKCYAIQAGREVRIIVDNALINDEKSILLARDIAKKIEAEMRYPGKIKVTIIRETRVIEYAR

>BB0505

MQDSTIKTLIIGDIIGESGLKKVFFNLKNIKNKYRIDLVIANGENSSNGFGITPEIANNLFRSGVNVITTGNHVYSNCKINDYLNKQTYILRPNNFSDLLDGHGYCFLTIRDEKVAVVNVQGVLNMNFIVKNPFDNTKKLVNMLSNKAKTIFVDFHAESNYEKESFGYFLNGFVTGVVGTHTHVMTQDERILSKGTAYISDIGMTGGLNSVIGFNPDISLKGLLEYTPLRAEVVEDDTILQGVIITSNLKTGRALKIERIQK

>BB0506

MKGFRNNLLNILCKRYPEKTRKELMILILKGNIYVNSHKEKNPKILINKTSKIDLVENTCQTFVSRGGYKLLEALKDFEIEVKNKICVDVGSSTGGFTDCLLQCGANFVYSIDVGINQLSYKLRIDPRVKVLERTNIFDVTEFKIVPNFAVVDVSFRSSISICVNLIDKLSDNFIIVLIKPQFEFKSLNLDIKNFNGVVSGEYLKIILQSVIEKFYKNKLQVKKILKLKTKGKKGNQEFMFLVVKSSVLRIASSMQLLSNIEF

>BB0507

MFILKRKKSSSSTKSDILLILIAIVLTIISVLLIIKNSLIIHIFKEKNYDNSLFESSQTQDNKLIEAKKNTNKNTNVKILKNESFLIQPPEIKKLEEELKQNQRNNNLKNKKFIKLYFIKVTPEGYFLRQTVKRAIYYDKNILEETLKSLIKGPNEYELKNNFLSLIPIKTKLLNLSLSEGIAKINLSKEFYENSFGIEGIINQIAQITLTCLEIKGIDGIILTIENNPIILEELNLNFSGILNKKALDKY

>BB0508

MLSYKKVLIVGRPNVGKSALFNRILDTKRSITESTYGVTRDLVEEVCKVDSFKFKLIDTGGFTILKDEISKIVVQKVLSSLEKVDLILLVLDINEILLEDYQIIERLRKYSSKVVLVLNKVDTKDKECLAHEFHNLGFKRYFLVSAAHCRGITKLRDFLKVEVGEVGIESGADIKVGIIGKPNSGKSTLINYLSGNEIAIVSDQPGTTRDFIKTKFTRNGKVFEVVDTAGIRRRARVNEIVEYYSVNRALKVIDMVDIVFLLIDVQEKLTSQDKKIAHYVTKKGKGIVIVFSKWDLVDESKGYFEALKSHVKFFFPILNFAPIFRISVHKRIGLDSLFKESFKLKDQLELKTSTPDLNKMLNLWIKDYHLNISHKIKYITQVSTNPVKFILFANKIKNFPNSYYNYLVNNLRKIGYKNIPILVELKEKIRDLK

>BB0509

MRYIFLFLIFKSLNLFALESFFYDFDVRTKYLKYFNSSYAQKKISPIKHFITEDCYIEVSSEISSEYVYYSFFNKKKNVGYIFPGSYVIKVGKEGIEQIKIFFINRGDTFIRIKSSKFSSIADFYLVNTLIYKDVKLPFKIEDIAVISLANIINYIGKVVDFRYFIPEYFDIYKNISNMVISLRKSLRSFPIAEVADGAMNEYGKMVHIETGLLQKDPVGFNCSGFVKWVADSIYKSMTGRLLKIDDLKLRHIGVRGSGFTRSQEFNKDPFFGLDWIRNIAYRINNINVDLNLSKIKENDVNNIKFFDYIDNRGYKIENLEFLLYSLALDEPGYIYLGSISTGVNNLSSMVLHKHVVLFLPFLDENRIFRVSVNEVNAETSIKSLQKRYPKSYIHLVRVKVPENLPIVPIPIKANNQSS

>BB0510

MIKAVVFDLDGTLYPEADRNKLMFFEFLTNVKFFLAFKQIRKKIRILQSNQFSPSNRDELFYLAGSKCFLSI

>BB0511

MELQDLIYWLKFKGIKLGVMSDFPILGRVKNLLGIQDSFWDILYSSEDTGYLKPHKAPFLKVIEDLNLRSNNILYVGNSYEYDILGARNVSMKAAFFSTKKNINYKGMIDFIFHDYKDLREYIRLNI

>BB0512

MIDFATILVNLFLVSIVLFVYRQYDKRSRALDKIKKFVDLTKVNLEDFIEDKTKEINDLAVDMEAYQRSSIEIIKKIEEVQQKIKNKSNDFAEVEKKIAYHDSMLKDLDEMTFKVQENIQRLQVDGKIVDKLSKTLKGFNTQIDSVESNLNSVLEKFDKANKENLESIKIASWEKFDTNIKELVFKIDNLNKEISLYEKDLANIEERKNDILVKGNEKLDLEFSDFLEKVEFNIGKYSKEIESSFNFYENKYKLIENSIELIMESVKNKINEKEDFILNRLNEELQNKFKDILVYVDDRSKEIKDKLEDKLVLVDNEISSMSSSFKDNVYSRINSLEESMRIEMGKYEEQVDDVFDKFRSQVELNLKNIYEDYEDKISQVDNNIRERVELSLLDLNSKMESVQSGAIDFIKRLEDDSNGIYLEFKGKFGADIEVFSESFKGDINQLKMQLESQLLDVDSNIQEKLIKLNDNLISNFEEINGRFNNNYSNLNDNINAKYTALFESLDSSSSKFENQMESKYKSFTDKLTAGMDEFSLMYGEKFETLSQEATNNYQEFQDLNKKLENEIESFYNMFEKTQETLKVDFNTSLINIKDEIGKNIVEFRDRYYDEVNIFVTQLEESKLQYSKWQGEMDSNLKNIESQINKTNEEFLSLIQIQKDKGIELSESVFNDLSDHIQKKAIDMHGSWKDELIALNKSLLDIKVSSEELLSSATLKIESLEKDVNDRMEYVLLKTGDIESLVIEKYKELKDMSYSQSDEAILGIKEFINRQTEIIKDKSVFMLEDLNKKFDDKNNFVISKIEECDYKLKDFKIESEDILNNFKSDLNEFIESKLQIVSNIKSDNQKQIDDFLDRISKDILNRKDSINNEVDSKLSDWQSKLNEITVKIENLLSSGKVDLDLIDSEVTTKIKELKFSIESLESYYLEKIDEFRNQGAIYSDELLQDIMNHFNKETRELEENLSKKFAAVLNNSEEFVKEVDSLLQDKRTDIASFQANIDITLDSLNVKFNDINKEINGKYNEVISNYRGYSENISSKLENEIMHEIENLSRRLTDRIDSLSKGMDENLQKLKESFDVSKYQVEKFELKVKDLTDDGEAKINKLVKEIEQYYKSRLEEAIDYRRTIDNDIMQAKERFGEITNELKNNIESKSEFLNDLYKERFKLIESNFEERYSTFLIESEGAISKIRDEIYKTLTSNDENLQIKISEMDQNFEIIEQRSKDILEFEKELQDKIKDCYGFINSQFGEIKAGVEENIKNHFDVCIKKVNTLIDDDIVKYENEIHKRIDSLKSIESTFDSIEKNLNDKVSGCIDKIANDFNLKYIELEERCNEGQLNLENKIDNKIKAIDNLALSQYDGLEKKYADMYDEFSERLNSYIATLSEEFKSSNKEMIFELESQLKNLKNLESDLNNVEKDVIRLKEESYHNVSSHLKLLEEDFFKDLKIRGEELKYSLENFIASYNDKIQNLEYDLSKNLENKTELIQSFRLDIEQKMKDDKENFYLDFTKEFSSKKKDMQSEIALMETNITGKVDEFVDFVNNKQSIIDSWFLNIKDDVKDWQEKSYSTIEKRINLAELGIKSFENDIFNVKIGLESFKDGFEIKAEEIFSNLQNEAKKIEQSVHLDFKNIGESLNLKVLDLEKFVDFKLEKIDEKVNKKTEDILIQAEVKFLTQQKDLEDKIFELNQKLEHEFTTLSSNLDKVRREMVDVISSDKESFEGQIELINKNISEFSEKISLYRNNIETSIENEYNSFSKSIKSDLGLLEDELKKSLKHSTSEIETIKSGLQEQIDKFEVEFKKNHKELLKEVDNNILELESKILNCDVQFNKFISEIKDNLVEYKSDLRAEFEDSYDKINFQIENQIENFKKLDSELEKNNSIFLEAYSLKDKLEKLWETLKNEIGLAQEYKNNFENVNKEFYNIQKETLGIIEIFNELKLEQESIKSIKNDFNRFFEFYSSFDSRYKSLIESYDEMQIYKAKIKEIADEQRTILDNYERISNKESILKSTIESVDKNFDLINEVEKRFNNLSKESAKIQDNLKDMENVVSSLLLNKGLSEEVLINAQNLKEMLLDIENKLKNTLTMRERVVKSETRLENLNIAAEERIKTLGILVKTDSKYQDNVGLNNETVRNSVIKLMRQGWSAEEISRATKLSIGEVELILELGISNKGD

>BB0513

MKVIFMKADLNLIKTLHPLEIKVIVNNEEEDDISASIIIEKLGFNEGQANKTIEWLNSKGIIEEIYRKLNVFYKATERGLGALRDGFVEEKIINLVSQKAVLASNLALELDIDVKEVRKAFGNLLKEGILSLDLDKQIIINCLDGTETNYQKVRVLLERAKNSDLLRESLTTEELLLISNFAKKKGADSVFFKIIEKLDLKFRLSSFGLEVKNFLMKSKLTGDELTKLTPEILKNKTYENKKFRAYNIHIPSAKTFIGRANSYLDYISKIKDKLVGLGFQEFDGPLVETEFFNNDALFMPQFHPSRDIKDVYYISDPSMQESLPEPYFSNVKLAHETGYATGSRGWRYSFSEDLSKRLVLRTHGTVLSAKQLINAKNPSRYFGVIRCFRYDQVDATHGVDFYQTEGIVIEDGVSIKTLLGLLEIFAKELAGATEIKYVPAYFPFTEPSIEIHVKHPVLGWFELGGSGIFRPEVTKPLGIDLPVIAWGIGIDRMALMHLGLNDLRDLFTYDIGDVILRRGKIDAKVRNL

>BB0514

MPKLEIYKNLFLDKIGKNFTNLEISELLEPFKAEFDGFDESSGKIKIEFNDTNRPDLWSYLGLARQIKTYFFGEMPYYDFFSKKGDFKKFYGEILVDGKMSQIRPFIFGFLAKGLIINDKMLETLIQFQEKLCQNYGQKRRRIAMGMYNSNFIKFPISYIASSPNHKFVPFGMDYELSLLEINEKHPKGLEYSHIIKNFDKFPLLLDDNNNVVSYPPIINSNNIGSLKVGDTDLFVEVTGIDFEATLLALSIAACDFYDMGFEILPVKTVFREPFNLDFKELVCPYYFQEEVEFNVENINRLLGSNLTLERICLSLKKMGVNSYSKDFKNYIVPPFYRNDFLHEVDVIEDVMIGEGLSSFNPELPKAFAVGRLSPLEEFSRNVRNLMVGMGFQEMIYNYMGSKKDFIDRMNINDQNFLKVSNPMTENYEYIRASIIPNLLKSESVSSNFPYPHKIFEIGKVALKNLDTTEGTSTFTNLAFLMSGKEISFNEINSIVATLFYYLNIEINLIESKTTFYINGRGADIVIEGFNIGGFGEISPYVLNNFGIFIPCSVFEVNINKLMSRS

>BB0515

MLEFETIDINLTKKKNLSQKEVDFIEDVIIVGSGPAGLTAGIYSVMSNYKAAILEGPEPGGQLTTTTEVYNYPGFKNGISGRNLMLNMREQVVNLGAKTFPETVFSIKRKGNIFYLYTENYIYKSKAVIIAVGSKPKKLETLKNSGLFWNKGISVCAICDGHLFKGKRVAVIGGGNTALSESIYLSKLVDKVYLIVRKNNLRAIAMLRDSVAKLPNIEILYNSEAIEVDGKSSVSSVKIFNKKDNVVYELEVSAVFMAVGYKPNTEFLKGFLDLDEEGFIVTKDVVKTSVDGVFSCGDVSNKLYAQAITAAAEGFIASVELGNFLK

>BB0516

MNFIYQKKSPKTKEIEQLAKTQNIKIIRINTNELDKILKNKDHRGFALKLKLEKNKNVKTQTKDFENLLETFKKKENAFILLLDEIEDPQNFGAILRTAEQFSIDLVITTQKRSAKDNSTVLRTSSGASQYVKKMTVTNINNTINLLKNYGFWIYTGDIKGQDINKIKINDKKIALILGNEGKGVHKLIKENSDFLIRIPTSGKIDSLNVSVSTGILIFEIKRQLNLL

>BB0517

MKKDYYEILGLSKGASKDEIKKAYRKIAIKYHPDRNQGNEEAASIFKEATQAYEILIDDNKKAKYDRFGHSAFEGGGFEGFSGGFSGFSDIFEDFGDIFDSFFTGNKGQERNRKHAKGEDLGYNIEISLENAYFGYKNNINITRQMLCDSCLGKKSEKGTSPSICNMCNGSGRVVQGGGFFRVTTTCSKCYGEGKIISNPCKSCKGKGSLTKQETIQLNIPPGIDNNQQIKMKGKGNVNPDNQEYGDLYVKILIRSHKVFKRNGKDLYAMLPISFTQAALGKEVKIKTIASKEIKIHIPKGINNEEQILIKNAGMPILQTEKFGNLILITKIKTPKNLNSNAIKLFENLGKELKDGDEIDLLKA

>BB0518

MGKIIGIDLGTTNSCVAIMEHGKPVVIQNSEGGRTTPSIVAYTNKGERLVGQVAKNQMVTNPENTIYSIKRFMGRRFEEVASEIKMVPYKIEKGLNGDARVNISNIKKQMSPPEISAATLTKMKETAEAYLGEKVTEAVITVPAYFNDAQRQATKDAGKIAGLEVKRIVNEPTAAALAYGIEKKHEEIVAVYDLGGGTFDISILELGDGVFEVKSTNGDTHLGGDNFDDEIIKHLISEFKKESAIDLSNDKMALQRLKEAAEKAKIELSGAQEASINLPFITADANGPKHLQYTLTRAKFEQMVDHLVQKTKEPCLKAIKDAGLKASDINEVILVGGSTRIPAIQKIVKDIFGQDPNKGVNPDEAVAIGAAIQGGILTGETKDMVLLDVTPLSLGIETLGGVMTKLIERNTTIPTKKSQVFSTAADNQTSVDIKVLQGEREMAAQNRILGNFILDGIPAAPRGVPQIEVSFDIDANGIVHVSAKDMGTGKEQKIRIESSSGLSESEIDRMVKDAEAHAEEDKKLKENIEAKNTANSLIYQTEKSLKEYSEKISSEDKEAIESKIKELKESLEKEDISLIKSRTEELQKASYKIAEMMYKDSSQQNANSQQENGPQSNTSEEGKEADYEVVDEDKK

>BB0519

MEKKETKSESEKTNKQDNKNTKSQKKENLNLVNSDKKIAELENEISNLKDLYLRKQAEFENFRKRLEKEKDNFVKFANETIMKDVVNFLDNLERAINSSKKSKDFDNLLTGISMIENEILSIFDKKYNLKKFGENGENFDPSRHEAISIEEKEGLKNPEIVEVYQKGYCYNDRILRTAKVKVAQSKN

>BB0520

MSKSTKNTTKSKNDTKNILINKKIKFFILTKKYTRTFY

>BB0521

MKISIAQAKYRALDFDKCIADFKINYYEALLRGSDVLVFPSMFLGNTKYGEFFGLSKYSQNICKFIEFMKEQVNDNTLIVFGHSVYEGGKFVDVISVISNHKAILTVSQCNLPGFFRYKDNLFAVLNFEDALLFKEVIPKFGEDLKKHSI

>BB0522

MPSKFSSAGSISDAKELSRKLGFKLIEMPIKDLFQVSSRFFEGYFDIKGVTGENLQARLRGLLLMSYSNSQNSLLLNTGNKSEIAVGYCTLYGDTCGGLALIGDLFKTEVYDLVNYINAKFDQCIIPVNIILKEPSAELRFDQKDSDYLPKYEVLDVILNRYLIGNESVDSIYLNFEKGIVDKVLNLYFKNEYKRRQGAPIVKVSEKTFGFELSMPILNNII

>BB0523

MGFNGILALKQRTSFLIGIYVFLLEERVCV

>BB0524

MDWDFEKIIFLLNESTRLALSGCAKLILDFKSDGSIVTQVDKQIEQFLFKEIKKPGNFVLGEETISTYKEEYIKDALISESTFIIDPIDGTSSFAAGLPSYGISLAYASGGKIIEGAISLPLSGEFFITSKDNVFYAKKNIGSYPLKKDFNKFIFDNSKCYNIHSLLAVSRSIIRLFNLDISSHIHINGSCVYSFAKLFTGSYKAYFSFVGLWDIAACLAIGNKLGMVGEFYCGNKMTLDILDSMYILEPNNHKRWSLKDFFIYSDNKSTIDIIRKDANKKINK

>BB0525

MKIPKNYIPGTNPYKSLPKKPIIENKKKITKKQEQINSEIMKSQERILKLYMRRLQKKDQITLQNFILEGHKIGSKIFNNLPKTLKEIIALMNIESLKVLKKNTKNPFKMLYIKFSSWTLNKLIKTLDIESNNNKTAKHK

>BB0526

MKEFLRVGAFNLLLGALILFVVIFLQFRNLNLNIFFLKDIKLEVNNKVLNSEYTLNDLVVNVRGLRIFLSKLNPLVVLETGLNLFPISYKVQDMGIYVYFENNIFLGFLLDSENNFSIESNLSKSFLLSYEVEDHYRVLLDKPTISIRQGENLEYKIFLGENVKIREKDILISPQAAFRIGNAIYIDSPKKNIPNSIMEGNQTNKSNVLDYSIVHSKIKEVDNKIFNDVLSNFRQNAYDSWNNSVNFNASKGGWLKYGVYSFDENLMVCFLAESLIRGDHESIFLKLDSLLAKNEHKLTYLSLCYYANSDQFDKFFSYLSRNKTFIDSLEEDRLMVYLKEDPRLLEKIFLSENGSKLNGALNLLKDPKKILSSNFNFNQAYNILSNYLTFLKIRVDDSFYLSFKKELYKFVFTLFGVTDEGKMYILNNNINSSDVVEHALKISGVLKRMASYLKDSLILKLSLNAIYYSLMSDYAKGIPYESYYSDIIDNQYMPQFIFISSYRSIRWIYAASGVLNREITDTKVAIDFDQEINYSSYIFFGNILNPTLVRFREIDWFTDYKFYVYSDGWKYYPLNKILVIKATPKKKRTFNLLLRFDKIAKKINIYE

>BB0527

MNKPLLSELIIDIGNTSIAFALFKDNQVNLFIKMKTNLMLRYDEVYSFFEENFDFNVNKVFISSVVPILNETFKNVIFSFFKIKPLFIGFDLNYDLTFNPYKSDKFLLGSDVFANLVAAIENYSFENVLVVDLGTACTIFAVSRQDGILGGIINSGPLINFNSLLDNAYLIKKFPISTPNNLLERTTSGSVNSGLFYQYKYLIEGVYRDIKQMYKKKFNLIITGGNADLILSLIEIEFIFNIHLTVEGVRILGNSIDFKFVN

>BB0528

MNNLKDKINTYSKLILGSWQFGGGYFKQVEKETAKKILKKAYDHGIRNIDTARAYGNGISEKIIGEIIEKDPTIRENILIASKCYPMEISEYRENFNESLKNLKTDYIDIYYIHWPKADFDLRPIASFLEEMRVKGRIKYVGVSNFEISHMESIKKVCKIDVNQIGYNPLFRNKEKDVIPYCEDNNIATISYSTIAQGLLSKANIKDKNKFNDIRTEKLILFKKEIWPYTLKTINKLEEIAKINNLTILELTYSWLKKTKLSGFIVGFSKENYVESNVNSFKAEINDKVYEEITSILDNFNHQTKNFPNLFNKKI

>BB0529

MSLRLFTDSPFYFTINWYFCFNDDLSMSYFKSFINKIL

>BB0530

MSLGRVERILEAIETILKPLGKSPSESLKLANEKDLKEIFKGFVYRFFKGEDIVRLLCTLKIIKEQHHTLENLLYSIYYKNQDFILSIDELIKHMEKINGREFGMLLPKPSKGSSCKRLFLFLRWMIRKDEVDLGIWNKFNPNKLIVPMDTHMTSIASKLFKIKEIKNVNLKQAIKITSYFSKENNEDPVKYDFSLTRFGINRDFNKEKLLKNINKL

>BB0531

MIKKFLLFAMLNIFLTNKAHSNEEIIEISTEIQKEKYIPFLISRGKTQLEDLVKYTLEINPELDKNYVNTVAKTYIDESLIEGVNYDIAYAQMLLETGALKFNGIVSKEQHNFSXIGATNNLTKGNSFSNITEGIKAHIQHLKAYASKQNIKSNMVDPRFYLVKRGSAPTIYDLTGKWAKDKLYDKKLKKILLELLEYNNANKS

>BB0532

MDTQIYELIFLTSFSIFLIVNLFNFKKEFTYEDYFIIFPGTFFVITLYFTEIRPLMLYIGSIFLIFMIIIFFKNIKTIVNSRRRINNRSTKQSKGIFLSILLKTILVMPAILTVIIATIFSYLALFINYPKDENNSYQLGFARIKDHKNDLNLSIWYPVSSTLGLKKQNPFLLYEFNPFFINEMNYLSKQNNIYKKALISNNQKLYDSVLLILPYYSHDSMFKSLVSRIVKKGKIVYLYSPKYKHMKSYDFIKNSHKSIFSYVINKSISYLIEPANILNEKADIASTETDIQNMY

>BB0533

MVGTFLGTGASSGVPMLNCSCKVCTSSYSKNKRLRSSFFLESSSGIKLLIDTGPDIRQQLLREKIDRLDLVLYTHEHYDHIMGFDDIKFYTRCAPLNIYARDTAMAHIRNAFPYNFTSKPSLSGKADIIANVIRDFEPFFFKSLKIVPIPLIHGDIISLGYRVGNLAYLTDVKFIPEASYDYLKNLDLLIIDAMRIKPHPAHLNFSEAFCVIKKINPKISYFTHIAHDIMHEEFDYLEKDNIYLAYDGLKIYI

>BB0534

MKLISWNVNGIRAVLKKGFLEFVKEYTPDILCIQETKALREQLPKDLILENYYSYFSNSKIKGYSGVCIYSKVEPISVRLLGEEIFDNEGRGLVACYDDFILVNGYFPNSQVLRRRLGYKLDFLSYVENLADSLVCDGKNVVICGDFNIAHTEIDLISPDSNRDSPGYYIEETTWLDDFLNKGYVDTFRIFNKDPGYYTWWSYRTRARERNMGWRIDYFIVNEFFKRNVEKSLILDKVMGSDHCPVFLELADVVS

>BB0535

MKKNIAIFYLIFIVNFSFGIDLNDFDFYRSLEKEELIFFINLLKREQLVLENSCALEYIELAYKALKEKNINLLLKNDKELAVDNNTEHLVQSKAYNNARLIFNATKDLNTLVHIGKDGLLKTLDGRNVGVKDNKFIILDSFLNNDFYDDVPSEYTTIEIYNKSILMPNLNKFLLDKRLNPFIYLEDFNKNVYLNDIPKLSKEELLFLFYELFPVSKLKSLKDWNDFGFSSISKALNKIYSEKINSIKRSANELSKN

>BB0536

MNYQRIKNYCKFTSVFLFFLFSCVSNELKLDQSLVKGKLVNGLRYYIYKNQTPKNAVNMGIVFNVGSLNEEDNERGIAHYLEHMAFNGTKDYPGNSIVDVLKKFGMQFGADINAATSFDFTYYRLDLSDGNNKDEIDESINILRNWASQISFMKEEIDLERNIIIEEKKLGETYPGRIYEKMDKFLTSGSLYEFRSPIGLEEQILSFQPEDFKKFYRKWYRPELASVIVVGDIDPIEIEEKIKKQFVSWKNPTDKIKEVKVSLDVELKDKFLLLEDLEVGEPSLMFFKKEIINFVKTKDDLLNAIKKSLLAALFENRFSELKTAGVKQFKNVSNKDFFSFKSDNNTIVAKSISLNFNPDHLNEGIQDFFYELERIRKFGFTQGELEKVRSQFYKSLELRKKNINKTNSWAIFQDLIEIAINGSNKFDMNEYCDLSFQYLEKIDLKTINNLVGREFDVKNCAIFYSYHGRAHPVLTLEDIDNLQKIALKRELKPYENSLIEGKFFKKSLDDKDIIRENEFENEISSFVLENGVEVYFKYNDQKKGVIDFSATSWGGLINEDLKLIPVLSFAPGVVSGSGYGDYSALQIEKYLSDKAVSLRVGVGAQESYISGSSDKKDLETLFQLIYFTFKEPKIDDVSLQNAINNIKALIKSNENSSDYHFHKAISKFLNNNDPRFEDTKDSDLQYFTKENILSFYKKRFTYANNFKFVFAGDSDIQTIKAYSKKYLGNLNFKEINEYKDLDYSYSKNFNKIVVRKGKNSTSFAYVIYPFKFNYLAETWLNLNALADLLTDGLIKNIXEKMSSVYAIQASFDSNLRKNVDSDGILSIFFTTEPKELDNVLNSINRYMIERQKIDFNDKDFSYVKKNYIKNTKINSEKNGYWISNILASLSWYGVFKNNFGVKFIETNLNKDLINEFFKKINLDEKAEILLIPE

>BB0537

MKFFFLLQIALILLSNSSLLFGQSPPKEKEDSLLLYKEGKFKEAILNTLEEIRLNPSNLDARTILIWSLIAIGEYKRAEKEAIIGLGIKKHDIRIIQALGEAYFFQKNYDNALKYFQEYISLDSKGARIIKVYNLIADSFYELKRYNEADFAYEHALRFSPNNQNLLIKLARSRINAKNKILAEEALIKILTISPNNLEAKNLLEELKKSNNKP

>BB0538

MNALTLKHSFLEVSMSIDSLEFEESSTQNVIKKNFEFEGYIESNKPIIIEGKLKGLINSSNSIYLREKADVEAEIKCQHLLNHGKIKGNIEALKTIKIYKTGKLIGNIKTKELFIDSGAMFKGNCEMEDLEE

>BB0539

MIDLTQEKQEILIKNKFLAKVFGLMSIGLLISAVFAYATSENQTIKAIIFSNSMSFMAMILIQFGLVYAISGALNKISSNTATALFLLYSALTGVTLSSIFMIYTQGSIVFTFGITAGTFLGMSVYGYTTTTDLTKMGSYLIMGLWGIIIASLVNMFFRSSGLNFLISILGVVIFTGLTAYDVQNISKMDKMLQDDTEIKNRMAVVASLKLYLDFINLFLYLLRFLGQRRND

>BB0540

MDYNKLRNIGISAHIDSGKTTLTERILFYCNKIHAIHEVKGKDGVGATMDSMELERERGITIASAATHVEWKDFPINIIDTPGHVDFTIEVERSLRVLDGAILVLDSVAGVQSQSITVDRQLKRYSVPRLAFVNKCDKTGANPYNVKDQLRSKLDLNSVLMQIPIGLEDKHIGVIDLVLMKAYYFEGKDGTEIIEKEIPSDLLEEAKSKREIMLDTLADFNDELMELHMEGKEVPTEIIYNATRTGTLALKLCPVFMGSAYKNKGVQLLLDAVTRFLPSPHDIKNTALDLNNNEKEIDLKIDNELPTVALAFKLEDGQYGQLTYVRIYQGILKKGQELINSRTSKKFKVGRLIRMHANNTEDIEFGGSGDIVALFGIECASGDTFCDPSINYSMTSMFIPDPVISLSVKPKDKKSADNMAKALGRFTKEDPTFKTYVDIESNETIIQGMGELHLEVYIERMKREFKAEVETGMPQVAYRETITRKAEFNYTHKKQSGGAGQFGRVAGFMEPLDKEGETYEFVNLIKGGVIPTEYIPSCDKGFQKAMERGTLIGFPIVDIKITINDGQYHIVDSSDIAFQLAAIGAFREAYEKAKPTILEPIMKVTLEGPTEFQGNMFGLLNQRRGIITGSLEDGSFSKVEAEVPLSEMFGFSTVLRSSTQGKAEFSMEFLRYGKVPSTIFDELRKKFNDQNKS

>BB0541

MEEFELETLTISNELSKISQVDYDSSVSELSVFFKDGRAYKYFKIEPRHFSAISKLVEDRRSVGKYLTAKXI

>BB0542

MDNLNSINSIKDLSKFFMYKLLFIIVFVLSCSSIFKEYQNISGEYYKLAKLNEELGNDETSVLLYEKSIKFNINAGDDSSYNFILACINLKKYVEAELKLNSIIKEDPENILLINLKGYLLFKKNDLDNALIYYLKTLEFAPANKEALFNIFYIYHLKSDKKNAKKYISKYKELNHPIPSGAEEIVSSILKS

>BB0543

MYMIRLKVLILCLFGIFVLNGFADTNFEFNFGGGVAFPVSPFSSFYNEALEINAKLKQNLPSDLSPIEKEEIVQNFSDLANIAKAGIRYGTYAQFGAKFDDFVSIGFELLFNINLLKAIKRSDGTANENFSFIMAITPRFYTKLDFFVLALAFFTGPKINIATSSADSVLAELGTMGWDIGARLSFSFLILEGYYVWNIKNPKFSDFKFGIGFEFGIV

>BB0544

MNLLKKKSIGIIACPGGRVFASKIIEELDRIFINIENEIIESICQDSKALKEEIFKIEKVLSPFLEGLSLSTLKSKEPLEIPVKFVKFANGEFKTEILKTIRNKDIFIVQDVANAYEVEINSSEKIIMTVNDHIMNLMTTIDACMQAKANSVSVIIPSYPYSRQDKKHSRECLTASLIGRFLEELGIRHILTLDIHSKAIENVFRKVYFENLNVSYEIFNSLKDLIDIRDSNLVIVSPDTGAVSRNKFFASSLKSPLALLYKERDYSRVSNDVADSNISVTKLLGDVEGKNVFMSDDMLATGGTLIKAMKLLKSMGAKKIICGISLPFFNGDAIKYFDKAYEEGFFYKIIGTNAVCHNDELINKPWYHEANVAPLFAEAIFAIYNKVGLQKILDRKDDIQKLITKG

>BB0545

MNALSIDIGTSVLKAALVSSKNGVLSYIDVSYSDYFDVDFENFDFNIWLFSFKKAISNFKPSKIDCISVGGISPCLIALNSNLIPLEVLHWNSFKIKSYFKGKSVFLPYVLSTVERGTYSKISYFVSCFEYFIYLLTGKLFTSFPSMEYIPFIWDDIEIKKYGLDKNKFPPFVKMGENIGVVTYKAGIEFGLNSGISVINAGSDYLNALVGSGAFQEGIVSNRMGTSEGFNFVSSTYLPGFSLEYPYFLEGFFIIGRIVPFGYLIQLLKDSFYKKSLTFELLLKKIVKSVTLNNVYFYPSKIKLFNDLFVLDPCLCKDLSKGIFGSIKNPLEIGLSILEFVCFAFYNRLVELKACNKEILSIFVSGSNSDNLLLNQIKANILGKDLKIFDFKHSEIIGGAIQAFYSLREFGSLNDSFLKLTKIKHVVSPIIEVHEEYLEKYQKYINNYSLFVNG

>BB0546

MKDLNENNDNNKGFFVALTSIATVCIIIFLGTIIFFPNKNLASDIAEKNIVLEEDKDPNTLEKVDQNEKSLKVSETQNEIIIDLTQDLNKEKKPTNKIPNTQKSKIIEKPQPTTQKISNTSQKSKTIEKPQPTTQKISNTSQKSKTIEKPQPTTQKISNTSQKSKTIEKPQPTTQKISNTSQKSKTIEKPQPIAQKTLNTDNIYDPNIEYYIQFVSLSDPINADNYIQKLLKYNIIARIYSATVDNKDIYRVRSGPYKTKSEAKADFKKIAGIGEFKETYILPVNK

>BB0547

MGRNPLIIGVTGRIASGKDTVSKIISNKYGFYEINADKLGHSVLHEKKEEIVKIFGQKILNTKNEIDKLLLRNLVFNDNKELKKLESVSHPVILSKIKKILIQNQSTKIIINAALLFKMNLEKLCDYIIVLKAKNSIIKNRLSYSIPNIDSNMINKILKIQKDIFFEKNIINLKIINIINNKNYAYLEKEIEKKMQGIINYERFE

>BB0548

MKELYLIDALNIIFRNYHVMKNYPLLNTQGENVNAFIGFFKTLFFIIKEKNPEHLIITFDSEVPTFRKQKYPSYKATRDLPPDDLIPQIGWIKEGLLKAKIPIFEMEGYEADDLLASFAKKAAKNNYLTYIISPDKDLLQTMSEYVKILKIENNSFIEMDNEYVTKKFGVNSFQIKDYLAIVGDRSDNIPGIKGIGAKGAANLLREFKTLDGIYSNLEIINKKHRELLIKEKENAFLSYELVSLEENLKIPEIENFALKNFSEEIISLFEKHSAIALIKTYKKDILKQEKENADQKSLFKQEPTTNSLDDINTIDTENVKYRSITTKIELDDLIESLKKAKYISIDTETSSLDTYTAKLIGISISFKEFEGYYIPIEAKGKIYIEKNYIIQKFNNLFESNPKIIGQNYKFDYKILKNNGFNPIPPYFDTMIAAYLIDTNSKVSLDFLAEKYLMHKNIKYEDVIQKNDNFANISLEMATSYSSEDADITFRLFNIFTKKLKEDKLDKLMHEIEMPFNKVIIEMEENGIYLDKEYLKEYGKELGKELEAIENEIIKSIGIDFNLNSPKQMHEILFEKLNLKLPEKMKKDSTDIKVLESLREQHESIENLIKYRQIAKLKSTYTDNLIELINYKTNRLHTSFIQTKTATGRITSINPNLQNIPIKDEKGRKIRKAFKPENGNIFISADYSQIELAILAHLSQDEVLIKAFENNKDIHTETASKLFKIEEKEITPNLRRIAKSINFGIIYRMSDFRLAKELGITKEEAKGFINSYFDSYPKIKEFIINQINFVRNAGYSETILKRRRYIKEINSNNYLERSAAERIAINSIIQGSAADIMKIAMVKVFNEFKSKKMESKILLQVHDEMLIESPIEEENEVKKILKIMMETAYTLNLPLRANIETGKSWGEIH

>BB0549

MSANEILKKHFRNLLLELKELKLILTIESNELQREEIEILSITNPKKDLILESIKNYYKTINAWLKFKNQKLDNFDYLIKEINLLKEEIYIKYQICCEILQQIANAKRKIPKIKKLQNLAVNNSPIMLDIKI

>BB0550

MIAKEKIYKQTQVNTSNPLSILIMLYEKAIQDLKVAKELIKDENWQNAVKANEKIFHAQEIITELMSTLNFEQGGNISTNLLSIYLFLNKELENVLLKKEIHKIDNVIKQLQILSFAWKKLSKKENNITQSNNVTQSKLGINIVG

>BB0551

MDKRSASLEESKKALIADDSLFMRKNLIKILSQLGFKEFLEAEDGIQAVKEFEKQNNIDLITLDITMMGMDGITALERMYEINKKLLKKVNILMVTAIGKQELIQKALSLGARGYITKPFKKEQIIEQIKLLD

>BB0552

MSSKVQQEIADLKKLIRKWDKEYYVDSLPSVEDFVYDKHILRLQELESKYPEYKTLDSPTLKFGSDLLNDFKEVEHSAPILSLDKVYDLDLLKSWIDKIDFNNSFNISVEPKIDGCSIVLYYKDGVLEKALTRGNGKFGNDVTINVRTIRYIPLFLDEKVDLVLRGEVYITKENFLKINKFLEKPYTNSRNLASGILRRVDSREVANFPLNIFIYDFLNAGLEFKTNDLATARLKKLGFKVNPLIRFFDLKNSIGEVLNYIADITKKRDSFEYEIDGVVLKVSDFALRERLGYTAHHPKWAMAYKFEALSGFSRVNSIVVQVGRSGKITPVANIDKVFVSGAFITSATLHNQDYIRSIGLNVGDVVKVSRRGDVIPAVEMVINKFSTGFFKVPDNCPACKTAVVKEGAHFFCPNNNCPSVAVERIKYFCSKNCMDIEGFSDKIISFLFEKKFIFSEIDLYTFDFYKLLEFKGFKDRKINNLINSIEASKKKPFSKLLLSMGIKDLGENTIRLLFLNNLNSFSKLFKLCQDRYFAFSTLLKIKGIGEKIALNIIEAFNDSVMLNKFKFFENLEFKMEEVVAIDGENKLLAGKKFCITGTFNGYSRSIIIDKLKNKGAIFNTCVTGSLDFLIVGEKAGSKLKKALSLNIKIMSFEDIKSYLD

>BB0553

MNKTKNRSLTYFIILSCISLFGANNNTISYSSIEIPLEDLSEEFKSSGNKSDQINTSKHLNKNIVSYEDPKKGKDLKLPENIRDKKLPQKRMDENDLKSVIENYENKIKNIEKLLKTKNQKTSENENKKIESIEKKAKKYEILTNKLKNEIVEIKKLLNKKIKPKEDENYEKINIENIEEETDDDFEDNYEYNDEIEXTNEDNYPSNEGIINNLKENLNENEKYYAINEKKIDELEDRINENENTILDLQRELRNFKKKDNSDKNLEEIEENLSSIGRIINDLKRKISANEAINKENQKKIRTDKHKLKELEDKIKENEETILKLQKELNNFKKKEIYQKPLNEETFTPSITSKNDDLEENKKLKKEYLKPIEKKESRDLEENTKSTPKTTMIKTADFQIYPDIYLNNYKFKEKGDQFAFKKENTYYIEIDPTNNLNEALKNHEIISKYKFEKYFINPILKNKEEFFRNLIEVKNIHELGIMYKNLKPEFKQIKIIK

>BB0554

MVEFLSLTNVDAHEFWALPVCCNVKDSFIEDFSFVDEHVNSIFSISYKDNITLKFRDFVDSNEFNLKLFDNKISFEGQIPLVLYSDNLDYLLKAEKSVLFNLRVGDANSSYSSGFTKKESGTCNVLNACYEFSDYNSFSDDFILVKIFFDSENLIIDANVDNISFLKFFISENFGVSKDKIKINSLDNYWSSSIFPISFNAILQGIVISKKINKRVNIVYYKRHFGILDNLNLTFSVSNCLVADNKLSKIILEIIINRPLNFLYKFYFKFINNIFKNLFFDGFLEIFFVENKSDFIFFYDNLLAFETSVYNFIYSNFYNLALSMSCEPIGYLLTQIKGDYASFLKIFKKLDLKNSLIKKSAVLSVNKDYDIFDTSRRGVGFAYLNSSAYFLSEEQYVVAFLYKDGLNVFLPYSIIDNNLSNYLKNSLAKTLGLPYSSVNFLIGESVLDFGNFYNLLFKDPYLIEKAILSIKDNFSSLIDSDFINEYPVVFKEKIAISDVNDCVLGCSVELKFEFYSLSAVFSNVSFFVEQGKFTKLKLNNKRIRTIFGLAVDYVFCRANVSCDIKDCLSLEFIEDGEFIFSFRSVFIVSVSAIRTALIQVFDFNASKTPLDFEEILNSWSIKIDIN

>BB0555

MTLINFNLNGESISKKISLSLGTRNLLDSIFFAKSNSLEYIVNNRFFLILLDFKLVYSDLIPAFILNGRNVVTLEGLKKKSFYKHMQKILLEDDFNFCSNCFESNILLFYYFLENEIVSKSDILGYRKSLKCNCMDVNTFLSLYLKAEELYRKNG

>BB0556

MANVKVYYPESFNILSNLFNKNLNNYIIYNELDFKKNPDLFNRETPIDNFFIVGNFEKFNKVSLRGNFLEMGPCVTYNEILRIGKKNIPSLFYEFISKFNDKIYLNSINLANGFYYKNTVFDIYPLLISLDAQIEFKNVLTKKTYVFSAYNLNRAEYIANRNTVLITKFKFPMMNLWNRSFYHKIFFNTLSFDILEESDIIFICILLNIKRDIINDFLLKIFYDDKVIVIKDFQILLLNKSLPLSFSEIENSLKMLDKNIRDSKNFNIGERNLKLIKNFYLDILMSFNF

>BB0557

MVKKEAIIKAVNGLHVRPASTFVKKAKEYSSEITIESDGKSVSGKSLFRLQTLELSSGKKLLICAEGEDEEIAASELAELIESFKE

>BB0558

MTLSGKRISKGIGIGEVLCIRKNFDKIISREKIDFSQVDSEISKFNKAKSKAIEALRDLERKAMLQFGDDKKGIFEGQVLIVEDDELDELVIELIVKENYSAAYSIYLAFENLVKSVEDYKDPYLKERASDYKDIRNRLISIILGQVSDFSEINKDIILVTEELTPSDTMQFDLNYVKGFLTAVGGETSHAAILARTMGLPALVMTLSDIDALKDGDKIVIDAMSSIVIKNPSSDEINLYEGKILRQVELEKELFSLKDKDAETKDGTKVFLKANIGTPVDITYVNKYGVEGIGLFRTEFLYMRSLQPPTEDEQFETYKRVIETMEKKGVVTIRTLDVGGDKEIPYLNFKKEENPFLGFRALRMYKEYEELIQAQFNAIFRASHYGKIRVMVPMLTIYEEIETIEYFVNNAKINLKSRGLPFDENLEVGCMIEVPSAALISSKLANKLKFFSIGTNDLTQYVLAVDRGNQKISNLYDKYNPAVLKLIKKVLDDGVSSGIDVSVCGELGGDDAGALLLVGLGFRSLSMIPSATLRIKYLLKKYTIMELEELANKVLNSDSKQETLSYFDKFIGD

>BB0559

MGFLDFFKKTATLDLIAPISGKVMSIDKVPDEAFAEKIVGDGIAILPTSNELLAPCDGKIGKIFKTNHAFSLETKEGVEIFVHFGINTLNLNGKGFTRVAEEGINVKQGEVIIRLDLEYLKEHSESVITPVVIANSDEVSSIEYSFGRLENDSEYILSSSTVLTEEIRHKISQTKPVIAGKDLVLRVKK

>BB0560

MILIFYFKQIALFIIFRLCYIIKKVKIKLKRKSCMKKQFDTEVNDLLYLIIHSLYSHKEIFLRELISNASDAIDKLKFLSLTNEKFKNIALEPKIEISFDDKSILIKDNGIGMDEQDLTNHLGVIAKSGTKEFINNLKQDEKKSASLIGQFGVGFYSAFIVSEKVEVTSKKALESDAYIWSSDGKTGYEIEKAKKEESGTEIKLYLNKEGLEYANKWKIQEIIKKYSNHINYPIYIKYSEPIMKDGKQEGIEEKEEKLNETTALWTKNKSEIKAEEYNEFYKNTTFDYENPLMHIHTKAEGNLEYTNLFYVPSKAPYDLYYPNTKPGVKLFINRIFITDSEGSLLPNYLRFIKGIIDCQDLPLNVSREILQQNKILSKIKSSSVKKILSELEKLSKKNPEKFSEFSKEFGRCIKEGVYSDFENREKLISLIRFKSSSVDGFVSFKEYKERMNESQKSIYYITGGKENILKENPIVAAYKEKGFEILIMDDELDEAILNLIPEYEGLKLKAINKNETSNELKDENFKKIEEEFKDTLTKVKEILKDHIKEVNLSATLIKEPSAIIIDSNDPTYQMQKIMLSMGQEVKEIKPILELNPNNKIVQNLKNLEPEKLEKISILLFEEAMLTSGMPSKNPGKFINIINEFIEKDFL

>BB0561

MDVGIYGLGVMGSNLALNIADNGFNVSVYNRDNEKTEIFVKQNSHKKINGFKDIESFVKSLKTPKKIILMVTSSAIEKVIEQILPFMNKSDIIIDGGNSHYKSTMRLEKELFAKDIYFVGLGISGGERGARFGPALMYGGSKSAYEILEPMLNKIAAKTKNNDICSTYIGENGSGHYVKMIHNGVEYADMQLISEVYFFMKKAFNLDNLKISEVFEKWNEGDLSGYLLEITSKILKYKENNEYLVDKILDIANQKGTGVWTAIDALESGVPVNLIVESVFSRFMSGLKHERIIASDLLKMDTSSFEFELSDWILDLYYALLVSKIVAYAQGFMMLKTASVNYGWDLNLGKISLVWREGCIIRSSFLDKIKLAYDKNPHLINLLFDDYFLDLLKNNHKSLRRIISKASEIGIPLPAFYASLSFLDSYSTNYLPSNLIQAQRDFFGAHSFERLDSKRGEFFHSAWQ

>BB0562

MKKIFILFIMIANISTNGFTKDSYLNRGIGFGASIGNPIINLIMSFPFIDFEIGYGGSNGINLSGPKLESKFYDFNLLAIAALDFIFTISLIKNLNLGIGIGGNISISSHTSKLINVELGFGMRIPLVIFYDITENLEIGMKIAPSIEFISNTRSLAQHRTYSGIKSNFAGGIFAKYYIF

>BB0563

MLYLGDNKAMRTKIIIMTIIILLAPISGFSNSKESARGKFGAGIILPLPIALQINIGNFDLDIGLYSGVNNLFSDWKTLFIALDYIFYIYTFPGAANILDFSVGAGGYGTIWFSRFGGSKSGSGPMSIGARLPLALNIAVFRKKFDIFLRIAPGLGMNVWSNGVGFRWEVFAGLGLRFWFT

>BB0564

MQSKNKLIRLLIIIITLFFNVENIFTNEKSKNNITGQNSTTDPKIESLKAKTKIKFGFILPYPTAIEFSINNFDIGVGVTILSVSEFFPKSPIALLFKIYCDYIFLNLKFKDSNFIFFLGSSLFFEIGKITSSDLTNVSSGITYKIGVGLPLGIIYEAYYDIIEIIIKTTPSIFIGQMPNGNLIFPIKGNFSIGIKGSLKI

>BB0565

MSTDSDVQDSLSQYLLFSLDELYAIEIKYVVEVLEYTKISKIPRTPNYMAGIINNRGKIVPIIDIRKQFGMSDRAVDEDDKKRNKGVNISNIIILNLVYEGDEFNLGILVDYVNEVLELDPFSIDDAPKIGSGFNSKFISGIGKSNDKFIIILNVENLFDVRELSKFRNTTIYDPEYQQQ

>BB0566

MIYRPEGELVINSIFKVKEDLLHIFKKMKEGDTLIIDLSNVEKIDITFIQILYASNKYAKNRNLFVKIEYPSDEVLSSLIYGGFLVDIEDVDSFDLGLNLVGF

>BB0567

MDSSDVIDKFKNSFKEESIENISDIEQALLNLEVSSDQDIVNSIFRNLHTIKGSSGMFGFNFTASLVHEIETVLDVVKNGKAAFNQAAIDATLMSVDFIRELIEGDEVISEIDFDKRKQFLVNEIRKVLDISNDVKGAFQEALENDFSKSDNSSVLEESVKVNSENKFDDEALQSEFKSYKILFSPAKGILFHGHKPINLLSKLINLGSGYVRAKVDNIPDLELISPDNVYVDWEIRLDTEESRESIEDIFTFLDSQSKIDIQELDKCLEANEGDNVESKNFNLLHLDRNSKDLTNSSFEKSAFVGKSFFNGDKNRSNIQDDTARSKVNIASIKVDSKKLDHLVNLVGELVTIQSKLSKEAENRNSNILNSISAEFSLLINELRDYTTGLRTVPIEILFVKFQRIVKDLSTSLGKSILYHASGGDTVLDKSIIEKLNEPLVHLIRNSIDHGIESAQERESLGKDPKGIIKLSACQSGDSVIVIIEDDGRGLDKNKILKKAIERNIISDSVAKTLSEIDVYNLIFEPGFSTASSVTDISGRGVGMDVVKKQVESLRGHVVLESEFGKYTRIKLIFPLTLAIIEGWLVRVKDEHFIVPLSNVESCLESNKLISQIDGIETKSNVMNYRGSMISYIRLREFFQVSSEKSLSEQVVVVNTNSGKMGIVVDEVLGQHQTVIKALGKIYSRVEGVSGATILGDGSLALVVDIDAITKLIK

>BB0568

MKILVIDIQGLIKQVFVRAFSKDNDVEILNAGFNSLNLINVFLQKFPDLVIIDENTARSNFGNSLNNVLNNISLPVVFIAQNEMLPNFGCLEQSKEKVKLIINKLNFKLTVDLFRSKYLALIKLELKNLGKNKLISSFEVKRIQAPDFSSNSKVELRENNLNDSSIRKSYRVSDVINFAPKNDPDVIIKYQGLINKHKTGKIIVVGSSTGGTEALRIFLRSFKKDSPPIIIVQHMPGGFTKSFAKNLNNEFNIDIKEAEDGDILRPGLVIIANGSYHLIVKYSSGNYFVNLLDGPLVSRHKPSVNVLFRSAAMYAGSNAIGVILTGMGDDGAVCMLEMKKNGAYTIAQDQETSVVFGMPMEAIKIGAVDKILPLSEIADHVLRRS

>BB0569

MDNDNNGFDANDCLATLFHKLEAFDESTRHIYSNLSKSIPKLIEKISKDSKDLSFSIDLISNLDLDNDSSLNNFIAKIIGALDDFVAYFNSSTTSLESQFSIIRSKVKDIEILEDVIERMKKSSLDMEIMSINTLTVAMRAGKAGGAFSYITSEIKVLTQSMIKQADQLTSKGREVKIGLDRAKNQVYESNTAENKILEEFRDNLMKKIDAFSDGIGSVIALYDDILKVLSEFKFKLVNSISYLQFQDRLTQSLQHLNIMYSNIDVFKFRDISEIQKLKILSVFTDTSKVIVKDVLEKLEKNYTVFEKFIDSSLSSIQTINDLRSDNSLYIDIPKIIEQFSSILSDLLRRIDDVEKNNSNFLNLYYEQVKLIKSLELMFSNISAISARFQNINIASKIEVVKRSELKAMEGNISEMSKIIKEIDSNITKGIEFLDQIIFFLEKVVKDYDNRFYLEKNYFNKFKKLFIEIKNDILDIKNIAIDNILSYEVFSIEFMEIFEEIKLEVYNVRNLKNSLLDIDNFLSNMESKINFNLNLELSKVGIQSVEIEDKEFVNRIANRFTLFVHKKHLLSLIEEAEDVHSFDEGSVILF

>BB0570

MKKRILVIDDNRAIRQSVAYILEQNGFGVSEAKDGLEGVLRFKEAVGQGDKDFDLVITDINMPNLDGIGVIKQIREFGSFVPILVLTTESEQSKVDEGRKAGATGWLVKPFNPEALMKTISKIF

>BB0571

MLEIISLGGGVINSNQINIEFIKNFKNFVFKWLLENEKRKIILIVGGGRVAREYQDAYKKINPDFKVHELDEIGIISTRLNAEFLSKVMNPFCKDKIVTNPLKNFSFKGKILIASGWKSGFSTDYIAVKFAEKFNKKDIINITNVNQVYDKDPKKFKNATAFKKLNWKQLQNIVGQKWNPGLNLPFDPIATKLSSKLGLTLYIVNGNNIENLEKVFNKNNDFFGTIIVK

>BB0572

MEDIVHKYKVSVIICFFNSAETLDAMIKDAVNQTLKDKEIILIDDGSYDGSLEIAEKYANKYSFIKIFSQKNMGLSASRDKGLSEAQGEYVIYWDGDDSVESTMLEVLYNRAKADNSDIVCSQFYIYFLAINVKRKSLLPFPNYPLTGKEAFKNLLFTVYATFGRKNFVVGTLWDKLIRRELILKNNIRQQNVVFEDIVFVMQIFLKASKVSFVNNYFYTNFQRMGSMSSSISVLHKSKLSLNTMETLLKREGIFNECQNLYKKFFLQFYYFISFKQIYIISWNISDKLVYRAYKEKLISVLDEIKGLSEFQDCYEYAKSFGFNEIQILPRIMLKIWNFSSRLYVNFSIFIYKFFIKN

>BB0573

MFMAIEAVNVKFSYKRKEVYSDLNLNIETPQAYLLLGKNGVGKTTLLKLVSGLLEPLKGKILFNSLAXFPRNPLNLVNLFFIPEEFSLPRLSLAEYSKALSIFYPNFNEADFKKYLSDFDLDISLDLSSASFGQKKKSIIAFSLAANVSCLLFDEPTNSLDIVSKNVFRNMLSNLKDRIIFITGHNVRDLAGVVDYLIIVGEKSILFSNSVSYINKNYKIKIISELNGNELYYEKNKDGFKALYFESSNGAEVVDIEFFFLYVTENKKKR

>BB0574

MFSLKRFLNLFYFDFIYNKKFYTLLIIQVLGMIFISYLLVRFYFNFSATDFLKFFAPKIFILTLIISIFTMCDYYKVIHDPFRNILYLSLPVSTFEHYFFNLIKYLFALPLILIFIYYLGVNIFLFLDNAFFLRGEGTPFLELRYFYDFLFVRYFNFLSIFPIFMFFRITFKTHPFVKVLIFFLGTIVLLFFSTSFLYLGFKYVPCSSDLIFSFDRFLGDLFFKIVYSLGFFLYLASYFKIVDFGSIRKKSNLFAILGFLVFLAMFNYYYLTKGSLYCFVNYN

>BB0575

MKKNLKILVITGGVISGIGKGVTSASIARLFRYDFRVTPIKCDGYLNTDPGTINPVEHGEVFVLDDGGEVDMDFGHYERFLNLNAKSSWNITMGKIYKKILENERKGKYLGRTVQLIPHVTDEIKSTIFQIASSENSDMLIIEIGGTVGDMENILFIETVRQIRQEIGSGNISFIHLTYVPSPAGINEQKSKPTQQSVKTLNKAGIFPDLIIARSSQVLTDQIRKKVAMFCNVESTSIIDNVDVSTIYEIPISFYKQGVHEILSSKLNIKVDPKIEELSKLVGVIKSNFFVPKKIINIAICGKYAELDDSYASIRESLVHVAAHLDLLIKSTLIDSNDLNESCLKEFDGIIVPGGFGGKGYEGKIMAIKYARENNIPFLGICLGLQLAVIEFARNVCGILDADTEENLARDKPLKSPVIHLLPEQKGIKDKGATMRLGGYPVILKKNTIAFKLYGQDRIIERFRHRYEVNNDYIDLFAKNGLIVSGFSSDFKMAKLIEIPENKFFVACQFHPELITRIENPAKLFLGLIKACI

>BB0576

MPKMKGKIMLIKFMFSNINLILIVSMTLFKILLEIIYRKILLKKIITSTETLNAEKKQYKIIVIFVLALNHLLQSFLINALINLFNNLITLTNNSLGSLIDLNYNILSAILISSITWLAFSLPKVINDIIYEKRPFNLTIANAFFDLLTIILLTIFSKLFLSYKILQFENTTNINFGNLPTH

>BB0577

MKEEDIRKTILMKRLVKYFFDELKYRMKIRCLRISNKEVSTKYILLNLFRKIANLPFNKQYEIEEQFALEVGERVVLTDAVLIKRIDHERCVIVGIVEAKTDQVDLDYEFNRFFLQDKKINVLFWQPKKVILKQDDKLFTVESDDIFNFDNDFNLPKVKAKLEEFIDIFLCFFSYRDVLFEYNEVSGRYSWVKRK

>BB0578

MKKFSFFKKKKKAVDLNLLNVVGNDKKDLSTYEYKAPVKEMLKGFYHTKASISTLKVGFESLQRILFSEIEDFDQIFSTFVEMTNNARNQISVIFSDLGKNNKEKLNQISSVIVGIQGSLETISNFLGATNMISLNAKLEAARAKEYGKGFSVVADEIKRLSDQAKGVMNMISVKEIEEVSKDLISHNLKDLQIDIDKFFAEILEQLNYLESIFKRFSRSQEEFSSLIESLESIDANMAYYSRNCDSLIGSDTFMLSNDEFLKELEFIISDQFSWINNLRLLVEGQRTIFIQTDASKHGFGLFYKGLSPKNDAIRQLWEEVYIPYLNINKFAAEILIIFRVENRSDSGLRQAKDFLSQAESLSEEIVRKLEHIKKMVIELDNQGISIFS

>BB0579

MLKIKFYFDKIILGMSFRSRFIHLHVHSDYSLLDGAAKISDIISKAKKCNMSHIALTDHGNLFGAIKFYKEAKKAGIKPIIGIEAYMAKTSKFLKKQDDLGKMSYHLILLAKNELGYKNLLKLTSISYLEGFYYRPRIDKDDLEKYSEGLICTSACIGGLIPRLILANRFEDAKNEILWFKKVFGNDFYLELQRHGIKDQDIVNERLVKYSRELGVPLTAANDSHYVNREDATAQDIIVCIGTGAKKSDENRLKMETNEFYIKSQEEMCELFNDLPEALENTVRIAEKCDDFKITFPGPILPDYQIPVEFNTLGEYLEHLTLEGLKFRYKNLTSKIKDRAFYELSVIIGMGFEGYFLIVWDFIKFAHDNDIPVGAGRGSGAGSIVAYALRITDIDPLKYNLLFERFLNPERISMPDFDIDFCFEGRDEIIKYVTNKYGEDKVAQIITFGTLKPKAVVKDVARVLDIPFAESNELTKFIPDGPKVSLKEVLDDNSLKECFTSKPVYKELMNAALVLEGMNRHASTHAAGIVISKTPLTDYVPLYKDYKQGSVSTQYTMDLLEECGLVKMDFLGLKTLTLIKNAENLIRSVNPDFKIKNIPDNDVKTFNMLGEGRSASVFQFESEGMQQILKDAKPDSIEDLIALNALYRPGPMQFIPQFIAAKKGVKRIKYPHPDLKEVLRPTYGVIVYQEQVMEVAKIIGGFSLGKADILRRAMGKKKEDEMNEMKVDFLRGAIEKGYDKEIASEIFELLKPFSGYGFNKSHAAAYSLIAYQTAYLKANYPEYFMAANLTNEINNNDKLSYYIEESKAIGINVLKPDINRSFREFRVTDSGISYGLNGIKNLGGIVVDLIIDEREKNGKYSSFEDFIRRVDDKVINKKFLESAIKSGLFDSLDQNRKTLFENLDHLIEVVSEDKNNKKLGQNSLFGALESQDPIQQSFNYQTFKEYSYSELLGFEKELLGFYVSGHPLDPYKKAIDSFSSLNVLTDLAAKKDSIVQFSGILNSVKVIQTKRNNAKMAFGVIEDFKGAIDIVVFTESYERYRNFLLEGNVIGVVGRLTFNRDKFSIVVEKVVNIERLSEYKINNIHIKFLNNKLNDLQLLNSLKESISNFEDNSGFSNVYFYLRENGKDLKLKMNSILNFVPDEDKLDKLRKCVIVEDVWVD

>BB0580

MVVLIQILMVFLQIYRILILIRILLSWLVSSGINTNVFFRFIHVVTEPFLSFFRKIPLFTFGMFDFSPIAALITLTIFERMLAYGNYKLSTFIILFIVEVWEIFRSIFIAIVFFLLLRLLLLLLNLFQGSDFFKTVDSFLLPLSTKISGVITDKHMSYTLRLIVGSALMVAFIIIIEQVVFAIRALGTYLPF

>BB0581

MFLHEFEYELKGIGGLGEKGVERLNNLQIFNVKDLIEFFPVKYEDRQNIQTFPDFSKVKSCDMMTVFTVLGHKKFGDSSKKNLKLTVKSINEEPFEILLFNRAFLENVFKIDKKFYIYSKFTYNDYSGLWSCSNFDSEVYSDKPERFKKILPVYSLTEGLTSKKISLYVKEALEYFFKFGQTDIPRFLIEKYSLLSLSDALKEIHFPSSLEMLEKAKKTLIYREIFLLQFFSRYRSSKILFREKKDLSKDLLEKVVSSLPFELTEDQKISIDEIFFDLNSSKPMNRLLQGDVGSGKTLVALLSGLPLIEAGYQVAFMAPTDLLARQHYDNLSNILAPFNISMTLLTGSLRKKDKEQALESIRNGTSGLIVGTHAIFYESTEFKRLAYVIIDEQHKFGVVQREELKNKGEGVDMLLMSATPIPRSFALTLFGDLEVSFIKTLPKGRLPITTYLARHGNEDKVYEFLRKELLKGHQVYFVYPLISSSEKFELKDVNNMCLKLKEVFGEYVVDMLHSKLPSDLKEEIMKNFYSKKVDILVATSVIEVGIDCPNATCMVVEHAERFGLSTLHQIRGRVGRSNLQSFFFLLYKEPLTSAGKFRLKTIKENLDGFKIAEEDLRLRGPGNLFGLEQAGYLKLKIANFVDDREIIVLVREELDLFFYDNSAYDKLDIDLLDNLFCSYLNAGRSI

>BB0582

MKSIYALLFLFINLSLLANNISKKDLEVLLKIAQAMNKECKNFIEKNPIQFLKEIKPLVDAEKNNLLTLINKKIPIPENYKIPDLVNIDDFEDLKNLGAKTIKVRKILIEDLIRLIKDAKKFGIEIKIKSAYRTQEYQKFLFDYNVKTYGRKVAETQSAIPGHSQHHMGTAIDFINIDDNLLNTKEGKWLYENSLKYGFSVSYPKGYETDTGYKAEPWHYLYIGPKPCFIQKKYFNNLQHKLLEFWNQNKTNLINLIEKYAN

>BB0583

MIKKFKNYDQIIKELFVIAIPTAFESLLFQMVTFFDNFMISYLGSFHVTGVSLANRVTFLFFIIVFGLGTALSAYVSQAIAKKKFLQVRQSFAYILLIGTTIGIIFFIFSFLFPRNIIKLFTANQDSLNFGSEYLKIISLSYVLMAYSFLSAMGFKSAKEVKIPLYVTSIVVLINIVFNYILIFGFSMGIKGAAYATVLARIVEFVFYFLYSLISSNSYYRIKFGDFFAPKVVTRANLKLIIPVLSHEIFWVLSITILHAFYARVGSIEYASFAVASNLFDICFVLLHGMGLATGVVIGHLMIYDKKHVRSVGFFLSFLGFLLGIFVVILLIGISSFAPYIFSKLDSPELVSVFIYVFASIVIFKAFTAQVLVGVFRASGIPNVCFFIESGVIVFYTLPVAYLLVFYTNLSLPIVVFIVNLEEIIKNIFIIIEFFHDDWIREIEYEELA

>BB0584

MEKFMYSLGVSKKDKIYKDLLKIAIPTAIEFFLFNFISLTDNAMVAYLGDYPVAGVSLANKFFELFVTIGFSMAGAYNIIATRQYNQGDFKSFRNTFFISILTIILFSFPFILISIVNPFFLLRLISNDERAVYYGAAYLNIAIFSFVFAIIKGLIANALKVVEIVKFQVYISVFSVLLNFVFNYIFIFVFHMGVVGAAIATTVIRTLELIVYLVCTAFNKNSILHFKLDDLNINIKPFAQLIKFFIPILLNEFAWFFGYLVLTSIFIGIDTHKYAAYSISFSIYFIIFNIIHSFCISLNIMMGYEMHNSKKEIMKVAIYLSKIGLKLAFLTSFVLFIFSFFAPYIFYTLKYSHLIGIILRYSSVSAFFMALAFQYLFGFFRAGASPSFGAIMEGSVTFVYTIPIAFVLANYTNLPFEIIVFIPSLEDAIKLVVSLPYFYSERWIKSV

>BB0585

MLLDEIKNLNFLIMGLGLNGGGVALSRFLLKRGAKLVITDLKSETELALSIDALRDFEDQIRYVLGKHDVNDFKNADIVVKNPGVKPNNKYLKFAKRIETDISLFLMFNKNPIVAVTGTKGKSTLVSLLYQALKEKYPGVKLGGNIGVSPLSFFDQLDGKSPLILELSSWQLQSLENFNPIISIITNVYNDHQNYYLNFDDYIIDKSKIFVNQTSGIVIIQDQAYCKYFSKFKSKVRVILFSEFNPCDFDQDIFYCNEGKVYFNDSLIGSFSNSRAVFIIPKVITFFVSYYLNIDLNRTGQILSNFKGIEHRLEFVKSVQNVMFYNDTASTIPESTVLSVKSLKTKDNRINLIVGGTDKELDFLSFSKIADIVRTWILIRGSATVKIIKILEKSSIQYFLFDSLRDAVNYAFKISSPGDIVLFSPASASFELFNNEFDRGLQFKNLVNNLG

>BB0586

MTIKKIKTKEMEENYLQSELWALIKTTKNSYWKAIAFESDVLGKIVVMQRRLFKNFYLAYIPHPEFSNKTLENINIDKISKSIKEFSIKIKPYLHKNTIFLRFDLMYYYQRTLNDKYSPLKTKIKYLKKSFDDIQPANTTILNLNNSLEEILLNMKKKTRYNIKLSTKKNLNIIIDDKFKHLSEFYKLYKETSKRDKFTIHSEEYIQNLIQIFKQDKNAQIKLIIAFYNNIIISGIIVGIYKEKAVYLYGASSKEYRNLMPNYAVQFKAIEMLKKLEIKEYDLLGIPPIANKNHPLYGLFSFKTGFGGNIIHRIGCYDFTYKNFIYKIYANLEKLRYFYYKVIRKKI

>BB0587

MKKMNLVTAALPYVNNIPHLGNLVQVLSADAFARYSKMSGIETLYVCGTDEYGTATETKALIENTTPLELCNKYYEIHKSIYKWFNIEFDIFGRTTNKNHQDIVQNFFLQLEKNGYIKERETEQFYCNKDSMFLADRYVIGECPECQSMAKGDQCDNCSKLLNPTDLINPKCIICKNKPILKKTNHLYLDLPKIKTKLEKWIKNPDTSKNWNTNALKMTKAFLRDGLKERAITRDLKWGIPVPKKGFENKVFYVWFDAPIGYISITKNIIKNWESWWKNNDQVNLVQFIGKDNILFHTIIFPCIEIGSEENWTILNQLSSSEYLNYENLKFSKSEGTGIFGNDAITTGIPSDIWRFYIYYNRPEKSDFQFMWQDLMERVNTELIDNFSNLVNRVLTFQRKFFGDVIETIEIQNKFWKQITPKYNKILNLFKKTELKSALKEILKISSLGNKIFQDNEPWKRKNNSPQETKELISNLIYLIRDLSILMMPFIPETSKKIQQFFGNSYQFSTKILGTKSGIKKIEFTEILFNKLEQKKINNLKLKYSGDKNMKENEQAENLPIAKEQPENLFREKVLLRVVKINKIERNPEAKNLFILKLDDGTNKDKQIVSGLEGYYTEEELLGKHIIIVDNLKPAKFRGIKSEGMLIAAEDKNKNFKVIIVEDSIQNPIAGERIILENDQNKDLACPPKIDINKFLKANIVAENGELKINGINLILENSKNKILSKDIPNGTVC

>BB0588

MNNCLIKFFIFLLVFSNSYVAFSKNVNVLIVTAMDSEFDQINKLMSNKEEIVLKEYGLNKKILKGKLSNRNVMVIICGVGKVNAGVWTSYILSKYNISHVINSGVAGGVVSAKYKDIKVGDVVVSSEVAYHDVDLTKFGYKVGQLTGGLPQKFNANKNLIKNAIEAIKSKVGGSNAYSGLIVSGDQFIDPTYINKIIGNFKDVIAVEMEGAAIGHVSHMFNIPFIVIRSISDIVNKEGNEVEYSKFSKIAAFNSAKVVQEILRKL

>BB0589

MLYSFYKVFCLKDYVFKKARIFVKENKLKANIVFPESSDSRVLKAAIVILQKNLADSIILIGKKDTVINSLKEFSNCNDILGRIEVVDPNSFPDIEMYLDEYWSLQKLKGVTKQSLKTQVLDEITFAMLMVRFGYAKSCVCGAVSTSAKVLSNALRIIPKLEGVKIISSFMIMDTLCTARNVDFCFGHNGILFFADCSVVVNPNSLELAEIALQSAKSFKDILNAKPKVALLSFSTKGSSSAKETEKVKNALNIVRNKESDLLIDGELQLDSAIIKDVAEKKCRESLVAGSANVLIFPNLDAGNIGYKLVERFAFAKAYGPFLQGFSKPISDLSRGCSVDEIVFASALMISI

>BB0590

MILSLLSMNINYNSITSIKQTLKERKIAPRKLWGQNYLINESIRQKIIESLDIKENEKIWEIGPGLGAMTEILLKKTNLLTAFEIDLKYSEILNEKFGKLKNFKLIKGDFLKKYKNENQNIDKIFSNLPYNIASKVISKLIEENFLKEMVFTVQKELADRITAKINSKNYSSFTVLVQSHFKVIKILDIGENNFYPAPKVKSTTLKLIPKKNNIKNFKEFNKLVRTVFSNRRKKLKNTIINFITNKATLRENFLKEYLDKRPENISVEEFIQISNTLNAYH

>BB0591

MILIFVLISLNLLIQYYLKLNLIYFNTMLALFFIIKNNKHLALSFIFCTILLLSFQARLNFKTLKKNIYQITNIKNFKKDSKTIVEVIDNKSNMYKYSFKNIENIYKIGDIIKIENQKIKLIKRPFFAKLREKYTNALNNFFTTLNPSYSHFSKAIILNIKSEITKYEKTLFQNAGIAHILVVSGLHFYLISLISYYFLLIITNEKLKYLILSIILLNYLILTGFAPSTVRAFLITESLIIYKLIYGKINLISCTSISFIINALAFPETLNSIGFQLSYLATIGISASVHLKNRYGLNRLESSMLTTFFIQIFTSPVIYINNFDLAPISILSNLIAIPLISIFLAITILSLITYFSSLNLFFPLDLINAYIFQAIKITAAFFSKFFIVKHHQIPIFLILSIFLITYIIYNNETKKN

>BB0592

MQLLKNKYPFKRALLDLFLVYAIVYLASPFVNVNSEFWNVDENHFYFWISRSFLIIFIIYFFKLTSSYDDFRVEFFIPKFKFIFLWDSVLIFIKTILIAMIVIFLIAFLLEYLLPESVLVYYFQNNAGFNWKISSKKAFFLMTFTSFFTGAFEELFYRAFVITKFTQMGFPVVATAILSSMFFAYGHLYYGILGFLVTFILGIFFAFTYLRYKNVYYVIFIHSFYNIIVSSLLLFLN

>BB0593

MSDTVPKRFKDVVALYSELDIFMYKEGESKSFKKQIYADFWNETKRVASGLLHCGIKRGEKVVIISDSRREWIIIDVATLGLGCVDVPRGNDSSEDELAYIINHSESTFIFVENNKQLHKVLSKKHDLRLVRCIVVIDDDKSYEEKIGNITVFSYKKLLELGTEYLRANPKSFDMEIEKGSSKDIATIIYTSGTTGMPKGVMLRHESFIFQLDRLYDYLPTLKPGKIMISILPLWHSFERACEYIVALKGIAIAYSKPIGPVLLKDFLLLNPQMIVSVPRIWEGIRIGIIKKVSESFIKKFVFGGFLKVGIIYAKLKERFLGLSPIYKKTNFLISLFSKLFLFIGIVLIFPIKLLGDILVFKKIKNALGQNFEFGVSGGGALVDYVDYFFKAVGIKVLEGYGLTETGPILSVRRLKGPVAKTVGPILPDVEYKVVGIDGRVLPYGEKGELWVRSPQIMSGYFKDKAKTSEVLTEDGWFNTGDLVRLTINNEISIVGRSKDTIVLRGGENIEPEPLERVLGKSLFIENIMIVGQDQKFLGAVIVPNFDNLEKWANSSGVSFSSRSDLLANEDVNKLYSKHISDTINTKLGFKNFEKIVGFVLLQDPFTIGEELTNTLKLKRYYISKKYEDKIKLIFSKSDLDLNGY

>BB0594

MLKRKKMNKSVKKKIKDEINVIVTNLALSNNIKLDNININIQKPPKSDLGDISILMFEIGKTLKLPIEIISEEIIKNLKTKYEIKAVGPYLNIKISRKEYINNTIQMVNTQKDTYGTSKYLDNKKIILEFSSPNTNKPLHVGHLRNDVIGESLSRILKAVGAKITKINLINDRGVHICKSMLAYKKFGNGITPEKAFKKGDHLIGDFYVKYNKYSQENENAEKEIQDLLLLWEQKDVSTIELWKKLNKWAIEGIKETYEITNTSFDKIYLESEIFKIGKNVVLEGLEKGFCYKREDGAICIDLPSDSDEKADTKVKQKVLIRSNGTSIYLTQDLGNIAVRTKEFNFEEMIYVVGSEQIQHFKSLFFVAEKLGLSKNKKLIHLSHGMVNLVDGKMKSREGNVIDADNLISNLIELIIPEMTQKIENKESAKKNALNIALGAIHYYLLKSAIHKDIVFNKKESLSFTGNSGPYIQYVGARINSILEKYKALSIPVMEKIDFELLKHEKEWEIIKIISELEENIINAAKDLNPSILTSYSYSLAKHFSTYYQEVKVIDTNNINLTAARIEFLKAILQTIKNCMYLLNIPYMLKM

>BB0595

MQKKTFYNTEKYLKSHLMLFPIFAYTKNFLDASIASVWISICIILPALIINQIELKKQKSHILGIYLLIIGIFTSLTYLVMLYLTPTLYKEFKFSIPILIAIIISFHKNEPFKILKNPSMIIKYSKIPILIFITLSSTTSLIREILNTGNLKLFNNEIPIIKGLINIKMSAHSSNIFIVASLFLLLINMLTKIKEKKMNKSVKEEKNE

>BB0596

MKRKKLNSNLFYKFNFIILAYTIIIIATTFLLLDQGYKKIITKELQDFTKFINQAMIKSFSDESKEIIKALSILTTRYDYRSAILNNKNEEHLVSDKILITLPSFIKIIEYTNKDGYIIASSEKKRTSQYISLKELLLGKALTAFQISILHNSLAKINNNFYIPIAYKITDSKKSNVGYIILYADISEKIAELKEYLLLLLENSLLEQNASTENSSKYFNVYIINSSGDAFGGKDEILKNIKHIFGFNPKTLTEILNTLSQGKANYNTSNSNEIISLARITTSNWYLGIKIDYNNIFSKEFKNMRLVSLSIIFILVIIFILIMISTIKTLIISKIDKLNVVIPKVKNGDLTFKIESKGKDSISSTINLFGHFIENLKNVINSLQERVKLLKENGDHLFSEINKTHNTIKNSNQYIEKTQEEVEKQVEFISNTTNIIESLSKNISSLDNSIETQAASVEQSSSAIEEMIGGIQSITEITQKAAKSTEELKRFSDDGRKKQEEVITQIKEIFKNSTRLQEANSLISSIASQTNLLSMNAAIEASHAGEAGKGFAIVAEEIKDLAEQVTSQSESVASSINEIMDSITKTVNTSELTNKAFNQIFDSINLVVQVIEEINHTMQEQSIGSQEILKALNTMREITYEVKIGSNDMFRGNKEIISTIKLLGEINITVSNSMKGLKEEINTLVEAIERIKVLGTTNSSHISGISESINQFKTK

>BB0597

MTDENLIDVNLKNTKRFLYLVLFGFLFLNFLFIGYAYMNHKNEYLDRFKFDSKLFLNSVSAVIKAKYSESSRFLEELIRDSYRFGILVNSSKSFLLSSSLKLGDSLDENSDLFLRSREFNSIDKIFKTIPLAEDSLEGIFYIPIGKNVLISNSNFSSLGLKDVRLDPIYSVPVEKNSKYYSRYMQIDGKIYSIISFPVRDSVSTLGVIGILICFDESLDIIENQLYSSLKFGSKNYNFFMLDRNYMPIFSNLNNLQAKSFSTAYSENFLSKVIAYAKKDSSSSQYTFNYERDFYSLNFVKTDDFLTQGLILNVNSIPIMFKSNWVIFVAFLLLSFAIIFYLCNTFVFSLINDFNRIVDYQKSKSDPFSLESPLEVKYSSSIISYISSKLDNLSSKSNESFEKIKFYSEDLNEYLEQIETAISNTESIDSSILVYEQLRDTFSRFEKSIVDILKGFESIADPINDHNKYISEISSNFEESVSFFYSIDKNLEIFNKVATINSTDIENIKSKVFDLNIVFENVNKNFADLLSQTNSLQSVNKLLVSISAQTNMLAMNAAIEAAKAGDAGKSFAVVAEEIRKLAINSGKYSKTIKDELKTVDSIIAVINSEIDTIYKNFIDIQDNVDNNFSRHEKVDLTLAKHFKEIGEFKERYLSHDTKIRDAKNMYKEIFNNHYFISGKFNNFSQDLKEFKVSKMNLDAVSSLQEYSSLVKSSKDKILKTKELIQKINDEIKDILF

>BB0598

MPKSLNNFLKKINIKPQTKNLANYTTYKIGNISKLFLTPKNIKEAENIFKAAIEEKIKLFILGGGSNILVNDEREIDFPIIYTGYLNKIEIHENKIVGECGADFESLCKIALDNSLSGLEFIYGLPGTLGGAVWMNARCFGNEISEILKKITFIDDKGKTICKEFKKEDFKYKISPFQNKNFFILKIELNLKKDNKKIIEEKMNKNKQARINRGHYLFPSGGSTFKNNKAFLKPSGQIIEECKLKGLSIGGATVSKYHGNFIININNATSKDIKSLIEKVKAEVYLKTGLLLEEEVLYIGFK

>BB0599

MILKLYNTRTKDFSELTNFENVKVYACGPTVYNYAHIGNFRTYIFGDLLIKTLRFLGYKVNYAMNITDIGHLTGDLDDGEDKVAKTAREKGLTVYEISEFFTEAFFNDCRKLNIVYPDKVLVASKHIPIMIEVVKILEEKKITYFSNGNVYFDTSCFKSYGEMAGIDLIDKDMTLPRVDVDKFKRNKTDFVLWFTNSKFKDQEMKWDSPWGFGYPSWHLECAAMNLEYFKDALDIHLGGVDHIGVHHINEIAIAECFLNKKWCDVFVHGEFLIMDYNKMSKSRGNFITVKDLEDQNFSPLDFRYLCLTSHYRNQLKFSLDNLQASKIARENLINKLSYFYESLDPVDLNTLNKDLKNFGFSVEKEYYDSFVEKISFDLNVAQGLALLWEIIKSDNLSFVSKLRLAFIFDEIMSLNLREEILKNLQNHDVVIDENMKALIEERRIAKCEKNFKRADEIRDFFAKKGFVLVDTKEGTKVKRG

>BB0600

MAIFLKNKYFYLSLIFIIFLFLFVFSGFLFYSKPIIYDISPIPTSHKDIIVIKGNNLGYSTGEININNNYLVKSSIISWNNTEIVFKITDEVNSGLIFVKGERGTSNELFLVISRQVPVKLNRKNIPFIFSEDKIILNANSSTLLQGMNLFSPFSTITIFLETKDKLYTILPQNILNVSENRVEFVSPKTLNSSGKLYVLLDNIQSNKVPFSVKNDFFKWTLSDFKEFVIIEEIYFSQDVSSNFDSNPQDINFNIFYLRPIENERQKITERNSEHLDFNIDNLFFENLKTNKFIFKTRVKTYKLNLEFLDAKYLESIEVNRDINNQEYKKYVQDKKKDYLSYSYVDLMSLDSLILSKTSGSNSVYKLAKAIIDVLTSNFKIVENNLSLKDSIEEKKISSGNLIVLTNLLFLKYDIPLRNIVGLYYDSNSLKLKEHFWFEFFLAGVGFVYFDIINAVLFKDSSKYFLNISDNYIQYGCKEDYDKNEFFDGYLDSGFLKYKSLTNGSYSLMHRFVLEDNF

>BB0601

MRDDQIFNLIEKEKLREREHIELIASENFTSLEIRQAVGSILTNKYAEGYPLNRYYGGCSFIDEIETLAISRAKELFGAKYANVQPHSGSQANMAAIMALISPGDRILGMQLSHGGHLTHGSRVNFSGIFFNTYFYGVSRDSELIDYDEVLKIAKDCRPNLIIAGASSYSREIDFKKFREIADDVSAYLLCDIAHIAGLIVAGFHNSSIDVAHLTTSTTHKTLRGPRGGIILSGKDFDKLVNFNGKEKPLFNAVNSTVFPGTQGGPLVHVIAGKAIAFKEALQESFKEYIANVIKNTKVMAEYFKSEGFRIVSGGTDNHLFLVDLSSSDLTGADAEKLLESVNITLNKNAIPFDKKSPSLASGIRIGGAAITSRGLNESDSLNVAKFIVRALKAKSDIELKQIKKEVVRFIRDFDMP

>BB0602

MPSPIRVFFLVLLFIFIFNPVLIAMLFILFPFILILFSFLGVFRIYFTRDYSYSRSREFEFYKLSFLLMAKLLSILGTVTGEQLNYVNFIINSLNLSERGKSELYTIFHSAITKNNNADKILYTLKLGYFQHKDLFIWLFATLKEINRLSRYKNLEAEKFISYVGVFLELESDGYEAYKDINIKIVNPYSVLGLTYSASDDEVKKAYKSLVIKYHPDKFANDPVRQKDANDKFIKIQDAYEKICKERNIR

>BB0603

MKSHILYKLIIFLTTSAAIFAADALKEKDIFKINPWMPTFGFENTSEFRLDMDELVPGFENKSKITIKLKPFEANPELGKDDPFSAYIKVEDLALKAEGKKGDQFKIDVGDITAQINMYDFFIKISTMTDFDFNKESLFSFAPMTGFKSTYYGFPSNDRAVRGTILARGTSKNIGTIQLGYKLPKLDLTFAIGGTGTGNRNQENDKDTPYNKTYQGILYGIQATWKPIKNLLDQNEDTKSVIAETPFELNFGLSGAYGNETFNNSSITYSLKDKSVVGNDLLSPTLSNSAILASFGAKYKLGLTKINDKNTYLILQMGTDFGIDPFASDFSIFGHISKAANFKKETPSDPNKKAEIFDPNGNALNFSKNTELGIAFSTGASIGFAWNKDTGEKESWAIKGSDSYSTRLFGEQDKKSGVALGISYGQNLYRSKDTEKRLKTISENAFQSLNVEISSYEDNKKGIINGLGWITSIGLYDILRQKSVENYPTTISSTTENNQTEQSSTSTKTTTPNLTFEDAMKLGLALYLDYAIPIASISTEAYVVPYIGAYILGPSNKLSSDATKIYLKTGLSLEKLIRFTTISLGWDSNNIIELANKNTNNAAIGSAFLQFKIAYSGS

>BB0604

MNSYDFITALVPIILIIIGLGIIKKPAYYVIPISLIATVAIVIFYKNLGIVNTSLAMLEGALMGIWPIATVIIAAIFTYKMSEDQKDIETIKNILSNVSSDRRIIVLLVAWGFGNFLEGVAGYGTAVAIPVSILIAMGFEPFFACLICLIMNTSSTAYGSVGIPITSLAQATNLDVNIVSSEIAFQLILPTLTIPFVLVILTGGGIKGLKGVFLLTLLSGMSMAISQVFISKTLGPELPAILGSILSMTITIVYARFFGNKETTERQSKNTISLSKGIIACSPYILIVTFIVLVSPLFNKIHEYLKTFQSTISIYPEANPLHFKWIISPGFLIILATTISYSIRGVPMLKQLKIFTLTLKKMALSSFIIICIVAISRLMTHSGMIRDLANGISIITGKFGPLFSPLIGAIGTFLTGSDTVSNVLFGPLQTQMAENIGANPYWLAAANTTGATGGKMISPQNITIATTTAGLIGQEGKLLSKTIIYALYYILATGLLVYLV

>BB0605

MNSIYVIGKLLLTLFLIFFPFCYNLFAVNLAEINKLSEYAKSIVLIDFDTKRILYSKKPNLVFPPASLTKIVTIYTALIEAEKRNIKLKSIVPISDSASYYNAPPNSSLMFLEKGQIVNFEEILKGLSVSSGNDSSIAIAEFVVGNLNSFVNLMNINVLNLGLFNMHFVEPSGYSSENKITALDMAFFVKSYIEKFKFMLNIHSLKYFIYPKSRNLGTALSSKFLNLKQRNANLLIYDYPYSDGIKTGYIKESGLNLVATAKKGERRLIAVVLGVEKGINGFGEKMRSSIAKNLFEYGFNKYSKFPLIVKLKEKVYNGTVDTVALFSKEPFYYILTKDEFDKINISYTVDKLVAPLSGDMPVGRAMIFLENEKIGDVALFSGKVKRLGFWQGLYKSFINLFSREY

>BB0606

MLNHFNFKLKRDVTIIVPGEAFVSNKRVISTILGSCVAVVLCDESNNLIGMNHYVLVKSDLDISPDQRGRYGIYAIPMLINAMLENGASKSNLKAKLFGGTNFMAKGSVKVGLENSEFAVNTLNKYRIPILAKDFDQSKSRKIFAFPENFKVIVEYPDGTKVF

>BB0607

MSNDDFLKNSLNQFQYEAVTTIEGALLIIAGAGSGKTRVVTHRIAYLLLKGIAQREILALTFTNKAANEMKDRIKKILKSPLSNLMVSTFHAFGLYFLKENYKLLGYRKNFSIYDDNDRISLLKEILLDEGLFNKKVSLNSLSNVISLLKNGILTLNDLKEEDINIYRLYEERLRLYNSFDFDDLILKPKELLSNNSDIRNKYSKRYKYVLIDEFQDTSLIQYNFIRLLINHSNLCCVGDDDQSIYSWRGANYNNMLQFEKDYNVKEIKLEQNYRSAKNILDVANSVILNNKNRKEKTLWSSKMCSKVIDVFIFEDEIQESEFVANRIMQLSRLEDFKSKKIGVLMRTNALFKNVEMIFRRQGIKYKVSGGTSFFQRKEIKDIISYLNVIINPKSDYDLLRIINVPRRGIGKEYLKKIRDIADKKGCCIYDALCDITFSFTNISSYDKALNKQVIESIEDFVSFIEEYQYKFSITKNTYSNIIKEMIESIEYWGFLVSENPNSIKVAEYKYQNIEGFLSIIKNWESKQFGELRDLSSFLNYIVLQSNEVSEEAENININLMTVHSAKGLEFDYVFFIAVEDNIIPHHRIIEDSEVDLEEERRVFYVALTRAKDSLVITMANKRKKDRQIFDQLPSRFISEIPKEFLNFNYYADFVENKA

>BB0608

MSIVIDSFKEISKIPRCSKNIKGIINFIKQRAKKFGYSFKEDRVGNIVVQIKSNNNIDMHPIILQSHVDMVCEKNESSLHNFETDPIEIVEEDGYLKAVGTTLGADNGIGVAMMLGIMSEANNFPHPDLELLFTVDEEIGLIGALGLDSNLCSGKSLINLDGEEEGYFLVGCAGSRLVEIVFSPKYSLVTKKTKVEILFKGLKGGHSGADIHLDLANSLKLMFFALFEIKANLNFEIEGIFGGNSSNAIPIEAKALIFIDDNDYDLLNKELKLFVLKVKSAYSLEDEFDIIVNKREFSSVKVLDENSKNKLLNMGMGFLHGVQKVENYENKLIKTSLNFSSLLRMQDDYIFTFLIRSLLDLDKEYVCNHLQSISDLSGANLRVIYDDPSWQPDKNSNLLKHLQEVYKEMYLEDANVSTIHAGLETGIISSRLGGIESVTLGPWIEWPHTTRERVNISSTIRVYDFLKKSLERFQKF

>BB0609

MTMIIIIFYKYLIPKSIKDKNNKSHKTFIKKFIIKY

>BB0610

MILSKDIKLLPGSKVEVVIRVSKNVIQEKYNSLLQDYSSRLKIQGFRIGKVPINVIENKYSEGLKATVLEEVINNSFKEFFKEESKIPLSYATPTVKEKNLKLNLDKDFEFTFTYETYPEFKIPSFDEIDIKVEIPEVFIDDSDIDDEIKNLQIENSIIIEDEEGVVKEDSIVKVDFVELDDLSNEIVSTKRQGFVFTVGKSETYYDFDKDVIGMRINEERVIEKSYIADYKFEELAGSSRKLKIKIKSIKKRDLPLIDDEFAQDISDKYNTLDDLKNFIRSSLLNIVEEKKETLKLNKFFSTISEKLEIDIPHSMIEAEIEIAFKDAKRQNKNNMSLEEFKSIFYSSGYIGGDNLKDEILGNLKSKLIMQKMVDLDPIKVTESDVEDEMARQSKNLGVSYEEIKKFYEDQNLISYLKDDIKRERAKKKILENLKEVKGKKLNFRDFVNYKICE

>BB0611

MEFMHNLIPTVIENTGNYERVFDIYSRLLRERIIFLSGEINDPKADTVIAQLLFLESEDSSKDIYLYLNSPGGSITAGLAIYDTMQYIKPDVRTICIGQAASMGAFLLAGGAKGKRESLTYSRIMIHQPWGGISGQASDINIQANEILRLKKLIIDIMSNQIGVDKEKLALDMERDYFMTSSDALKYGLIDSILVRE

>BB0612

MARVKGQKVKECSFCGLSVAELGGNVVISNGVAICPECSKICHNLFKEKLCKPLDSKSNGLPTPKQLKDHLDMYVVGQEDAKKVLSVAVYNHYKRILKNNKYDNGIEIEKSNILLVGPTGSGKTLLAKTLAAEMNVPFAIADATTLTEAGYVGEDVENILLKLIHAAHGDVSLAEKGIIYIDEIDKIAKKNENVSITRDVSGEGVQQALLKIIEGTVANVPPRGGRKHPYEDTIEINTQNILFICGGAFVGLENIVKNRINKSSIGFSAIEKKNIREDTSLKYLEMEDLIKFGLIPEFVGRLPVHSYLEKLNKEDLLRILVDPQNSIVKQYYHMFKMDNVELVFEKDALESIVDEAILKNTGARGLRSILEGLLKDVMFEVPSISKAKKVVVTKESVLNADVNPLILVGNAIKKPWAKELYEINLKYDKK

>BB0613

MQLKNLGQKSYMKSILNMIKNRKEDLPIVILKENVLFPNITLWVTFDNEYVINSIAQSMLEERLILFAYSNEPNCDESDRGVVKNLCSVGTYSKLIQVIKISKDVIKVLVECQSRVLIDSVSKKNDYLRAKVTFVPDSSGLNRELFTYSKFLKETYEAYRNSLSLKSYDADNEPINYFENPSKLVDIIASNSNLENSIKLELLQELNVKTRIEKLIVNLSIEIDLLDLKKDINSKVRAKLDKGQRDYFLSEQVKEIQKRLGKDENDYIDRLNSKDIPEDVKSKIEKEISRLSKMQMNSPDANIIRSYIELILDLPWNENTVMKNHLSEIEFILRNSHYGMDEAKEKIINFLAVYQINSKVKAPILCLVGPPGIGKTSLVESIARSLSREFVKISLGGLRDEAEIRGHRRTYVGSLPGVFISAMKRSGKSNPVILLDEIDKINSSYKGNPESALLEVLDPEQNYKFIDHYLEIPYDLSNVLFVTTANSLNGMSKPLLDRMEIIKVEGYSYIEKLEIAKIFLIPSIIKESFLDKVYIRIEDDVIFNLIRNYTMESGVRGLKRVLTNLIRRLVRELLYEYSKDQIIKGNFYSPSSLIHGNNSLFTHDPDIPGIYKIININNYYNYVDTEDNLDLIKIDSSGFVYGLAWTNYGGTVLPVEATKFEKKGDIILTGSLGAIMKESAQLAYSIVKTYSSKLNFDVKESPEIHLHFPEGATPKDGPSAGITIATAIASILSDKKVPLDLAMTGEVTLKGFVLPVGGIKEKVLAAYRNGISKVILPKDNKKDYSKLPEEVKDNIDVKFVSSLEEVFDYLNII

>BB0614

MKDGVRKPSGNRASFSAQPNVKGLRKNNSFSCFAKNNLGKSFSKGKKRGK

>BB0615

MMNRKQIAKGKLVRRFGINIFEQPKYDKILKKKPHPPGMHGKARKAKITEYGKQLIEKQKIKFTYGVSERQLTNTFKEAKKHHGVTGDNLLSILERRIDNVVYRAGFAISRAHARQIVSHGIIILNGRRVTIPSIILRANDQIQIKEKDSLKKLIRSNIEKTSSLRNLPTWIEVNADDLNIKVKHAPSRDEIPTLANEQMVVEYYSKRA

>BB0616

MVKVISLKNIHKFAYLKLDPLKKEDIYIVYIETNSKLIANLKAKTKVDQIEIINFYIDDDFKSEGIERIMISNLIHYGKKNKFKTISCQIAEIQEELLSLGFEYNDSKYKKELASEIEEDKFVMGIGIISIFTEVASISSKLTVGILFNSFALIADAFHVMADFVLSTITYFSLKITSKPETIHYPYGHKLMESLIAFIMGIIILMTGFTLFLNTTGLNKFITLGGESGFNLHIHQNKNKNDTIYEHDHCHSHDHDHDHNHDHNEEDKKNILEIFSNKSLKKSLWIPLTPFIFFIVKIIEYLTKFQIGKRYNNQLLLALASADKNCIFSHGGITLSLLLATYMWSGFDKIMSIFIGFIIIKEGLNVIINNANNLLSKQNIDLKRSVKDTLKNSNINFKTLNFHNQGNKLVLYIKINLNSENDFKNFINKTQDIKKIIKQEYKEINDIYFLV

>BB0617

MRQADFFVKKCKKIILNNNDLHSLIDNIKNIFYEILKEFDRRSLEDIFDYYYETHDINNSLYSFIEKFVPIINFLLFEDLEYNFNSDEKKLILNVFDLSAHTLESNKLNKFASALVSLKILN

>BB0618

MEKLKQEDIDKAFYMAEKARNNSYSPYSKFKVGACIKTKTNDFFIGTNVENASFGATCCAERSAILNMIAKIGVQEIDFLLLNTSPECIPCAICLQVMAEFFNQDTKIIITESKSFSENKTPIKIYTLKDLLKSPFDKKELRRVTYSELEKKLI

>BB0619

MFCGRFANFIMRDVINFIKKYNNFVIIGHKDPDFDCIGSSLALSSFLSRIGKNSILLNEGPFIRKEIVPFKDKFLSEWPNIEISEYSVIILDCSILDRIGDEFIFYVKNMPTLVIDHHMSGEKLECEGYIDPFAPSTTFLIEKLIREFGHDLTKEEAWYILVGFCTDTGFFKFISRSDPEPFEMVARLVSKGISLKEVYSYIETTKSLKSIETLKLMLNSLESYWNGKVLFTFLSSSSSGKDGGVSGVNELFYMILSNVENNEILGILKEMEDGSIIVGLRSKDSFDVGKLAEDFGGGGHKNASGFRIKQGSLEIVKNRMLAYIKDNIYL

>BB0620

MKRNFYLIVLFIANNCFSIDFWDTMEREKLINEMVSKMQDHELLGQMFMISYPNQSITNFVLDFISKKNLGGIKIFGWNAKDLKNLTESIHKAQKTSQNNKFKIPLFVATDQEGGLAQHIKLNTSETIGNLGIAASLSPKDSYNTGYYIAQELRQLGINLNFAPIVDIYSHENNFAIGPRTYSDNPKIVSLLSLAFYKGQKQGGVISTAKHFPGHGNTTLDSHINIPIINSNLLEISLNELLPYKILIQENIPVIMTGHLAYPKLTNGENIPASSSIKIIKDILRKKLKYNNIIITDDLLMNAVNYNNESIYNTIERIVRTKSDIFLISLNENIQQNAYNMLLNLMKKDSEIKNNIIESNKRILRIKLMYLKENKNKSDLYPNLNKNEKIYSKEGEKFFEQNTLRSITKVRIEKEISKTKKTLIISPYYKMIVEGKKIFQNTYAYYYNYYPLNGINPQKLDEIKKLINKFEQVIFNLSTPGSLKYLENLKEYKDKISVIVSLTPHHIKKLNWIKNIVIIYGTTPLAFKSGFLTLTKDFDPKGTIPLKNIINKYYP

>BB0621

MVVGIILANGFEDIEAIIPIDILRRGNVNIQIISTNDSNVVISSKGVSFLADDIISNCKENCFDLIILPGGMPGATNLFNSKELDLILKDMNSKGKFIAAICASPVVVLAAKGLLGFNKFTCYPGLEKNVLDGEFVDENVVRSNNFITSKGVGTSFEFAFTLLEMVKGKQIMEDVKKATLLCKS

>BB0622

MSNTKGKKMKILIINTGSSSLKFAIYQYENSKKIISGIVEKIKSQKSIIKIVNTDGSTTERFEKGIENHQKAIEKMFKILTNSDLKILKTLSEIKIIGHRVVHGGSSLKNSVILNNSILNKLKQISELAPLHNPNAITAIEAVLKILPHAKQVLCFDTSWHQTIKEHAFLYAIPYSWYKNHNIRKYGFHGLSYSYITKRSSEILNKKIDSLNLIILHLGNGASINAVKNGKSYDTSMGITPLEGLAMGTRSGDIDPSIINLMSTILNKTTKQIEEILNKESGILGISEKSNDMRDIWNKIEEGEYQSKLAVEIMTYRIKKYIGSYIAALDFNVDAIVFTGGIGVTDYGIRALALKGFEKIGIELDLEKNEMAQSKYLESEISTINSKLKILAIPTNEESTILEDIYNLIPKNL

>BB0623

MNIDEELTTILKNNSNLKKMKEFLEQNIFFSLTGYEGFFKAFLIKKIKEYSKTGKIILIVKDEHTLDKIKNDLQVITNQIFELNYFSPLVYKGIGSKSTIFNERIKFLFNFYKKNPGIYITVLKSLLSKIPDKNTLLKNIYKIEKNTNINTADIEKTLITLGYEKTLRVTIPGEFTVKGEIIDIYPFGEQNPIRIALNFDKIEEIKKFNPLTQLKHDNEILEFQILPKKEIIWDDKTINTLKTKIKSVEYKKILEELDFKKETKTEEMFYPLVANTYLGDEIEKHTPIVNFEINNFEKEIEKIHQEYEKLYKEAEEAGKNIIDPKRILLNYKTFNLKSDVLFSKIKSLKSKETIEFKIESERNFFSNIALTKEEFENWLKNGFKIIIAAESESQKEKLKYIFKELPKVSIEVLKISSSLIIEKEKIAIILESNIFNTGQKINKAFESSKTKAIDSFVEIEKNSHVVHINHGIGIFRQIKRIKTSSLEKDYIEIEYAEGEKLFIPIEQTNLIQKYIGSDPKNIKLDKISSKTWIKNKANAKKRIEEIADKLIELYSKRESIKGIKYPEDNELQLLFESEFPYDETPDQIRAIKEIKEDMMSFKVMDRLLCGDVGFGKTEVAMRAAFKAVMGNKQVIVLSPTTILAEQHFNTFKKRFKNFPIKIEVLSRFIKNNAESRILKELKSGKIDIIIGTHKILSKKFTCKNLGLIIIDEEQRFGVKEKEKLKEIRISVDCLALSATPIPRSLHMSLIKLRDISVLKIPPQNRVKIEAYLESFSELLIKHAIESELSRDGQVFLVNHNIEELYYLKTLIERLTPYARIAIIHGKLTGEEIENIMHNFIKKAYQILLATTIIENGIDIPNANTIIINNANKFGLAQLYQLKGRVGRGSQKAYAYFLYQDSEKLNERSIERLRAITEFSELGAGFKIAMKDMEIRGVGNLLGREQHGEIESIGLDYYLTMLNKAIEKKMGKISSDEEEVDIKINYSGFIPENYAKNEQDKILIYKKIFKIQTEEESKKIRSELHNDFGPIPEEINSLLMLAELKILAKDLNITKLKEKNRALEIEYKNIESIPMEKIIEILQKHPNLLILNPSYQKSIFLSFKNIEKSEKINYIYKNINLLKTST

>BB0624

MNIRKLLFCIFFMNISFLLFAGDYKGLDFKIKFFNQSIYRVNSNVFIEVSLSNASESVLTLEIGDINSFGFDFDVTDTTNIKVKRPIEYVKKRSKNVAIPVRNMSLRPNEKFSVVINLNQFVKFSKDGVYFVKGIFFPDISDPSKKKESNIITLFLNDGFDENPGSIDLVNLSENNDIQDILKKKKLSPDEIVKYLLKALQLGKKEKFFLYLDIEGLLLNDKGKAYLYKQKLSPIPNKNVVEEYKEYLWNSNNSDISKAPNKFSIIETTYSDTSGKVIADLYFDDGQFYISKRYTFFFKKYDYYWIIYDYIVQNTGIKEK

>BB0625

MITLFKILALRKSKTFCILQIIDLIILFYFLIIGPVNLNADFEYKVVKGDTLFSIAIKYKVKVSDLKRINKLNVDNIKAGQILIIPSDSNLGQNITHKVNHSFSLLESSKGGVFYTAKEGDTIESISKLVGLSQEEIIAWNDLRSKDLKVGMKLVLTEPDFLKPYMVRKGDSLSKLSQDFDISSKDILKFNFLNDDKLKIGQQLFLKKATKNVNFHYVKRGETLGRIAYIYGVTAKDLVALNGNRAINLKAGSLLNVLKIVNNDLEKPVERDLKIEKKIDNKFIYHSVAVGETLYSIARHYGVLIEDLKNWNNLSSNNIMHDQKLKIFDKKLSIDSSIIKTKNDLYIKKKVDSGSNSSNKVQTIVNLPSSKNKKLNLNTFGITANQDLFDISSLVILDSKIPIFEVVGDFYYWYRPRKISQPSEFYSEDWHSPLNSYKKATQLFKSFEKLVNSRFNKGSRLKDKLIILDPGHGGLDPGAIVKSRDGLGNEVFVVEDEYVYDIALRLYVYLKEEGANVEFTILAPDHLIRNSVFANNTFVNVKNEVYNDYDLNKNDTVDSWISGTPSGLKKRLVVVKNIVNKYKHIKDKDIAFFSLHADNSVGAPKSMGFYYQKDDDKKYDIHSKSAAEKITEGMKRSFYIKGQNLHVLRNNIVMTKLLVEVRNLAFPEEAWAIRSSKLRDQDSKILANGILKILENN

>BB0626

MEKIKEIIVVEGKDDLKRIKESFDCTVIETKGFALKIETIKLLKKALKYKGIIILTDSDKSGNIIRQKIVKYLGENNKIKHAYLNTKDTEVESVNKTEIIKILKGVGTLSKDNQKDLLKLSDLLELGIIGENSKENRQKIQKHFCLGDGNSKKLLERLNYFKIKKTDLKNQLALTNSPRRT

>BB0627

MVXXKTLEPKFFQSLLDNSPTPYHLVNYIEEKLINYFNAQQLKLNEKWKIKTGSYYIKKEGTSLIAFNIDVKKKYEPFLIAAAHTDSPGLKLKIDATEKVSGVFYNHIEVYGSPIISTWIDRDLSLAGIVYFKKNENIESKLINIENIGIIPNLAIHLNRQINEGFKYNAHDNLTVISSTKKAIKDNILEQLGIECENFLSCDLIFTESQPSKIIGTEGEFLASKNLDNKSGCHAIMNSYVHTSNDKNKIAVFFDNEEVGSLTSRGADSNFLSEVLERIDIALDLTREEHLIKTNKSFNISIDSVHGIHPGYTSKHDPNYQANLGKGVVVKNSANFRYATTSTGFAKLKNLAIKNNIKIQEIIMKANVPSGTTIGPISNARTGIETIDIGTPMWAMHSLRETVSIADHIEAIKLLRAFFEKGI

>BB0628

MRKCFVSLSLLLIFFACSSNVEIELNDDISGIVSIFVNVNREFEKIRKELLTTLVGEEIANMPLFPVDEIKKYFKNGEEKLGLKLLSIKTQGDSINLVVKFDNLIKILGDYMKKPDISVFKIEKKDGKNIIELNINLENATKNINENKEYISDALAALLPSDEIPMSAKEYKDVLVYFLSDFTSKASELIDNSKLNLVVKTSRNVQEQFGFKQINSNTLRFEMDMVKGLSLETPIKLRLVY

>BB0629

MIIMQNLFSKNLIVLNYNATSKEDVIRKMASMFNENGYLNDMEAFIKEIKKREETNGTGIEEHIAMPHAKGNFIKKHGIAILRVVGNGFDFNSSDQKLSKLFFMMALPEETPSNAHIKAISYLSNTFSNNLLRHELMSTNNEDRFLEIILNNDNINESNNLNTKKDFILAVTACPVGIAHTYMAAESLKKAALELNINIKVETNGSSGTENPITEEEIKKAKGVIIASGKTIDKERFSGKPLIEVGVKDGIHKAKELIQTILKNEAPIYKKSNTNKTTETLQKQNKKTGIYKHLMNGVSFMLPFVVSGGIIIAISFMFGIKAFDINDPSYNKIADILMQIGGGSAFALMIPILAGYISFSIAERPGLAPGMITGLMMNNGNAGFLGGILAGFISGYVTLTVKKISDKIIPSNLRGINPVLTYPFLSVIISGILIYGMLSPISVINESITNMLNQLSGTNMAILGALLGGMMAIDMGGPVNKAAYAFGIAMITAKNYIPHASIMAGGMIPPIGIALATSLFKNRFSKEERESGKVCYFLGACFITEGVIPFAAADPLRVIPACILGSSVGGFISALFKVEVIAPHGGIFILPIVVNPLMWITSILVGSIITAVLIGILKKEYKNIND

>BB0630

MIYTLTLNPSVDYKIVLKEFQEESLNYALNNNFFAGGKGINVSTVLKNLGKPSTALGFLGGFTGDYIRFSLDSRGIKNDFIKIKYDTRLNIKMIANGRETEINANSPDISENEFELLKNKLKNLANNSTLVMSGSVPAALGEDAYNEIANSISNDVKLIIDTSGKPLRKILRLNPFLIKPNIYELEDLFNAKFDSTKELIKIGKNLVESGVQNIIISMGSDGAIFIGGKNVAFRAFVPKINFVSTIGAGDSVIAGFVYAFDNGSTLEDSFKFGVAAGTATALKGNLCEFQDVKKMLCQIRVEDIYTS

>BB0631

MNLQKYLFLTALLLISTSVFAQTNTIAKENVIPNGNLSQFGVEEICPICGYVNCICDEQSTEIAAKVSQSNTTGFFTSMAILALLVITGLALAKKKLYKSKLKI

>BB0632

MRDFLVLREFLKDKNKKFLTPELKLYEIIELLNINKKNCYKAQTLARSTNNENIVIFLIFLFNYFDKGHLRADINLLAKDIQNTIIFTKDNLEKTNKSYNKLIKILKGLETFGNLETIKNIVLLLKKNNILMEFNKLKITTPLILENNIYIYTQKNYREEEELIKQIIKRLENHKSELNDNKIQNIISNLNTNNLNKEQITSVRKALKSNFFLLSGGPGTGKTTTVNYILKAINKTLNNKKKGLVAITAPTGKASLRLQTSIDYSFKNLEIECNTIQKLLGIKFINKKNLYDEENQLNFDVIIIDEASMVDAHTFLKLLKATPITTKLIMVGDKNQLPSVNEGNVYSSLLGIQKINSDNVEDLKENFRSNKEINLLSKAIYKEDSTLICKYINNNKNIQLKEIEKINLKKDLIEYTNNLYRKIPTFNLKLLKESKIETILETLLENIILSSKNFGKFGTKTLNEIIKTYLKKTYGSFIGQIIMITKTDYKNKLFNGERGVIFNENSKFYALFQRKDEKYKKINLDLLTNYEFSFATTIHKSQGSEYKHIKVILENNPFLTKELMYTAITRAKDSLEIISNKETIIKLSKKSSKRDSKILEHVNSFKEIDK

>BB0633

MNKILEKIQNNTTILIEASAGTGKTHILENVVINLIKTKLYSINEILVLTFTKKATEEMHTRILKVIENAYSNSKTNEILKEAYEQSKKLFISTINKFALHALNNFQIETENYSKYKPKEKFSKEIDEIVYDFLRKSDSLIQALDIKDYELKVFKSDAKKTEEIVLKIKKAYERDTTQELGDWLKTQTAFENILLKKEELIKDYNKIIEDLDKMTKDEILSFYNKHIQTGKLEIEYSKENDIFKIAETLLKNKFFSTLIEKETKKNSKLSPKELKIKNDLICLGINIKHEKYKSEDNRNKNRNNLKQYVILKVEYKILKYIEKELKKTIKSTNTIDQNYIISNLKNYLKSEDKKLLNAIKNRYKIILIDEAQDLSLIQIEIFKILKTAGIKLIFIADPKQIIYSFRKADISFYNKEIKNKINTDARIVLKINHRSSKKLIGPLNKIFNNIYNNAIADEIEKIDFTNSLPNQKNDNNKIVINGQEIEGINIITTNTESEEDIYQKTALTIKYLLAYGKIAENNKIRNIKMQDIKVLCRGKNEINLIDKALKKEQIQTNKTQEKFLKTKEFSEIFYIIKCLDRKQSFKTLNYILSSKILNVPWNLQRILIKQDKICLIEEFIENIIVLLEKNEITLINAINKITFEKNLWIKIANITKDQKIIEWAKNKINYKGLLIKEGKLENLKTYETTLEIISKIYHKEQNIQSLISTLESLIINEEPEEIEEKINNINNDNESIELMTIHKSKGLGMNIVFLLNTTPIENSNFFSKKNQFYKFYQDGKIEYDFFKLEENKKYARLKILSEEKNIFYVGATRAKFALFIIKINSITSKLLEIAKIFTIDDIKHDFNIHEFIGQKRFNKKKYNTNVNTKLIPPKPIIKNMFKKEYTSSFSSLTAQAHHKEFYENYDFKNINYEKETELDYEPGLEETLPKGKDIGNILHAAMEEIIFSTAKDTFDNFKKNNIEIIEKQIQKINSNLNTIEIQNSLAKMIYNILTYNIRAINTRLCDIEELQKEMEFLIKINPEFQKQKYLFDKHFEDLHIKLSDGYLKGIVDLIFKANNKIYILDYKTNYLGKNKEDYNITNLENTIKKEYYDLQYKIYALGIKKILFKNKKEYNQKFGGIIYLFTRAFEDNIECLKSKFENGIYFNLPKFNDVDLDKIILELGIKRHL

>BB0634

MYIYKTNKVNKIYNKIKELTQKDNIFKKETLIIVKNDLLREEIKKTIAKLNGISYNLNIKKNAAKSIYEISFKNPNIKKYIEENTFSFYLETEKFILYNILKTEKLKYIKDFKSTKNRYFFASKIIDLFHHYYSKFSKLIETWEDNGFLFQEENLKPYENMQKELFKKLFEKQKNILNLHKKIIQEKPTKKIEIEIKKIIFIGNNREIEKKILNSLEKIFDFEVHVLIFEDLLNYESTLVKELLLTKTKINPIKYQALEKVDIELFKGENFLTSIKNNIIAKTPISTLDDSFKIIEAKNQKREVEILTNQIVHSMQKNNLKLSDIAITCLQEKFNEYLPYIEECLNKYEIEYSVLCYNNLSRGESIIALKRLMDLFVSKNGTISNFSRKEVFDLLSNNKVMKKFNISTSELNYLIEFSDTMNISFGANKTHKENLNYDQNFLNSWEDGFNRFLMSEIFDEKYEEETQKESTRFQDQESIMKLITIVKSLYEDINYFKNKAYKVYEWAEIIEIFIQKYIDLEDFNTTDEYLQNKIKSFKNFPKDLNDNLYKNYLKEINEIKIEFYLFKIMLEESLEKEKYGVMYKKNGILIANYKEIEYLQKKEIHFLGFQKFNSKINYDNMNLLNEYYEHENTEKEEITALFNLIFATSEKFYLYCSFQDNLSPEINTSKTINKILEHIQKYEKNFQIEKHPNENHDPVYFKDAKENYLINYDPEAYNIAKILQNSKPIGFKQNKIKLESPIKLNLYELKNALSNPYKHFYEKTLNVKIQDIRLENEIKEKQEEQIFSVIEIIYRLIKNSTLLHEYIMGKKDDVRKAIEIIKNHIRYEIQQGSIPFNIDQKTTVNEILKKINKLKYNAAESLKKLSAMTKSKIKFCKKIKLNFQNKNIEFELKKDIENVYKVENNYFYLNFVKKDYCSIPDKIKNEIDLYITGLLIKKEIQNFNSLTEVKIDLESLTAKNNYLLSSQRNNN

>BB0635

MKNLSLFTDFYEISMMNAYFTKGINPKAKFEVFFRKTPFKNGYIVLAGMHTLINELKNIRFGENELKYLKSFNILDKQFLNFLREFKLNVKISSIEEGRIVFPQAPVVVIEGHLIELLLIEGLVLNIINFESLIATKTARIKESGAKILAELGLRRAQGINGALSASKAAYIGGADFTSNMLAGYKYNIPVTGTMAHSWIMSFETEEQAFREYAKTYPNKVSLLIDTYDTLNSGLKNAIKIFKELKHEEKNNFSIRIDSGDLEYLSKAARKELNRNGLNHVKIIASNELDENIIMYLNSINAPIDIWGVGTNLVTAKGDPSLSGVYKMISIEKNGKFIPKIKISNNAEKSTLPDQKEVARIYLNDQMILDFIFLKEEKDKIKDHLNSRKEFTVFHPIQDNIFKIIKQYDDFEFLTHTVLENGKLRKGYESSLTNIRNKTKLDLSKLEHTYKRIINPHIYKVSISKNLRKLKNKLTKDIKNN

>BB0636

MKERSVSNFDIVIFGVTGNLSRKKLIPSLFNLFKNKCISNFRVIGFSRKIFTDKEFRLYIKDSLWQEETDSLIEIFLNFFVYVFGDFNEKESYKNLFKFLDRSRETIYYLSTSPAFYGPIINHLKKYFLSEKLTLSKIVLEKPFGSSLETAKKLNSLLYSAFKEDQIYRIDHYLGKETVQNIFTFRFGNSIFENIWNNRYVDFVQITVAEELGLDGRVEYYDSVGALKDMVQNHILQLLSLVAMESPIKFDSEFIHDEKVKVLKSLRKISKEDIKNYIVKGQYIGSQVQGVFKKGYKDETEFLGNSNTETYLAMKVFINNWRWSGVPFYLRTGKGLARKFSEIYIQFKKPSFTLFNNSSVDFSNALIFRIQPRDGIEIKFNTKKPGYNYEIQTANMEFSYHGAFKRLFDEAYERLLLDAFLGDGTLYATSDEIESSWEFVSDIANKWADIEICNYFYGSEGPKEIDSILEKDHFWRKI

>BB0637

MYMENIEVRGQPNFFGLIPFFVFIIIYLGTGIYLGVIGVEMAFYQLPASVAMFFASIVCFLVFKGKFSDKIHIFIKGAAQYDIILMCLIFMLSGAFSSLCKEIGCVETVANLGIKYINPNWIVSGIFFVTCFLSFSAGTSVGSIVAIAPIAFNIAVKSGINPNLIAASVMCGAMFGDNLSLISDTTIVSSRTQGSSILDVFISSSFYAFPSAILTFFSFFFLSENLSNATNFLHESSIDLVKTVPYLMIIFFSLAGMNVFIVLFLGILSICLISVLYGNLYFLDVMKNINKGFLNMADLIFLSILTGGVSFAVIHNGGFKWLLIKLKSLIRGKSSAEFSIGAFVSIVDVFLANNTIAILICGKVAKKIAFENNISVQRSASILDMFSCIFQGIIPYGAQMIILVNFSNGLVSPISILPFLVYFGFLLFFVILSILGLDIKKVFLFFLKK

>BB0638

MERDLKLERETNVVPNFWGLMPFFLFIGIYIGTGLVLYFNGVERAFYQMPPVVAMFIAIVLTFIIFRGSFLAKMNKFIEGCAQQDVIFISLIFMLSGAFSAVCKEIGSVDAVVNIGLKYVPLNLIVCGIFLITLFLSFSTGSFMGTIVAVAPIALELADKVNIPLPLIAGAILSAGAFGDNMSLISDTPIISSHTQKVNIVDVFKNGAFYTFPAAILASIAFAFLGSYYCKVDSFIIEPGEINFFKIIPYIFVMVFAISGFDVFLALFLGIVVAGIIGIYYSDITFLLLAKKINEGFLGLGEMFILVISTGGISYMTIKYGGFDWLLLKLQKMSKSKRTSEFVIVVLVGILTMFLANNGLAILMSGSVVRSITKENNLNSKRIAALLCMSSCFFLSILPHSMHVIALVDFTKGKLSPFDIFPFLIYQGFLILLIALSIIGLDIKLIFKSFLKIVTKLKSFKF

>BB0639

MKKIFILIVILTTFACTNKDTITLNVFNWAEYIDKTLLDQFEKENNIKINYEIFHNNEEMMAKFNNTKNYYDIIVPSEYLIQELIDEGKIEKLDYSKLPNVTKNITQNLTNLEHDPGNLYSVPAYWGLMGILYNKTKIDLNDMQGFDILFNKKYKKEITMLDSPKDNIGVALKKLGYSINEHDTDKIKEAGELLKIQNPLLIGYFSDVPAKSLMLNGEASIQLTWSGEAQSAMLKDKNLDFYAPENTNLWIDAFVIPIDAPNKNLAYKFINFLYENEPSYKNFKETRYNSPNKNVIKRIEEEAKNNPEMKLYLEEKFLPKDFSKFEIFKKIPKKIKEEILKIYLNLSS

>BB0640

MFRAFKNIFLFLILSFIYLPIIILIIYSFNSGDSGFIWQGFSLKWYKEIFASSQIKSAIFNTILIAIISSLTSVVIGIIGAYAIYKSENKKLKTILLSVNKITIINPDIVTGISLMTFYSAIKMQLGFSTMLISHIIFSTPYVVIIILPKLYSLPKNIIDAAKDLGASEIQIFFNIIYPEIAGSIATGALIAFTLSIDDFLISFFTTGQGFNNLSILINSLTKRGIKPVINAISAILFFTILSLLFIINKFIGIKKLTTDAEL

>BB0641

MVLKKLILIIYSIFLLTFSILPLLIIILLGFLNEKNEFTIYNFIGLLNPSYLNIFSRSLKLATIATIFCILIGYPAAWLISLSKKSAQNKLIIMIILPMWINTLLRTYAWMRILGKNGFINNLFEKIGIGTLDLLYNEQAVTIGMIYNFLPFMILPIYTGLLKIKPEYIEASQDLGARMWQILLYIKIPLTLSYLATGIIMVFIPSITVFIISDLLGGSKQILIGNLISKQFLFIEDWNTGAAISFILMLVILIFNLIIIKLMRKNNGE

>BB0642

MDNCILEIKNLSHYYDNNGNKTLDNINLKIKKNEFITLLGPSGCGKTTLIKILGGFLSQKNGEIYFFSKEISKTSPNKREINTVFQNYALFPHMNVFDNISFGLRMKKTPKDIIKEKVKTSLSLIGMPKYAYRNINELSGGQKQRVAIARAMVMEPKLLLLDEPLSALDLKMRQEMQKELKKIQRQLGITFIYVTHDQEEALTMSDRIVVMNEGIILQIGTPEEIYNEPKTKFVADFIGESNIFDGTYKKELVVSLLGHEFECLDKGFEAEEAVDLVIRPEDVKLLPKGKGHLSGTITSAIFQGVHYEMTLEIQKTNWIVQSTRLTKVGEEVDIFLEPDDIHVMHKE

>BB0643

MANKINWFPGHMKRALDLIKNNLQKANIVLEILDARAPFSSKNPLTEKITKNQAKIILLHKSDVAQINEIIKWKKYFENLGNTVIISNIYKKGMRKQIIDIIKKLAIVKKIKNYKEKIKVLIIGVPNVGKSSIINLLSGKKSAKVANKPGYTKNIQIVKINEEINLFDMPGILWHNLVDQSIAKKLAILDMIKNEIVDNTDLALYLLEIMDQNNKNILLKKYEIYHKNSLDILQNFAKARKLIGKKNELNLEKASKILIKEFREGKFGKIILDKNYNAF

>BB0644

MIIIVKIKRGLIVSCQALENEPLHSSFIMSKMALAAKIGGAIGIRANGVNDISQIKLEVDLPIIGIIKKNYNNCDVFITPTMKEIDELCNEGVDIIALDATFRNRPDGVLLDDFFENIKKKYPKQCLMADISSLDEAINADKLGFDFIGTTLYGYTKNTNGLNIADNDFNFLRTLLNSNLKSTLIVEGKIDTPLKAQKCFEMGVDLVVVGGAITRPAEITKKFVEKINQIKK

>BB0645

MLKGFEQAQKFGRSFMLPIAILPAAGLLLGIGGSLSNPETVRTYSFLNIFFLQSVFKIMSASGSIIFSNLAPIFSIGIAVGLAKSDKGTSGIAAFIGYLVMNATIGVLIDVSGRAESFSSGAVGFVLGIKTLETGVFGGVVVGILTYYLHSRFNKVDLPKVLGFFSGSRFVPIIVSFSSIFLAVIMFLVWPFVQSGINKVGGLVDSTGYIGTLIYGIFLRMLGPFGLHHIFYLPFWTTGLGGSVIIDGKLIEGTQNIFFAELAAQGTDRFFIGTSRFMSGRFITMMFGLPGAALALYYTAKREERTKVFGLLMSSALTSFLTGITEPLEFSFLFVAPILYVVHATFDGFAFMLAHILQITIGQTFSGGFVDFILFGILQGNSRTNWLLVPVIGIVWFFLYYFTFIFLINKFDFKTPGRTQDLNSEDSPSSKSSEFEENYATKVIIGLGGASNIVELDCCATRLRITVRDVLKVSEKILKKTGSKGVIIKGNGVQVVYGPGVSVLKNEIEELLEA

>BB0646

MNIKNIIFILIFLLLLILVSPRIKFKNEFSKKLIPKNIEEIDNYLLKEELQFNLESNTKKEIIWYKEKAQKTNYSVVYIHGFGASKNEIYPVPNNIAKALNANIFFTRLKGHGINNKNAFRGITTQDWLRDIDEAINIGKLIGDKLVLIGTSNGGTASIWALANYPNEINSAVLISPNIFPYDKRTNIVYYPWGRQIAYLITGGYNKFETKEYKRKEHPTIKSHSSRVQHVDAIIAMMGLVTLLNSYNFNEIKIPLIITHTPNDHTVDPIKINEFIKNYGGEKKDIPIILLENSHAHLPIGNQSYKSAQNTSYFTKYVFDFINKINK

>BB0647

MNDNIIDVHSALEKVGITNDPVLLKNLTSELGMKASHSRNRIILYIASNPKEYFTAKEVYNKLIKEIPSLSKATVYNTLNILKERNILKDIKTTDQKETKFYLSLASTIAHFKCNKCNQVHPIQLDDIKDILKDKLGENWETKSIEIIYSGHCNNCYKKDTHNNNNVPDENKEITL

>BB0648

MFRKLKKLKTYIIIISITKFSEDNLLLIISNIKYLIEHKQLAYKIHWTFPIYFFEILREHEELNKWLFERFKTNTDIYMPGTYSGSPHEYMLHDEIHLDLYWALKNPFKSGYKDIFQNTPIMFYIYNIEKFRKKVTELYRKLNFNYTEGIRQSKNNKNYLIFYKNNCQYLYEVQKIDSPKSNVETLIYFYEIKETYDNQELKNFLLYLKALENNLHSIKIQNLEGSKLTTELLEIPKFNSLKEQEPIINFQNKRLKDYQINEKSLREFLINKHQDEIIKNSESIVPKNLEYNMEGNFTLSHDQYNIKFENGKLNKIKFKDKKVEFLNTSRTYFKVSSKKELIKEASIESSFSFSNEKILGIKQYLAFNSAKKSTIDFFIDETISSFFISIKIKWPSKIDLDKKTLKKCNPDYLLEYSALEIPVFEITKGTNLKITAKYSDLDTYEKIIITKNNPKGYINGTEFLISKGNDKNSNFFISFLNVEKHIIHTINYKIEKINSKKWLILNIGGSYNTVKIQDVINYSQTLNLMILPLNNNFDNKIKLNSKIKNLIFYTNIKKYENK

>BB0649

MAKDIYFNEDARKSLLSGVEKLSNAVKVTLGPKGRNVLIDKKFGSPTVTKDGVSVAREIELENPFENMGAQLLKEVAIKTNDVAGDGTTTATVLAYAIAREGLKNVSSGINPIGIKKGIDHAVNLAAEKIRQSAKKITTKEEIAQVASISANNDSYIGEKIAEAMDKVGKDGVITVEESKTFDTTISYVEGMQFDRGYLSPYFSTNKENMSVNFDDAFILIYEKKISSIKELLPVLEKVLGTNKPLLIIAEDIEGDALAALVLNSVRGALKVCAIKSPGFGDRRKAMLEDIAVLTGGVLISEELGLTLETVEIEQLGQAKTIKVDKDNTTIINTGNKEQIKERSELIKKQIEDSTSEYDKEKLQERLAKLVGGVAVINVGAVTEVELKEKKHRVEDALSATRAAVEEGVVPGGGSTLIEVAMYLDTIDTSKLSYEEKQGFEIVKRSLEEPMRQIISNAGFEGSIYIHQIKTEKKGLGFDASSFKWVNMIESGIIDPAKVTRSALQNAASIAGLLLTTECAITDIKEEKNTSGGGGYPMDPGMGMM

>BB0650

MFLPVNILLFKGIILSEDEFVFCIGYDCSKAIVDRQLLRENKGKSAKELFELGLYRSAFSKALYRNDDGLINYLIEEYNKISNSNYTKKDDFKLLFGVVYPDDINKIKVTYV

>BB0651

MYSMGGFVFLLQEFSGNSSFLRSLLVFVPVIAIFWFLVISPQRKEEKNKKEMIKNLKKGDKVLTIGGIFGVVKKLGDTDVILELSPNNEAVFIKNSIDKVLSEKK

>BB0652

MKKGSKLILILLVTFFACLLIFPTLKWYFLMSVEDKKISSYSQEALRDYSKKKALNDLVKLKELYNKDPNSSIPASLSYLIPIAKNNYRSSMKIPPNIFTAKTLREGFLTDSDMGEVSLEIYRYYENIKKGKSRIIHLGLDLSGGMSVTISLDYSSVEKKLGRSLTFAEREDAIYRIMQILKDRVBRFGLTEPKIVREAGGNKIFLDIPGEKDESRVSTLLSGKGNLTFYVVDDESTSLLHRKILEAGSLFSIPEIQASMNLPDSKQIFPWYVKDSYGVDDESSVRYYVVDASPENSFDGAHIKDAGVSNDPRTGRDTVAFSLDVDGSEKFFKFTQKNVGKSLAVVMEGKIKSVAGIGYAITGGNVSIQGDSFDKKEAQDLALVFKTAAFPVDIKIDDLRIIGPTLGARTIDLGIKASALALCLVFLFICVYYGLSGVVAGFSLVIYNVFLILAILSAFNFTLTLTSIAGLILTMGMAVDINIVIYERIKEEIREGRRFENAFEAGFKKAFLSIMDANITTFIAVLFLTLLGTGVIQGFAWSLSVGIVASLFSSLIFSRFILEFIISVRKSKFISISWSSKYAKSN

>BB0653

MQRVINFSKYGSNVLIVSAVLILVGLIYTFFYHGGYNWGIDFSSRVNINLSIEKSNIKENEIKKIFSPIYKTLDVNSIFSPDQNKSEFSIMVKSDVIDYAFKTEVQKTILDKLKETFDANIEVLDSYFIDSSFSSTLRIRSIFLVLGTFILILIYITLRFKLSYAIASILSIFHDIFFIVAFLGVFRIEINSYIIVAILTIIGYSLNDTIIIFDRIRDNVKRLTDNTFLNVLNISISQTLSRTVLTSVTTFVAVFSIYVFTEGSIKDFSLVFMVGVIVGTYSSVFIASPILLNLYKKIK

>BB0654

MKFFDFGSLGFYRFFDFQKYLNFSIFRYSLINYYSYREQSSLINDANLLKDKLLFLDKIYRDFNPSINKSWGANKAIFLDTLLIIKNLIRKYHPNSQFLDIHEDELLEDVSCFNKFLDKLKYLNFRVDLKQKIENFEKKSKAPFSCIRIATFFIQEEFLDRLSNSLDFFSNEANSNNLDVINKEINDYYEKVEQIKKSSNIKETHKKFIIDHTKERIDKIMKDHSLDISKLLIKIALLEITIQCFDSYYLNLLEILQILLSINNIIEIGLNELPDAIFNEWNELIYLRRKEFQKFVLISDYVFQKRIVSTINSGNWKFAFFTLAPRQGDVFQFSVDIAKNFDNIEDGIKEYESKINKFNEYRSGWEANLKNFGHLFSETL

>BB0655

MTKDYYNILGIQKNASNEEIKKAYKKLAIKYHPDKNKGNKIAEEKFKEINEAYEILSSPDKKRNYDSLGNTNFNGNNDHFEREFSSTRFGNFEDLDFFSKIFGGSSRKTADREIIINISLYDAYMGSKKIILINNKKIEVIIPKGTLETTTIKINNKGPINPISGIKGSLIVKFNISSYKNFKLNGKTLETTIEVYPWEIALGCEKLFETIEGKKIKLKIPSDAKNGEILNLKGLGMPIIGSSSKRDLKVTLIVKIPKIINNEVKTIYERLKEIYS

>BB0656

MRVDLLPLVELSLYINLSFCCKDFSIFNRILEELKCHLILLGHPIIKTLYIKHVDFCLSRQDNLKFIFTSLSKYINLELLEEFTLEIIPGYVDFEKFKLLDEFCITRINLNVQSFSLEFRKIVGIPEISYKKLNILINNIRKFPFDLNIDMTVNMPLQKKSHLKRDLKELLSYMPEHICFSDFICEEEGFVLRDFDNSIDSEKLWFCALECLESNGYINYEITNFALKGHESRHNKLNWELKPHLGLGLYAVSLLFCNDKNNNVRALIRKTGSFVKANNHLVTFELLEDLEFFVYHFIQGLGTIQGVSLRALRLRFEYNEKQFFQFINYCSTLSKKFVFDDNIMLLKGRERFKLNFYLVKIINHFNDNFFKVKLRLP

>BB0657

MENQKILVAKHAIDHYIKSNMNLGIGTGTTIYYAIKYLSEKIKSGSLKNLKFYTTSSDTKYLLSKEQIPYESNFSKLNKNLDIAIDGADEILLEKKSLIKGMGGAHLMEKVIAYNSETLLIIADETKIVKKLGTKMPIPIEVAQNAVGFIMTRLEEMNLEATLRICKEKKGPTITDNNNYILDVKMHVENPEGTEKYFKLFPGILEIGIFNHKNTRIVYYQDKQIKEA

>BB0658

MLGDFMYKLVLVRHGESEWNKENLFTGWTDVKLSDKGIDEAVEAGLLLKQEGYSFDIAFSSLLSRANDTLNIILRELGQSYISVKKTWRLNERHYGALQGLNKSETAAKYGEDKVLIWRRSYDVPPMSLDESDDRHPIKDPRYKHIPKRELPSTECLKDTVARVIPYWTDEIAKEVLEGKKVIVAAHGNSLRALVKYFDNLSEEDVLKLNIPTGIPLVYELDKDLNPIKHYYLGDESKIKKAMESVASQGKLK

>BB0659

MKTAHWADFYAEKIKKEKGPKNLYTVASGITPSGTVHIGNFREVISVDLVARALRDSGSKVRFIYSWDNYDVFRKVPKNMPEQELLTTYLRQAITRVPDTRSHKTSYARANEIEFEKYLPVVGINPEFIDQSKQYTSNAYASQIKFALDHKKELSEALNEYRTSKLEENWYPISVFCTKCNRDTTTVNNYDNHYSVEYSCECGNQESLDIRTTWAIKLPWRIDWPMRWKYEKVDFEPAGKDHHSSGGSFDTSKNIVKIFQGSPPVTFQYDFISIKGRGGKISSSSGDVISLKDVLEVYTPEVTRFLFAATKPNTEFSISFDLDVIKIYEDYDKFERIYYGVEDVKEEKKRAFKRIYELSQPYMPSKRIPYQVGFRHLSVISQIFENNINKILNYLKNVQEDQKDKLINKINCAINWIRDFAPEDFKFSLRSKFDNMEILEENSKKAINELLDFLKKNFEVATEQDIQNEIYKISRENNIEPALFFKQIYKILIDKEKGPKLAGFIKIIGIDRFEKITSKYV

>BB0660

MKSGFAAILGRPSTGKSTLLNSICGHKISIISPIPQTTRNNIKGIFTDDRGQIIFIDTPGFHLSKKKFNIAMMKNIHSSIGEVELILYIIDIQDKPGEEENKMLEIIKNSKIKFLVILNKIDLKNTKIKEITQFLKEKGIEDSNIIKISAEKKINTEELKNKIYENFSEGPLYYPQEYYTDQEINFRISEIIREKAIENLKEELPYSLYVDIDTLENKKGSLFIRANIFVANESQKGIIVGKNGKEIKSIGERARKTIAKIFETKCNLFLQVKLKKNWNKEDKLIKRLIN

>BB0661

MRNFRLAKVNFEVFCEQCGEKVGLNRSVCPNCAAKLGDIECPNCRHVGPVSAFGEGCPNCHYSPFQELKEKPFKRKERARMVSDRAASKTFVRLFHFGINIDILLYLFSSFLFVILFLYIVYG

>BB0662

MGITVFYLFSIFASFVLGSSMDSVKENVLKSTIFYYDVEEVEFPYARKQTLQFIAKTHLKYAVFNFDKNKMFSYTFVFDKKLISQYAIFIEVKKKFGEATLVTPLNYLWDLGDSIIVLNKNILRITLKSYISNYNK

>BB0663

MKKILKRFLFLVLSMSFLSFADHFYDKEIMINGVKFFVKIASNELDRAKGYMGAQKVEYGNGMLFVFKKDQNLSFWMENTPLLLEIAYIDSSGIIKEIYDLEPYSRANVNSLYKVRYALELPRGSFSKFQIKIGDKVHFCFDVNSLLVE

>BB0664

MLHNTMLIARIMNINTLFYGMIIIIFALISCNHKNIQYDKRIKKFLDKNKIEYKIDSENDFIAFKDINNNEKEEVIIRSRLNSYKNSKIREIFGIVKVFDINTPKIKEISDSLMSDSYNNRVFGSWEIIHNAERGINSLVYIVKAEEFANDTFLLDAIDEIASTISIFKKIITTNNENIDNNEENNNTNESNEQPTLKQEKTNSTKESNNELKEDQIEEELQEIKAQ

>BB0665

MRLPGSGYSYTVIQSKNNYSQKSSFGISFVILSRGTKIFREDLFEFLSNFDFIREIISIEKQSNRSSLQFISESYGKLKFILLSDDLNSGEKVNLAMKESSCDFVFVLQSDMYLLNPFWIPNIFDEIVKKNVLLVGGEFFDKEEEMIPSIFLPSIDKKQKFKVILVNSEKDYEKTLITMDYCGLYSKEKFLQLGGFDARIQNEYFQRIDFGLRAIYFGEHVYIYRKLRIQYTALNSPENLTKSKSFLIFLLKNYVPIFVGNGVVFSFLRFCKICLKYKINPFLFQKEFKEIKGEITKNSLRFKGDLKSAIELWENDIID

>BB0666

MPLSFGKMILLIDLILFSYLSLYSKTPDYLNVLDFFDTNVFRFDFNIENDVFTIENDKGYLKFRVGFEYALTSSGYYMFVDPIIDIRGEILISQKVLKQIENYFSSLKDYNKPRITSIIIDPGHGGHDTGAVVTLKINGYDVVLQEKDFALTYSIYLSKILSNYFVNKNILLTRINDVYLTLKERSEFANAIKPNFPNNVIFLSIHANDAPNGEARGVEFWYLPKDSKREVIKDFKGYDIKGNRYLSELNDILDIKYKYESKRLAEILYKVFKNELSETNIRPIRKEQWFVIKNSSMPAVLIEMGFLSNILDAKLILDYNYMSKFNILILKALMEFINFYEK

>BB0667

MKNNISDIFFKYNVVIYKFLNSKKEHMIRVLLGSLAVSFLFSICMVFLNYDNLFSKKVFYFHSSKGFVANLRYLRDEQNLKDNLDLLVKDFLLGSNEGFSFGFLLSDSRFLYSFLKNGVYYVNLSREFYDSFNNGDYNESNESFDVKVNLFAMSLIKTMRFNYPGKIKKIVILVEGCILKEQS

>BB0668

MVYMKRKAKSILFFLLSTVLFAQETDGLAEGSKRAEPGELVLDFAELARDPSSTRLDLTNYVDYVYSGASGIVKPEDMVVDLGINNWSVLLTPSARLQAYVKNSVVAPAVVKSESKRYAGDTILGVRVLFPSYSQSSAMIMPPFKIPFYSGESGNQFLGKGLIDNIKTMKEIKVSVYSLGYEIDLEVLFEDMNGMEYAYSMGTLKFKGWADLIWSNPNYIPNISSRIIKDDVPNYPLASSKMRFKAFRVSKSHSSKEQNFIFYVKDLRVLYDKLSVSIDSDIDSESVFKVYETSGTESLRKLKAHETFKRVLKLREKISMPEGSFQNFVEKIESEKPEESSPKN

>BB0669

MEILDLENEELLGVFFEEAQNLVDILEENIMSLEDDPNNSDTIDEIFRAAHTLKGSSASLDMMELSDFTHIVEDVFDAIRDGKVNINNDLVDLLLSSLDVIKEMLALRIDGKVYLNDISDLKSKLKQFLVIDDQTFIKRFDGNSIKNNFCLSESDLEEIREGLGIGQKVLRISVVFNSNSNSEVENSGLKIFNILKNLGSVLHTIPKYEQIIEDKFLKRVDYYLIYSDIEGVKKSLDSLNLIESYLVDEFNVKEELKKLADEEIKDVDLDSNFVLNDNFDFTEDEISDLLLEVENQKLFKVRLDFVKDNPMATISGLQMLQALKSLGKIFKSIPDSSELLADKFFDFVIYYLISNTSEESIAKKINLPDVVSHFEIKNVNLESLKSVRLKEDDEAPFKENKNIKKNSPISVNLIRIDSKKIDYILNLVSEAVISKSSYNQINSEMITLFYNFNYFYDYQESFQRNFLIDLKIVFKDAGLTLEDEIESHINSLMSFKMEKALKDISELRNSFFRLLQNFKMTSGRLSRIITDLHESVLKTRMLPISNIFSRFTRVVRDLSKKLNKIVNLKMEGEETELDKSVIDDLVDPLMHCVRNSMDHGLETVEERVKRGKSKAGTIILRAKNEGNVISIEIEDDGIGIDPKVIRRKLIEKGTIKEDAIYSDFELINLIFAPGFSTAVQVTDLSGRGVGLDVVKKSIEKLNGTILVESEIGLGTIFKIKLPLTLVIIQGLLVKSGSETYVIPLNNVLETHRITEHDIKLLENYHEVYNLRDEVISVLRLDKLFNITRDDSLIEKFLIVVNTSNMKIAIVVDSILGEEDFVVKPIKDKFSSSAGIVGATTLGNGKVVLIIDVFKLFDLQKDTKE

>BB0670

MQIKEIYFGPKILDDKNSNSKLTNFDFKVVSFELGSDHYLVDIMQVKEIRKSSNFTYVPNAKKYVAGLDNLRGEIIPIIDLRIMFNLEFNKKDIEDIMVLKNEDLLIGVIVDKINNVFSIDSSLIQDPHPVLSQDSLINYIKGVVDYNEKLYILLNVFKIFNYGEEEKLLKPGQNFVEKSDFVSDCDNLDILENSKNDFSNKVSSKNDGNNENSTLNNTAAFNLENIKKNLLKYSFNASLVNDVFLEKVGVKFNMVDTDYLPCDSFLNEFYSKSSGNLWGADCLEEFKNEIVESRLSFMNNLNSIFNVLEIGCGSGKETMALANALSEYYVKPFKLTAIDNDLSKVVETSRLVFSESEIGISEIYSRNSFEQSPGVYKFKSEILSNVLFEYSDALFSDLPDNLGMVFLKDVLCFLDSKDQILILNIIASKAIKGALLVLGDNEELKNNDVFIKEKSTKYFNLYRKV

>BB0671

MRIDYIEPFLDAASSVLRDMLLVENIEMGKPGLKSINQKIKGVSVIVGLAGSVEGSIIIDMDIETALFVASKLNFEEYDDFDDEETKEMVAATLTEVGNIIAGNFVTTLHAKGFVFDITPPAFIYGENMKISNKGSEALIVPFSLPDGKIIEVNIAIRERV

>BB0672

MIQKTTIAADSSSKPRGINYDTGIPFNVLIVDDSVFTVKQLTQIFTSEGFNIIDTAADGEEAVIKYKNHYPNIDIVTLDITMPKMDGITCLSNIMEFDKNARVIMISALGKEQLVKDCLIKGAKTFIVKPLDRAKVLQRVMSVFVK

>BB0673

MKIQIIIMLLALLDFPLNARLLDISIEKRADEEIKKYSSYNLILEKEYYTNFPTSEIEKNIYKLTEHFVKSIMLNKTNYSLLNSNYKEANKYLIQSELIDKKFLKYKIFKIKNINGIFKSHSLIYTKKGFYKLELYIENNAEPLKIFNLNITYFLKNLDKISNEMIFFPRE

>BB0674

MVKKFSIFLKAIIIFSIFELLIEELSIILFLPYKIRFALIFLGFLFDTIFIFIFLYKITKAYLSQRLEIYVRNNLFFDIIHCLIPLAFYSSYQLKNIIVAHETILNPIMLSLFKLRFLRLLRFNDLIIEIYYNSKEKNLILIAFARTFSMSLLIPFTFFIIISSSKIVNSIPEKQEFNIIKNISIINEKAYIKEKYPFILIIKEKDDIIYSKSDEIFVYYSPSEYRVIEMEKTKFYIDKYLQRKSDSILGIFLFTLFASFTIFLMNFYKFFKASFLNPIILMTKILQDPLEYRKIQIPFTLSEEKVYELAKSFNNLLLKEKLNSKRKSKIPLEIEKVKKIINKNQEIK

>BB0675

MNTKPYFPYLYHYLFNHESIKSLSAIEKEIEILNYLKENKKTIATFIKNDFESEIKDLIQYVKDKTDIMITPFVLSGIEAIDFNIVKPLFSKELTKNDLNLIFNFVKVNSSLRKEFFYNFNTISNGYITFYINKLFEGKNSYTIYLIQKENKALYSSDIIKNYIKILLLLKVLVIKYCFEKGIELTTKNIESTSKAISNDTDFLDEKTAKLIIESFFKYETLQTMSPISTLIAIFSARARTPKYKNNPVKGFIGYDESWFSIKQSGSREYDSRIIKELSEIAKVNKW

>BB0676

MKIKACIFDMDGTLVNSIMDIAFSMNSALSNLGYSKIELSKFNALVGRGFNKFVIDTLKLLSLEHDNPNLQEKLYKEFVKEYNKNLSFQTKPYENIKPLLETMNKLNIPIGILSNKNHEELINLVKNIFGNILFFEIRGYSKNFPPKPDPENALDMILELNAQKEEIAYIGDSDVDMLTALNAGFMPIGVSWGFRSVQELKESGAKHIIHNPLELLDLIK

>BB0677

MKEDVLVLENITKKYGDFVANDNVSIKFKAGEVHAILGENGAGKTTLMKTIYGIHQVNSGRIILKGQEINFKDSSEAIRNGIGMVFQHFMLIPQFTAVQNIILGYENSKFGFLDYKQARKKISSLSEKYGLKIDLEKRVEDLSVGMEQKIEILKVLYRNADIIIFDEPTAVLAPSEVDDFINILKVLAQEGHTVILITHKIKEIRSIAKKCTIMRLGKVVKTVNIADIDDKDLTKLMIGKEVALRSSKIKFENHFNILEIKNLSVKDERGVLKVKDVNLDLRNGEILGISGIEGSGQEDLVDAILGLKSIFKGDILKKNSSGNLESLKGLTIKQRIDKKIGNIPSDRQKHGLILEFNVMQNIGLKSFDNPDYLRLKTIHLKSNFDLKFNFFNFIKRQFNKFKKQFVGFDLNILRKLSNQLVSHFDIRPRDILSKVKHLSGGNQQKVIVAREISLEPDILLAIQPTRGLDVGAVENIYKRIIEQRDAGRSVLLVSLELDELVNVCDRIAVMHGGRIVGILEDNFDIDVIGKMMIGLS

>BB0678

MTISKNVFSKFILKFLNSSAFVSVFALFVGFLIVGLVVMGLGHSPFRMYFIILEIIFSSPKHLGYVLSYSAPLIFTGLSIGISLKAGLFNIGVEGQFILGSIVALIASVLLDLPPILHVITIFIITFLASGSLGILIGYLKAKFNISEVISGIMFNWILFHLNNIILDFSFIKRDNSDFSKPIKESAYIDFLASWKLSPEGLAYRSSHPFVNELLKAPLHFGIILGIIFAILIWFLLNKTIIGFKINATGSNIEASRCMGINVKAVLIFSMFLSAAVAGLAGAIQLMGVNKAIFKLSYMQGIGFNGIAASLMGNNSPIGIIFSSILFSILLYGSSRVQSLMGLPSSIVSLMMGIIVLVISASYFLNKIVLKGVKRVKYNNILD

>BB0679

MLSVSNIIIFLISETLINSQTLILAGLGGLISEKSGIINIGLEGIMTIGAFSGATVAYFTNDPLFSIFAGGLAGLVLAILHAVFTIFLKSDQIITGMALNFLGPAIAVFISTLIFSSISTPPIEIKLPILFDGILNKTSFIFQIFGKRYSVYIAILSVVLFHIVFKYTKIGLRINASGENPEVLESVGVSVNKIRFFCVLLSGFLAGVSGAVLTTVVASSYVQGVTGGQGFIAIVMLIFGKWTPLGVLIGSFLFSFVKTLAIVLAQLPFFSLIMPPKMLVITPYLIIILSLIFFSKKNYAPKFLGITYKKH

>BB0680

MLLKLKYRFVGFLLLFLIFILLLFSTIFNFVLCGYLEDYYKQLTRAQVRRAAFSLQSFLDTLHVIINGAASNLALETISEFAMSENRGKDFSESELIDLRKNPKFVIDSVKVSKKYRQYLYNFMANLKNDTLFEEFAFFDFEGRVIVSTRHENNMDFGHSEANTNYFKKAVEDYRQNQLKFIGWYSNLSEGISAEVAIRSKQSEKKAFAIIVPVYSPEDKLVCGYLAGYLLNDIVADSFDRFRFGFYKRGNFIYVDPNNIAVNPFEEYNETSRVSSKFLNVLKDVFSKPPFPSNIASEVSVYTIDRILLSEMGEDCYYAMLPISSKLGEKSGVLIARLPYKDIYGVISSLRFQYILYSVLGIIALSIVLSIRIDRIISFRLNAIRVLVQDMVKGNLDKDYALDDDENTLDELGMLSLQVVKMKKAISVAISSVLRNISYVNKASLEVASSSQNLSSSALQQASALEEMSANVEQIASGVNMSANNSYETEQIALKTNENSQIGGRAVEESVIAMQDIVEKVSVIEEIARKTNLLALNAAIEAARAGDEGKGFAVVASEIRKLADLSKISALEIGELVEDNSKVATEAGVIFKEMLPEIEETANLVKKISEGSSKQSDQIAQFKMALDQVGEVVQSSASSSEQLSSMSDKMLEKSKELRKSVLFFKIKDSKIENPENDDYDFRLIDCPENSFKDENQNLKSNGISTSNASGHNNYSLDIESESSVRTINKRVDPKKAIDIADKDLNFDDDFSEF

>BB0681

MVSMKLKARMLLLVLILIAFFISILFFAFGMLINSKLVDQQFNLMINLIESIKSSFNLYISSMEEKVRVSSMYFNSAEKFNEASKIKSKRLSFISDQSEILIQTGSNMMVTDKEGKIVFTTAVKDNSDFGKSIGDREYFTKLKESNSIVYNSFVMLADPGSIEESLLKDISKIKNKKGQIPYILIGMPLRDFETDNIFGYFMFLYSMDYIYRSFRGINFGILSSGRALAYDTTGRLLVHHVVLPGDILTDISASYSNIIKKTSEDLLQKNKEISTVYYYDPKSNKKYVGISQKVLLNLSNNKFILLMRTSEDDFYYMSRATTIILAISFVFTLLMLAIATLYLVKKLSSSLNKILEYSERLASGNFTADINFGKWDTVELYSLYEGLEQLRTNFSSVAKGVIENLDYLYENAIQIANASQNLSSGAVEQASTLEQMTANIEQISQGVSENTENAATTEKIAVNTNERTKEGHKSVVKAIEAMTVITEKIGIIDEITRQTNLLALNASIEAARVGEKGKGFEVVAAEVRKLADQSKESAREIIDIANRSLTVASRAGENFEQIVPGMEQTARLVKNISNESYKQSVQIEQFKNAIEQVSQLVQTTASSSEELSAMSEKMLESVKDLKESVDYFKIEK

>BB0682

MKIAVLLSGGVDSSVALYRIINKGYSNIKCYYLKIWVEDELSYIGNCPWQEDLNYVEAICNKFNVPYEIINFQKEYYNKVVSYTIEELKNGNTPSPDIFCNQRIKFGAFFEKINSQYDLVVTGHYAKIQIKESKFLLKQAKDKIKDQSYFLSHLSQKQMSKLYFPLGTLLKSEVRQIAKNINLPNKDRKDSQGICFLGKIKYNEFIKYHLGEKKGNIIEKETGKIIGIHNGYWFFTVGQRRGIKLSNGPWFVIEKDLEKNIIYISHNENYLKQAKRKFLVHEIHWINDTPTNFENFKIKIRHGEKKYSCKLKLITNNLMEISLNKKDQGISPGQFAIFYKNTECLGGAKIFKIIE

>BB0683

MRIGISDIRIFLPLNYLDFSVLLENPLYFSNEVFFKKINRAIDATLQKGFRFTSPNEDSVTMASSAVKLIFDNNNLDLSKIRILLGGTETGVDHSKAISSYVFGALKQSGICLGNNFLTFQVQHACAGAAMSLHTVASVLSHSNNSEYGIVFSSDIAHYSNLTTAEITQGAGATAILIEKNPKLLSINLSEFGVYTDDVDDFFRPFGSVEAKVRGQYSVECYNNANENALRDFAFKKQLSMKDLFSNYRFVLHVPFAKMPIDSMHYILKKYYSDDESVRNAYLESIDFYDGVEAAMEVGNLYTGSIFLSLAFYLKRVFSKKDITGEKILFCSYGSGNIMIIYELTIEKSAFDVIKLWDLEGLIKNRNNANFEEYKDFFQNKIIPGESRGFYLKELRNDGYRVYGYRA

>BB0684

MMDTEFMGIEPNILENKKRHIEICLNKNDVKGGCNFLKFIKLKHNALSDFNFSEINIKEEIFGYNISMPVFISSMTGGSKEGNDFNKSLVRIANYLKIPIGLGSFKLLFKYPEYIRDFTLKRYAHNIPLFANVGAVQIVEFGISKIAEMIKRLEVDAIIVHLNAGQELMKVDGDRNFKGIRESIAKLSDFLSVPLIVKETGFGISPKDVKELFSLGASYVDLAGSGGTNWILVEGMKSNNLNIASCFSDWGIPSVFTLLSIDDSLKANIFASGGYETGMDIAKGIALGARLIGVAAVVLRAFYDSGEDAVFGLFSDYEHILKMSMFLSGSKSLLEFRNNKYFLSSYLLDELGVFKQFYGT

>BB0685

MNLESLSSFMELSKNFRHKSVLEKRQEIKSFLELSYKDFFYNNANEDFLFNMIENYIGYLSFPIGIVKNLKINGKYYSLPIATEESSVVAALNFAAKILENADLRYSLGEVLGISQIYIKSEKDLSKIFVDLGDKIKTWIEPLLTNMNQRGGGFRRLSTRHIKELGIQKLNIYVDTCDAMGANLLNSIAERVAEFIFLEFGYECVLKVLSNDISEFTAKARFVLDFKHLLPGKEDSWNLAKKIELISSIGFYEEERAVTNNKGIMNGITGVCLATFNDTRALEASVHKFASKSGKYFPLSKFYTTDNALVGEIEIPLQVGTKGGVISFNEASILSFKIMNVNSKSEFIGILSCVGLASNFAALRALAFNGIQKGHMRLHVNKILHLLKTKYNISDFEKDKLLLEMERMNIYSFDFAFKILKKIRLENENKV

>BB0686

MKIKCKVHASLALIKYWGKKDVFLNIPATSSLAVSVDKFYSISELELSNRDEIILNSKPVILKNREKVFFDYARKILNEPNVRFKIKSKNNFPTAAGLASSSSGFASIAACILKYFNKYSCNSASNLARVGSASAARAIYGGFTILKEGSKESFQLRDQSYFNDLRIIFAIIDSNEKELSSRAAMNICKRHKFYYDAWIASSKKIFKDALYFFLKKDFIHFGATIVKSYQNMFALMFASSIFYFKNSTIDLIRYAADLRNEGIFVFETMDAGPQVKFLCLEENLNTILKGLKQNFTGIDFIVSKVGCDLEWI

>BB0687

MDLISFSVPGNLLLMGEYTILEEKGLGLAIAINKRAFFSFKKSDSWRFFSKKKKIDDFSLIENRSDFVFKMFAYLSQNCFFNLENFAYDVYIDTSNFFFNDGTKKGFGSSAVVAIGIVCGLFLIHNATNVVEKGEIFKYCLEAYRYSQGGIGSGYDIATSIFGGVIEFEGGFNPKCRQLGAVEFNDFYLMQGLQAIKTTTSICEYNKHRNSILDFILKCNLEMKKLVLNASNSKSALISSLRRAKELGLAIGEAIGVSAALPSSFDHLLGQCDLIKALGAGNETFLVYRPNIEAFNLSKIISIVLENEGIKFESDKC

>BB0688

MLRIRKPAKILFLGEHSAVYGFPVIGATVPIYMDLIYSVSKNWKYLGKPSTRLNSLISFIVSNYSKVNPIEFDIISEIPIGVGLGSSASLSLCFAEYITSHFEYKDCNKILLANQIENIFHGKSSGMDIRLIDLNGTFYLEKKENVLHSKKIKDSGFYFLIGAIKRDLTTKEIVVNLKKDLLSNAYLFVFIEKLGLAVSNSYASFQNKDVYSLANEMNIAQCCLKRLGLSNDTLDWLISEGIKLGALSGKLSGAGKGGAFIFLFESLIKANIVQKELNNMLKDSKIDLLLKLKVIET

>BB0689

MKKLIIIFTLFLSQACNLSTMHKIDTKEDMKILYSEIAELRKKLNLNHLEIDDTLEKVAKEYAIKLGENRTITHTLFGTTPMQRIHKYDQSFNLTREILASGIELNRVVNAWLNSPSHKEALINTDTDKIGGYRLKTTDNIDIFVVLFGKRKYKN

>BB0690

MYYNNYIKEIVMEKYLSYIKKDDLDAIQLKLQELLASLHIFYSNLRGIHWNIKDTNFFVIHKKTQKLYEYIEKIIDIVAERSRMLGYDSEFRYSEFMKKSFIKELDIESTSNFLPSMESIVCSLTEILKNIFGMRKLIDTAGDYGTANIMDDIMSDLEKHLWMHKALLENCDCFCHDENESKCCECDAK

>BB0691

MSIRNIGIMAHIDAGKTTTTERIIYYTGKSHKMGDVDSGNTITDWMPQEQERGITISSAAITCHWKDCQINIIDTPGHVDFTAEVERSLRVLDGGIVIFSAVDGIQAQTETVWKQAEKYEIPRLAYVNKMDRIGADFFKVVGDIENKFKTIPLVLQIPIGNESNFEGVVDIILNKELHFSMENGIPKLTYSQIREEFIEKVILFKKKLIDILSQFSEEITQLFLEDKEIGLDIIKREIRRGTISRFIIPVLMGTSLKNIGIEPLIDSIVDYLPSPFEKSFSAFSLDTNKKILVDPNENKKLSALVFKVQYSSVIASHLYFVRVYSGEINPNKKIINASNGKREKFTKIFRVFSNKNEQIDFVKTGDIGAVLGLKFSVTGDTLVEENNNVLLEAVMFPEPVVLMSVEPERSSDEVRLKEIFEIISKEDPTFSYSESKETGQLIISGMGELHLEIILTRIKDEFNLNVYTGKPQVSYRESAGKIVKEVFEFNNIFAGKNIDFKIGMIIKPLSRGAGNKIDFECGIEPVIKSAILRGITSAFVSGIFGYPIIDINVSIFSIVCGANKISESAFESISGFAFHSIFQKSDPIRLEPIMLLEIRTPIEHTGEIISTLNVMGGVIHSVSNIGEYDLIKSEAAFEKLFGYASILRSSTKGRGSFTMEFSYFKEKLS

>BB0692

MVFKAKWLFLYLLFLNPINFIDEFLCKNDFIPFFVKL

>BB0693

MQGENMVSIRGGNRRKILLSLKNMQYSRTDLARKLSLTNAAVTILTNQMIKENLLIEVGSRVSDVKKHGRKEILLDINKDYAYSMGVIISSNYFQIGIANLKCEVLISETHSFEPPVSAYDILEKIKDHMIEIIWKHNFSRDKFIGLGFSITGLIKDKELGIVNDSYGSWIEKDVPVKRILEEYFSLTVYLESYVKNLSLAEFMGKNIDNIMFFDYTDTAELSIWSGGNVYPGFNNKSGMVSHMIIDYEGEKNCPTCGNKGCVNMLISNFALQRLISKEFMNGEIPELYEKYEGRLKKVTIYDIFSLYEKYDFINKIMQDTVKYLAIIIINIQRMLDFNYLVLYGQSFKLKAFFDLLKEEIKKLNKENIVLKLSSLDTEVSVVGPASSVIFNKFYLTGGDID

>BB0694

MFLMLESLGSNFRNFINYLSGKSTINDKNIAEAIEIIKNSLVDADVNLRVIRRFLNSIIEESKGVKVLRGIDPKSQFIKIVNDNLVKFLGGKNYELSLHPANKQSYILMLGLQGSGKTTTCAKLSLKLKKENRKVLLVAADTFRAAAVEQLKILGGQVGVPVFSIEGEKDPIKIVKASMKFAESNFFDSVIVDTRGRLEIESLLVEEIKKIKGILRPAETILVVDSMMGQVAVNIAKEFNENVGLTGAIFSKFDSDTRGGAVLSFKSICAVPIKFIGVGEKIEDLDSFYPERIASRILGMGDVVSLVEKVQSVVDKEEAIKLEEKINKASFNFEDYLSQFRRIRQVGGFSNFVSFLPGVSKSMLNSNNLNEESFNKEEAIILSMTKKERINPVILNNPSRKKRIAMGSGTTVFDVNKLIKKFSQATLIMKKMKNKDFQNKIASLLGK

>BB0695

MSVKIRLKRMGAKKRPYYRVVVMNSTSPRDGRAIEELGYYHPVEKQNQIKIKEDRMKDWISKGAILSDTVKMLLNKNNLNAKSQEV

>BB0696

MKEYGNEIELIEFIVKSLVDKEDEVKLNVIEGEKSTILELRVSQSDVGKIIGRRGRIARAIRTLLGACAAKTNRRVQLEILD

>BB0697

MFIKGVILSSYGVNGYARVKSISNNFCDFINLKNNKVLLKKSNSSSVEVKVVDVNIKGNSLFLKFEEIDTPEAVRPLIGFELWVDDSLASSLKEGEYYLGKLIGYAIVNNNKKLGEVVAFFEYLNSVFLEVRVGIKFFFIPFLSIYIGDINTQEKTIELKVLDLLK

>BB0698

MKFTVLSLFPAIIKPFFENSIMKKAINKGIVSFELVDVRDFSKDKHKRCDDLPYGGGAGMVLKAEPISFALEHVESAKKTTIFLSPSGIKYSQELAYSLSKREEIVIICGRYEGIDQRIIDLYVDFEISIGDYVLSSGEIAALVLIDSVYRLLDGVINPNSLLEESFGVKNGLLEYPHYTRPYDFKGIKVPEVLLSGHHANIKNWRLVKAREKTKKNRYDLYLKYLEIIGEDNGFDKKN

>BB0699

MDLIRKIEAQNKKNEAFVFNVGDTVRVVYKIIEGSNERLQSFEGIVISFQNKGIGKTFLIRKISSGIGVEKIFPVYSPIIEKVEVLRRGKVRRAKLYYMRNRIGKAAMKIKERLTIKKVKH

>BB0700

MIFCFVNFYSRFSRVFAVLGNNFGKLGCVFIIIESIN

>BB0701

MKYTQSKFKSSNFQKHNKRFYGFKNKRLNSESKSQNVAPLNSFNNKSTVLNTDKQNVFKGKFRRKSIKFKTRINLDVACAICEKKINDIVYSMSLKVENEDKPVHFDCVINKLTSENNLSSNEKVVYKGAGKFFIVDTSSRGEYLYFKIIKEIEFENLEEQPLWRKKILKDINRGFRLS

>BB0702

MRVAVFPGSFDPITWGHIDLIKRSLAIFDKVIVLVAKNKSKKYFLSDIERFSLTKDVISSLNFSNVLVDRYSGFIVDYALINSIKFIVRGIRAFNDFDIEFERYLVNNKLNFEIDTIFLPSSAEHLYVRSDFVKELMLKKDVDLSNFVPELVFNRLKSKFIDK

>BB0703

MAVPKFKPSKSRSRTRRSINMRKKIPQFQECSNCGNLGVRHRICLKCGYYRNNQYLEIGL

>BB0704

MDNDEIFSKVRSIISEQLDKKEDEITTDSRFVEDLNADSLDIYELLYLLEEAFDDKIPENEANEFETVGDVVNFIKKRKG

>BB0705

MMKKKSSDFCLCNERKSQLSKFLENLSIDFSNFDLLNTALCHSSYSNELDQKSSNNERLEFLGDSVLNLIITDHLYKTYPNKSEGELSKARSYIVSEDSLSNIAREINLGSYILLGRGEESNDGRNKKGILADAIEAFVGAIYLDSGFSRATEFVVGLFDMYIRLMFNRGDFKDYKSLLQEYVQKKYKISPSYKLDKEIGPDHDKVFCVELYVGENFISNGKGKSKKEAEMRAAEVALKAMENINL

>BB0706

MNLGKNNPNIIKIGKIFKKNNYEFYLVGGALRDLLLNKQPYDFDFATNATPEEIITLFPNNIKTGIKHGTIGIIFNKKIFEITTYRIEKEYENNRAPKQVEYTKNLLKDLERRDFTINAIAMDIFNFNIIDCYNGKKDLNKKIIRCIGNPNKRLEEDALRILRAARFSSTLNFNIEKNTLISMKYKKENILMISKERIKNEFHKLLEGINIQKGIYYLKKVDFFKNFFNLEIKTKVIKKIALLDKNKFYLKAITILTIKKPIKELKEKLTLLKFSNKEIKLILFYRGIIDNNNIFNVKKLSDIRYLLSKSTREHYKEIIDIYKALKGKNKRYLFIIKNIKRKKLLKNPLSLKDLKINGKDIQNLEQIENKNIGKILNMLLRCVIENPKLNTKNYLIKKIKTLKVNVFHSF

>BB0707

MKYVVSSTLFFKWFYWGFMSGNNNSVYNSIGQLSKETKDRLMNDIRKSLGLNSSDFVLPNSSNEPYVDSQLEKFLSGRLMEESFLIRMWLTILNFFQKDKSKEDIYKAYVIKNLENQINEMCKNPVIDFKRECLHVGFVEMFFSVCRYSMELKEFFRKLEKGGIVVEQTILEIIQSKVLNSKNNLEDFLDEGEYELFLKKEKTQNDLEESLKVKINEYINSIPSSTYKIVSDMFEFYYVFNSLAFFPYKSFFSFFNVDLLDSAENISIVDFEVGFGTSFSSVSKYLNSFFDILYTLKDIEIDEDIVKSIISNYFSISDDISNSEIISREDHISRVEYVFKNVLSIVSKIVGLSRTLPYLDIFRVYCKNPVASPKKYVPFFDVKNFYENILFLNVMGQAIKKRDSSLKVLVIKEIKNLVRDPSLILNLKGEIFNELNLGRYSFKKLYFLNDFFKNIYDVRMMEVLRTINNVVLINNHDLRNIYVDIENNITALKKEIYNIYFEIDYKNEEFERYKRDGKIDNSYKERILKWCLTESVSIDKVSSRFVDYFIELKKRCLSLLENHNVFIRKSLTVSYKSMVTENKTITLADVIGNLLEIINQALFIIKNL

>BB0708

MKAFKVKNLRRFSNFIRILVIVLFLNSLLSLFVFLAGSYNIFVYNFQKFYLDLAIILSSVSFGLESTRLIFFYFLKNKKIKYYLILIFSFIIFFIALVFKIFLSGNK

>BB0709

MLIKIGKVFILFFFLGSILSIFIYFLNLSSLANGLVYEFNIEKGWGVKKIAKELKKQKLIKSELLLVFISYILGSDKQFKEGKYLINGDLSTFEIYKEFLKGSSNVNIDVTIPEGYTSRRIALKLKEFSVIDDVQDFLFLINKKSFIYELGLDYDSLEGFLFPDTYKFYKGIEIKNVVRMFVDNFLNKLKSIGVVLSDYSSKELYNRVIIASIVEREYRVKSEAPIMSSVFYNRIKSGMALQSCATIEYVITEELGRSHPKRIYFSDLEIDSPYNTYINKGYPPTPISNAGIISLQAAFFPKNTQYLFFVVKDSKLGTHQFSSEYSSHLLGAKDYIKNFITKD

>BB0710

MKYLQTVASMKSKFDIVAIVEQYIKLVKSGSAYKGLCPFHAEKTPSFFVNPLQGYFYCFGCKKGGDVIGFLMDMEKINYNDALKILCEKSGIHYDDLKISRGSENKNENKDMVSKIYSLNSRLINTIKFFLSKNKKALDYVLKSRAISKEIVDLFELGYLPFNFKNGLELHDFLVSKGYSSEVLRKSGLFSKTNPKVSILFQRLIFPIKDFKGNVVGFGGRDLDGKGSKYINLGETEVFKKRELLYGFYEGFEEIKSTKSVILVEGYIDVLAFFTSGIKRAVSTLGTAFSKEHLALIQRYADEIIFSFDGDDAGLSATLKAYQICLPFNINVSVVRMDFGTDPADVLKSEGVDSLQKILNNRCDAFEYLLDVYSNKYNLNKTVDLNAMINLFLNLINLSKVDTQKKIFLDKLSNKLGIGVTTLLKDYYRIKERFVVDNNKRNLYAHNDDSYERYLIVALLKNFSYFSIVRRNIIDSDLINVDARKVFMCFENLFENNKDFSLMDLKKNLKDTYKVSEFFLKKF

>BB0711

MDDEMLIHILLAIKRRKLDSRVLLCKKRYDGDSLVNAKIQINELMFLNMQRKNLKIYIDDVPGS

>BB0712

MSDLEKKYSKLIEGIITHLGDRKSLSFSELSNLLPDDILEPEILDCICSVLEDRGIRLVNKISELDLVVSEDGNDEEEEVEIESDRNFMILDDGFQSDEEDIDIDVKLDDCDEEDISVKDDLGSGYIKGNVLKDSHSEDPIKLYLKEIGKEFLLTGNQEVELAKQMDSGESIIENILKNEGLVIENYYNLVNTIYSRMEREEFFKREKDKDKESSPDYYNKKKRIASFYKIPLKPIQDRLISYVDNKHRVYDLGGDIFEKNLKKERLALKELLRDIPLYQEELRIFSDDYIDSANKIKDLQRQQRIILSRLKIEKIRDLRVLGRDLTIAEKKIEIEKSLKLKEDAIKEQITEAQLAQKELERIEMYYEYPTDKIISMSEEIAKGKQMMQHAKDQLIKANLRLVVSIAKKYANRGLHFFDLVQEGNIGLIKAVEKFEYKRGFKFSTYATWWIRQAITRSISDQARTIRVPVHMIEQINRLNRETRYLIQVLGKDPTDEELSDRLGWELKKVKTVKSVSREPVSLETPIGEEEDSVLSDFIEDKAIKNPANHTSFVVLQDQIRAILGTLPEREQEVVKMRFGLEDGYSLTLEEVGLHFNVTRERIRQIESKALRRLKNPKKTQKLKDYLEDLN

>BB0713

MMENNIDTLKKLEVIYKSKFELEERRKSIPKYLEAKKNQIEELSKVLVDLQQKFKEYQKEDSALKLDIQDINSRKSKAEEKIDSIKTQREYEALEKELQVIIDDEVTIRKKMTHVNGLKTKIEKEILDVNEKHIKEEECFRAESSSFELELLEIEKKLLEIESEELNCASKMNEDFLFKFQRIIRNKSNGVVPLVNNVCKGCHMILPIEFANKVRREPNDIKFCPYCSRILYYQDKVQISDEIIPGSLADLVE

>BB0714

MEIRYLRYIFYSFMIFIFIFLIYYILSYFKSFSSSYLKAGPTEVDLLLLWDKKEYKEIIDYAENDIKNHRFDFNLNLLLGFSYFYYSLIVNEGYLKGEFLDKSIERLRFLISINDGVSISPLYYILGKAYSHKGEFYSELAVKFLKKALNADNFDFMNIREDIFEYLGYSYQLLRDYKSSLKFFEKAFNENKSDLVLWSLAYVNYKLNDINKSIEYIKKIIEEEKRKLSKGEKTDENLIQKVYLLYGDILLDKGDYDSAFNYYNKVLEINSSNSSVYVKIGDIYRKKDKDYPKARKYWREALNLNPYLEAARERLGITLEDF

>BB0715

MELLWKTFREVVLNLFKSFLIDIGIDLGTCNTLVYIKDYGVVMSEPSVVAIDITKGNKVVAVGRNAKKMLWKTPENIKAVRPLRDGVIADIENTEKMIKYFINQIFSRKKLFFKPRMVIGVPTCITEVERRAVKESAMNAGAREVKVIEESLAAAIGSDIPIFEPTGHMVCDIGGGTTEISVISLGGMVVSRAIRTGGDEFDESIIKYMRNSHNIIIGQQTAEKLKIKIGNVYPDIQNLRVEKIDIKGTDAVTGLPRKQLVDSMEVRESLQEPINVVVDEVKRTLGATPPELATDIVERGIILTGGGALLKGLNRLLSKETGVPVYVADNPLLSVAVGAGLFYDYANRIDISKNIYSFINE

>BB0716

MNFLVKFKNFIKVLLVLIVSLVFMIHDSSSIQKRRSDNFLFFTLNSYIQSRMHGVFSFISNVFKTVNEYKNYKDKIEFYKKRIQQLEIVTQNIQSLRQENVRLKEQLNFYSSSSSDFISAEIIYLNYSNISTLMAINKGFNDGIEKDMIAVAYQDGFSGLVGKVVKVYSNTAKILPLTNYENFVSARIQSSRFIGLIEGNGYGKKLEMNYVNRLAEKDLKIGDSIVTAGFSEYPVGIYIGKITNFHILDYNSLLKIEVEPAIVLDKLEYVFLVKNNKEIGE

>BB0717

MATFFTYFISSAFLGKIFQHYFATYFYFSIDIFLIFLVFNSLNFIFNVGLLSSILYGLLMDYFTGLPLGFFVFGYTIIFYFNNKIKLFMPKNMLSMTIFFILSKIILWFLAIVFYDFVDLKSFNYSIFNLDLFVNIMSINFLYPIQNYFTRNFYSFKEDY

>BB0718

MGVITNFRYKFGIFFLIVIMVLYLAILFQMQIGKHLFYDREANVFLSRLEKINASRGEILDSNSNVLANNLTMFILKISLQQYYNMPAATRIEMIDFLSSTLDIDKSIILSKLQEPGGYLKDVEIIELTPKMLFKISEKKFYYPALLWTYSFKRNYLVDDSYSHSIGYVGQINQRELRTFYNVSGYDNTSTIGKLGVEQVYDNYIRGQEGLIKYKVDSKERRIDDGSIIKNMVPGNDVVLNINKDIQDLAKNALGKRYGSVVVLKPSTGAVLALHNYPYYSMKDVYNKDNKEDYSFLNKAIQSVYPPASIFKLVVAAAILEERVIDKDRKIYCPGYFKVGNRIFHCWKPGGHGYVNLEEAIAHSSNVYFYTLGLKYLGVDRIRKYAKEFGFGEKTGIDLPNEVAGLLPSPEWKEKTFNQPWVGGDTVNFSIGQGFLNATPMQIVNMVAMIANEGVVYKPRIVNKILKGGTNKVVLENKPEILRKTNLISKNTFKLLKKYMRSVITYGTARYAVLTKAVEVGGKTGTGQTGIDGFENSSFIGLAPYNGSADNQIIVFSLVEAKSNVDWWPAKSTDLIMQGIFANQSYEDILKGYRPWYIR

>BB0719

MQIKVMKIFLKVIGRGILGRLMVFRKNYDYLALISLLIVSFVGILLIYSSDYNISGSLTKNEYIKQTFWVIIGFFLIFIVGKYDLKFVYSMVYPLYFLLILALIFTAFFGMTVNGARSWIGIWKLGGQPSEFGKVVIILTLSKFYTEKKGYNEFFTFITAFLLIFPSVILILLQPDFGTAIVYLTIFIFISFFAGIDLHYVLAFALIGFFSFVFAILPVWYEYKVNMGNVFYLIFSNPFYFRVIMGVLLLILLISVLGFFISKYGLSIKIIYFYVFFASSILLVSIVFSKVLSKLMKTYQIKRFLVFLDPAIDAKGAGWNLNQVKIAIGSGGLLGKGFLKGPYTHANYVPSQSTDFIFSILAEEFGFLGVSTILILFFFLFFKFLIIMNKSQDRYMALVISGILGLLFFHTSFNVGMSLGVLPITGIPFPFLSYGGSSTITFFLAMSFYFNIESIVAMD

>BB0720

MSKDLDKEDILYKKRHSIAHVMAEAVLDLFPNTKIAIGPPIKDGFYYDFEFKKQITEDSLLDIENRMREILKTGSSFEKEIISVEQALEIFKDEPYKIDLIKNFDLQNEVSIYKSHNFVDLCRGPHVENMNKIDPKAFKLTSIAGAYWRGSEKNPMLTRIYGTLWNNEKELRSYLNLREEIKKRDHRKLGKELDLFSIHEEIGPGLVFFHPNGAKIRALIEDFWREEHSKNGYDILFTPHIGKSWLWQTSGHLDFYKDSMFEKIEMDKSDYYLKPMNCPFHIAIYNTGKHSYRDLPFRWAELGTVYRYEKIGALHGMMRARGFTQDDAHIICTHSQVLDEIKEVLRFAIYMWSKFGFSNPKAYLSTKPDKSVGNDSDWEMSLKVLEETLSDFEVPYEIDKGGGAFYGPKIDLKIVDSLEREWQMSTIQFDFNLPERFNMTYTAEDGKEKRPFMIHRALLGSIERFFGILVEHYGGAFPLWLSPVQVVIIPVNNIVEDYAIKVFNKFKNEGIRIKLDNSSSRMNAKIREYQAKKIPYMFIIGEREATEERISIRTRTNEQINGMKLDEALKFILFKIRDKEI

>BB0721

MNNLIKVITPNKITLVRIALSFIILILFFLENVFFSYLFFGIIWFLIIFNEFTDFIDGYLARKYGLVSNVGKILDPYADVLQHLTYFVFFFYKGITPYYFFVIFIYREISIGFVRNLIIQFNVVQQANFLGKLKSLLYAVCTFASLLFYTLNQLNFTESVQNFISYILTFKFKFLFIVQMTYVCAAFFAILSFLEYVLIFLNVKKYENK

>BB0722

MKINKTFILLFLFTKFSFVQAQANQILTEISPLSILSKNGKGSVYLKVSKSSDYILTLDKSSNSDFVFKIYDISNKKYITDKVKRRDFKIRLDKNSLYAIIYVGTKNENIKFSLTDLDFSILSSDSLKAKTSKIEKEDLFFTLKDLPVLNLTAKLKKYVLRIYKSNIYIAYQLENSDDIKVAEFIEDVGWFNLDSSVNRNITNIVNFDFSINSKGNLYIAFVTKSGADFASELIVKKFNSRKWIDISPGHIENFGSLLNISIDLKDRLYLAYLREIRGEYKINLISNMGYGSIWTDVIHAYLSKGDSNVNSSNIGLISEPFLGIFYNYKSNNEIKSEFIVNNENAWVNANIPSVYMANFIKGFFDSNFNQIIMSFVSENRPIVNICPLKSSRWINISPNVEMEGLSADIGLYKNNLFLAFEDNNNVRLIYFKNKNWYFLNKLENFKSNVKSPQIGIYGNQGLVISTLSSNSNELFFTLICQ

>BB0723

MFEIESKAFIPTKELKRIIKLANKKFKFIKEEIKTDIYYSNQKKIIRIRKLNTLEKIVTFKKKILDNNNTVEINKEIEFKIDSINNFLTLIKELKFKKLYKKIKKSLIYQTNNLNVEINEIKNLGFFLEIEKIINNQNDIDLAKKEIDNIINQFGLKENIETRPYSELLSLANQSKK

>BB0724

MYDMLKFEFSDRFLLFSYFVLIMFIGSLLLMLPISWEGDGKLAYIDALFTAVSAVSITGLTTVKMEGFSTFGFILIMLLIQLGGLGFISITTFYLLIPKKKMNLTDARIIKQYSLSNIEYNPIRILKSILFITFSIEMIGLILILICFKLRGVNISFLEALFTTISAFCNAGFSMHSESIYAWRDVPEAIVVVSILIICGGLGFMVYRDVNNTIKNKKKLSLHAKIVFSLSFFLIIIGAILFFFTEMHKLKAGYSMSTLIFNSIFYSISTRTAGFNYLDNSLISGRTQIISLPFMFIGGAPGSTAGGIKITTFFLIVLAVVKNQNGNGYIIGSYKVSIDSIRFALLFFARAIFILSFSFFMLLFFEGGSGNWKVIDLGYEVFSAFGTVGLSVGVTQDLSFWGKVIIIFTMFAGRIGLFSMAVFVSRKSRFEEFTRPRQDILVG

>BB0725

MKHMKTFVIIGLSNLGIHLLEDLSRLDCQIIIIDTSKELIEEYDVISTESFVVEQFTKNALKRIIPVDTDAVVIDFDDDLGKSALVTHYCNLLGLKEICVKTENRDDAEILKTLGATKIIFPSKDAARRLTPLLVSPNLSTYNIIGYDIIVAETVIPKEYVGKTLFEADLRRECGITVIAVRNLSNSRYEFVDGDYFFLKDDKIVICGKPDSIENFTNNKDLIKDLISGSKEDENLNKDAEKKSRFLGIFNFMKIFQKDRKDN

>BB0726

MTKIIPVASGKGGVGKTSFVANVGYKLSSLGKTVILVDLDLGGSNLHTCLGVKNKGVGIGSFINKKSKSFSDLVCKTSYDKLYLIPGDALYTGTANLPFSIKKKIIESIQKDLIADFIFLDLGSGTSYNTIDFYLASYSGVIVTIPETPSILNAYSFLKNALYRLLYLGFPQKSPERDYIGNFFKDKIEGTNLGFKDLVVGIELISLSSSLKVKRMMNNFYPRVVLNRIETSEEIAMCENLINVVKNNINIPIEFIGFVPFAKSFREAINNRVPFIDFEKNSKLNKYFEFIAGNLIKSPIEGSPYIYDDIYDMIKDQSRFIRK

>BB0727

MVYRIKNENLDFKIDSLGECKQNNPLIDFYASEGSSHFVNEKNKIKFSVYRNEDKGDRYEDVLLEKAGPREKIYFVPRHVKAAITTCGGLCPGFNDVIRSIVRTLWKIYGVRNIYGVKFGYQGLLPESNSPFINLNPDVVDDINKFGGTILGSSRGGIKPVEIVDTLERMNINMIFNIGGDGTQKGSLLIAEEIEKRNLKIAVVGIPKTVDNDFMFVQKSFGFETAVEQAVAAVAGAHFEANSAYNGIGLVKVMGRDSGFIAAHTALSSNDVNFCLIPELDFDIEGPNGFLVHLERRLLEKESLEEIPHAVILIAEGAGQKYFDHFPKKKDDSGNLLYEDIGLYIKDKITEYFKAKNIQFTLKYIDPSYIIRSSPANASDSLYCARLGSNAVHAAMAGKTKMLISLWSTKFVHIPIKMAVIDRNKVNPNGSFWRDVLSSTGQPISMKN

>BB0728

MMKIIIIGGTSAGTSAAAKANRLNKKLDITIYEKTNIVSFGTCGLPYFVGGFFDNPNTMISRTQEEFEKTGISVKTNHEVIKVDAKNNTIVIKNQKTGTIFNNTYDQLMIATGAKPIIPPINNINLENFHTLKNLEDGQKIKKLMDREEIKNIVIIGGGYIGIEMVEAAKNKRKNVRLIQLDKHILIDSFDEEIVTIMEEELTKKGVNLHTNEFVKSLIGEKKAEGVVTNKNTYQADAVILATGIKPDTEFLENQLKTTKNGAIIVNEYGETSIKNIFSAGDCATIYNIVSKKNEYIPLATTANKLGRIVGENLAGNHTAFKGTLGSASIKILSLEAARTGLTEKDAKKLQIKYKTIFVKDKNHTNYYPGQEDLYIKLIYEENTKIILGAQAIGKNGAVIRIHALSIAIYSKLTTKELGMMDFSYSPPFSRTWDILNIAGNAAK

>BB0729

MDKISILYTLINIIIMLILISIVYLCKRKNVSFTKRVFIALAIGIVFGMTIQYFYGTNSEITNETINWISILGDGYVRLLKMIIIPLIITSIISAIIKLTNSKDVGKMSLLVILTLVFTAGIAAIIGIFTALALGLTAEGLQAGTIEILQSEKLQKGLEILNQTTITKKITDLIPQNIFEDFAGLRKNSTIGVVIFSAIIGIAALKTSIKKPESIEFFKKIILTLQDIILGVVTLILKLTPYAILALMTKITATSEIKSIIKLGEFVIASYIAIGLTFLMHMTLIAINKLNPITFIKKIFPALSFAFISRSSAATIPINIEIQTKNLGVSEGIANLSSSFGTSIGQNGCAALHPAMLAIMIAPTQGINPTDISFILTLIGLIIITSFGAAGAGGGATTASLMVLSAMNFPVGLVGLVISVEPIIDMGRTAVNVGGSMLAGVISAKQLKQFNHNIYNQKELVNK

>BB0730

MFMLNYKNLNELENFKILEGIAPEVLKTALTGKRIKEYDITIEGDSVHYNYASKQINETHLKIFQNLSDEANLIEKYKEVLDGEKINISENRKVLHHLTRGQIGKDVIEDNKENMREFFQSELEKIYNFAKQIHSGNIKSSNGKKFKNVVQIGIGGSSLGPKALYSSIKNYAKKHNLALMNGYFISNIDPDESEEVLSSINVDETLFIIVSKSGNTLETKANMQFLINKLKLNGIKEYKKQMVIITLKDSMLAIEEKGYLEYFFMHDSIGGRFSPTSAVGLTLLTLCFTEKVAKEILKGANEADKKSLNKNVKDNASLLAALISIYERNVLNYSSNCIIAYSKAMENFYLHLQQLEMESNGKSVNRFNETINYKTVRIIWGGIGTDVQHSFFQMLHQGTDIVPMDFIGFNETQLKEDVISDNSSSNDKLKANLIAQIIAFSKGKENSNKNKNFQGERPSALIYSKELTPYAIGAILSHYENKVMFEGFLLNINSFDQEGVQLGKIIANQILKNDNFKDEVIESYSKKILKKF

>BB0731

MLIDIDQIKIKKRIRKNIGDIETLKNSIIKHGLIYPIIIDKNKNLIAGLRRYQALKEIGYKEIEVKVISIENKKTLLEIELDENNVRKSFTRSEANEGEAYLKIYSESNIIIRFLKFIILKIKNMCKIRNRKI

>BB0732

MKLNSPNLKKINTHKLLIYLTYFAVSFSIITLSLAVSKTINIQKDKNFGYVNPAVPSRLLDINGKQITQFISDENRELMPLRKMPDNLINTLLIREDIGFFSHRGFSLIGIFRAAFNIVLGRYFSGGSTLTQQLAKLLYTNQARRSILRKLHEIWWAIQLEKKLSKYEILEKYLNKVYFGNGNYGIVAASKFFFGKSVNKINTAESVMMIIQLPNAKLYSPLYNPEFSKKIQRAVLNQVVSNGIVKAEIAEKEFNEYWQNYDWTRMADTSAISNKKDQAPYFSEYIRQKILKYLPDGANIYKDGYSIYSTLDLEAQKYADKVTNDMINKARTMHNLNRSSETIIINSEIVPVVDAISDLLGIKNLRINGRQYKKLRKRKFYEDNIDLIASFGAILGIDKIDKATKEYIIKNKLTPKLIAQPEGAMIAIDTTSGAIRAMVGGSGHTKDNEFNRATQAKVQPGSAFKALYFAAAIDLKKITAATMFSDSPVAFLNKNGEVYAPGNYGGKWRGNVLTRQALALSLNIPALRILDRLGFDSAISYSSKLLGITDPKEIEKTFPKVYPLALGVISVSPIQMARAFAILGNSGSEIEPYGIRYIEDRAGRIITNEEASILAKIKNKEHQTQIVSPQTAYIITDMMKSTIQYGTLANQRYTNLKNFKSDIAGKSGTTQNWADGWAIGYSPYITTAFWVGFDKKGYSLGISGTGTGLAGPSWGEFMAEYHKNLPKKVFVKPAGIISIPVQAETGLLPEEIADEKIINELFISGTQPVEKSKYYENKQEFKNTIEFNIYGIDEINNNDEINFDTPEFEYLDNNLESFNNNSNNDNNLESFNNNNNDLESINDNEENKNEDEIEMNIEEPLNEIENKNPQQDLVNNNNNQEMLIENTKEIKDEVIVNETNIETQSTKELNSNNNENEKINNKDVNGEDIQLD

>BB0733

MFSIFIFKKRRKERFMLLSRKIRDYGAKYRGKEIKMSTEINSFLNLRNTIEMRIGSYTAFGVIYSISMDSLKLIFQEDTVLPALAKNKNLGSIQLKKNSDSKSSAAFFPFLSVKLLSASAYSSLNKEYNLLTLEFLSPAPEEIAIKVGKLLDLKLGQNQRIHERIIIDKDSIRKLKIDSDKAFIKFNGAKHKCLIKDLSYGGALVISSFDYGDVEEDAIDLIFSFEFIDGEIFIEGKSKSLSVIQTPSGKVFALGIAFDEDKIPLEYTMLIHDYFN

>BB0734

MISTEIISSSQIQKAAKLIKMGELVVFPTETVYGIGANAYNEDAVKMIFLVKKRPINNPLIVHVDTVKKIKELSEYIPKSALMLIKKFSPGPLTYVLKKSIKISRFVSGNLDTVAIRIPANKTALSLIKASKVPIVAPSANISKRPSSTNFEMALKELNGLVRGIIKPEENKDFNIGIESTVVGFDLKDNVLILRPGAITKKMIENELQGKYTVNYAETKMELEKSPGNIIEHYKPKIPVYLFKSQDNIRRYLNKDTKILITKATLKSYLFNFFWNKKNITVFNTLEEYAQNLYKELVNSENNYKQILSEFLKDEELGHSINNRIKKASSNRFINKK

>BB0735

MFIEICFYIIINIMRNLIDAILRDNKNFVFLFVFFFIASHLNSATVGLASWYGEAFHGKTTANGEKFDMMALTAAHKELPFNTTVKVTNLLNNRSVVVRINDRGPFRKDRIIDLSKYAAEKLDFLGIGVAPVKIEVIESSNEKRPSVSKSSDFKKTFNIPGVKEEKKTKQSDENISVKNKSKDLLADYSVSADKETDFYIQVGSYRKKDYADRAYRILKKAGLFVVVNSHGPFYTVFIPTNADDVQKNIELIKSAGYKDTLIRKTKVPGESLIMD

>BB0736

MIMSFIAGPFVVFLYFKNFNVIFGNLNLLNDCFTLFKFVFYCYVVIL

>BB0737

MLCSYFMKFLFDIPLPIMILAPMEDVTDTVFRNLIHLIGSAEGEPHIYFTEFISTKGILNGSKQSVQHVFLKPNELNRPLIAQIWGNVPEQFYRAIEILGSMGFWGIDINMGCPKSKIIKKGVCSALINNKSLAKEIILASKEACARFNLPLSVKTRHGFSYPEVDDWLGFLLGLEIDMLTVYPRLAVNQSKGPVNFDIFYELVKLRNNLSPSTLIIGNGDVLSLKEARYYVDKYLIDGIMFGRGIFDNLNLFKPFSKHFLDSNLNFRLNILKFHIKDFHATWGLEKDFNKLKKYFKIYFTEKERQSKYFSNLINSKTYEELFENLKVIDMVGDF

>BB0738

MNCRPLEKYDPKAFEDEIYTKWLKNNVFLPDNSLFEKFSMVAPPPNVTGVLHMGHALNFVLQDVLVRYKRMKRHNTLWLFGTDHAGIATQAVFERHLKKIGKSKDDFEREELVQEIFKLKDRHRGIIVNQINKLGASYDHSRERFTLDENLCKAVNKVFKDLYFKGLIYRGEYLVNLDPGSGSVVSDEEIEYKEVDGKLYFVKYFIDNSSFIEVATTRPETMFGDTAIAVNPNDERYKSLVGKEVTIPLTTKKIKVIADFYVDSAFGTGALKVTPAHDPNDFEISKRHNISKVNILTQDGKLNKNVPLQYQGLSAKDARFKIETELMEKGFLQDVKKHKQQVGHCYRSGEVIEPYLSTQWFVRMKPLADKALKALENGELKFYPKKWENTYKYWLSNIRDWCISRQLVWGHRIPVWYNVDTSELIVSDTDPSLDEKNMGKRFVQDPDVLDTWFSSWLWPFSSLGWPNVDVDFKNYYPTNTLITAYDIIFFWVARMVMAGLEFTGQVPFKDVYITPLLRDKQGKKMSKSLGNGIDPLDIINEYGSDSLRFTLSFLSVQGQDLNIDAKDFMFGAKFANKVFNASKFILLNLKNRKILNDLKFNDIDKWLLTSLNSTILGVESSFANYKYNEASKFVYEFFWNDFCDWYIEISKIDLNNENVDIQNMAISKLLFFLKKSLLILHPFIPFVTEKIYSEFAEKEDILALNEYPNFDIANNFQEEFEIFKVLKTFIIAIRTLKSEFNIPASVEIDVALKFDADFKYEAYFKANESIVKRMINFKNIFYNENYDGMLGVAAVGFEIYADVKSLIDKTKELIRLEKQLEKYKMLNISVSKKLENENFLMNAPKEIVESEKLKFVEFSSLINKINNYIINLKNL

>BB0739

MTKKLFVRVLIFLISNNYAFAKDTIKDLFFIQDILIKKEKYSEVLNNASLEGIIEIEHNGPYIKDHDSEVKLILKENGYRRNFNFFNLLNTSNIIKSLSLFDSRPKNIKENEIILLETKMIKENPYKRYKDDDDFELKLSVTRKNNQIYLILDFNFLFDQRKTFPSIYIKEEDVSTIINSFMKLQDSSFLSPQAS

>BB0740

MKKPIFKENTIYSSKFDDIYYNPKQGIEESFYTFIKGCNLDLELKTKKNILIAELGFGTGLNFICLLKFIKENNITSKINYYSIEKFPLEKKTIMQISKFFAKETAYFKLMLKNYSKIPKKNLKLKITENVNLKILIGDAKIKIKEIPENVEYWFLDGFNPKKNPEMWSNEIFNLISEKSSPKCKLSTFSSARIVKDGLKLANFKYIHIEKGFGNKRHMIKAQKN

>BB0741

MFEMKNIKPLADRVLIKIKEAESKTISGLYIPENAKEKTNIGTVIAVGSNKEEITVKVGDTVLYEKYAGAAVKIENKEHLILKAKEIVAIIEE

>BB0742

MKIKLIFKIILLLEYQFRQGNGLITVSNLEVAFGERVLFKDVNIKFSPGNCYGIIGANGAGKSTFLKVLGGMIEASKGEISIPKNQRVAALEQDQFAYDGYKVIDTVIMGHKRLYSVQKEKDEIYSKLDFTDEDGIRAGELEAEFSELGGYEAESDAAVLLKGLGIDEAIHNNLMGDVEGALKVRVLLAQALFGDPDVLLLDEPTNNLDLQSIKWLEEFLINFENTVIVVSHDRHFLNQVCTHIVDIDYGKIQVYLGNYDFWYETSQILNKQLKDAKKRSEDKIAELKTFIQRFSSNASKSKQATSRKKLIEKIKVEDLKPSSRKFPYVNFKSERELGKNVLTIKNLIKEFEGNLILNKFSIIVEPQQKIVFLGNPMFATFLFDIITNEDRNYKGHYEWGSTVNFSYFNKDNGKYFDLDLNLVDWLRQYSKEQDETYIRGFLGRMLFSQDEALKKVNVLSGGEKVRCMLAKAMLSGANVLILDQPTNHLDLEAITSLNSGLKEFKGVVLFTSHDHQFIDTVANRIIEFTPNGIIDRYMTFSEYVDDAKIRDLRNNLYGNNAGFRL

>BB0743

MRGLLFIFVFSASFLRLYSDINLYFQKALTGKVAGNPIIDEKRDTITVLTKDRWLTTYTMSFEKKYSYRLNRMPYPFLLKDFDNGYYVITVRNEVQKIRRGKLVWKYKLDFSPLSSPAIGNVNILIPLANEKVVSIDLNSGKKMFEVDIGGRPATSPVVFDNGDFCIASENDEIFLFDSLGNKKWFFRLVAFPFLLMINTKKEVVVGHKSGHIVAYGRDFGEVISSIKLDFPINFLFEKFNGEYVAISNVGMFFDLNRNFKLKFKKKMNFEIEKAVLYNNRNLLISTKSNGILSFEEDFDISFSDAKLKGLSGLSANSGIIVLGGDDWVLSTYYYEYDRELDVSVWNHFGGNKYNQGRIDLKEKRFVDYDKNYLLLEEILNSNYSDAAYNKFLEILDFLAAEHGNFPAKYLNLYEKAFNVWLLSEKRFDRIASRGKLYRYFVYVNDKAAIKSFINLAIRERDINNIITIVKTITKFESYYGQDCIIYNYIQNIVLNYQGNLEIAYSVILNLRNIILNSTAELLKLCKHKYIKLLMFMRRQNFSENINKHINEIISSIQDISSPQD

>BB0744

MKKMLLIFSFFLIFLNGFPVSAREVDREKLKDFVNMDLEFVNYKGPYDSTNTYEQIVGIGEFLARPLTNSNSNSSYYGKYFINRFIDDQDKKASVDVFSIGSKSELDSILNLRRILTGYLIKSFDYDRSSAELIAKVITIYNAVYRGDLDYYKGFYIEAALKSLSKENAGLSRVYSQWAGKTQIFIPLKKDILSGNIESDIDIDSLVTDKVVAALLSENEAGVNFARDITDIQGETHKADQDKIDIELDNIHESDSNITETIENLRDQLEKATDEEHKKEIESQVDAKKKQKEELDKKAINLDKAQQKLDSAEDNLDVQRNTVREKIQEDINEINKEKNLPKPGDVSSPKVDKQLQIKESLEDLQEQLKETGDENQKREIEKQIEIKKSDEKLLKSKDDKASKDGKALDLDRELNSKASSKEKSKAKEEEITKGKSQKSLGDLNNDENLMMPEDQKLPEVKKLDSKKEFKPVSEVEKLDKIFKSNNNVGELSPLDKSSYKDIDSKEETVNKDVNLQKTKPQVKDQVTSLNEDLTTMSIDSSSPVFLEVIDPITNLGTLQLIDLNTGVRLKESTQQGIQRYGIYEREKDLVVIKMDSGKAKLQILDKLENLKVVSESNFEINKNSSLYVDSKMILVAVRDKDSSNDWRLAKFSPKNLDEFILSENKIMPFTSFSVRKNFIYLQDEFKSLVILDVNTLKKVK

>BB0745

MYIFYFCFVFIMFYNFFMINLDLIVDETLFRYPDVKPFLNYKNNYELLIMVILSARTTDNLVNKISPYLFERYENFESLSRANVRDVEKLIYKTGFYSRKAKNIVNCSIDILEKFNGVIPNNIFDLIKLPGVGRKTANVILGSVYNKPAIIVDTHFSRVITRHALSLESSPIKIELDLKRRIKPCKQYRFSMAINKHAREICTSRNVNCDNCFLEKFAPRVC

>BB0746

MKTDTIIKKIYIVLFNIFIVLLIITPSLVNENSKIAIYKKDPNKVYLKSIKNVPMPPTKDNPLGIDKMGRDIMARLIIATRNSILLSLSYATISAIIGIFIGTIIGMFSFEICMLISKPIETLQTLPFFYVVSLVFYYFLKQKTYNMLQTATLLALIHGWIRFAFIARNNTLIIKNLDYIKASEAMGASKIRIILYHIFPEVFSSISSIIPLQMGRSLTTFEVVSFLQKQDKNLYPSLGELLNYMQMGNKYLWIWINPLLILIGINIILAIINFKLRKKMKHLISS

>BB0747

MKIFIFKNTIYLLINLICASFFCVSLVNLFSNEQQYTPFVKTNVIKNYLQYIGVYKSIERYALIHDFNPKSKLEKDCFLKHIAGNSYIIYKTKNEGMLWGDHRYSLLSKGKPTTKIIFQKIFNTLKISIPGALLSYIAAIILIIIWKIYIKNNLINNILEYLMLLLHSMPRNLTVFLILSLIYYLNLNPKNLIMGGFAWFFSFFIFNSVIFKQSLDKTLSEFYIKAAKSRGINKLQIILKHALIPSITPLLTNMRPIITTAFFGASMIESMFEIDGIGALYLNALKFNDYAISKDLIFIGVFIMLIPNIITDILIYKINPYKDTLN

>BB0748

MTIYKKIAMSFYSGILSYFIIAPIFGERGFVNYQKLDNNLTLIKNHIEKLKEIQKELKARYINLQVSKSEILKEAKKLGYYPKNSTVIKTNNNKDQYNQGQILTLQKPLSKNQNFYLISIAIGLIYYFLSSCIIQTKKITKINKLASNNSKD

>BB0749

MESKFGMKESVFFIKEGPKEVNFDIEKVFLRSESVDIVSIAPDNLKTFLDEKLLKLDNILKERHGELINCLKGVELRVERVEKEMLDNSLKFVQRDFISYDSKDFEKKSSETDDSFSKKEDNLPNISIGQEELDALLEGINYTPKENEEVQHDVKFNRDKDLNLTNNLHVADNFSNNILKKEDINVDSDNVSIGNMELNNNNDHSKKLESFTTEPDKLLDSVNKNLDNSSSLEHEVGAEDPYSIANCDNSRKLESFVDNNKQRLDLINENENIEHENGDNCAILKSFGERFESKEFDDFENILKEDLDSTVAEGSFSNAGEKNLHDNLRDKSDQDQSNDVANYEKPSSQSITKDPFPSNFNFNDVEKVVSKFNAEESLSNVVLNSDEKAILINFIDRVESELELNPNRNIFKIKQEYEVLKKVKFLLTKG

>BB0750

MFDINFNLKDISVKPNNILSFDKMLSLSWYILIIFIFICFSFNAFYI

>BB0751

MDLLDLLEKEKQINKNKGVFMTKPKIFSINKEKIKILIIVVLTSTFLLGIIFSNENKVARILEEKFFDFDFNLISKIETELEGTLTKLGKDWILTYNKQNIPVDNKKVNSLIKALDELQKNKLVSRDQKKHKELGIGENPSFKLFDNNNKLLTEIFVGKSGEGDSRLAYIKGSDENVYLTKNIFLSYKGNSYNTFSDTTLFQEKNTKLENLSFKIIRKLNKENENNINNNYEIISKDGLYFLNNQKMTKERPLNIIAEFKADGLEIDKSKIDDYNLQYKIEVKWSNKSVNNIEVYFNKNEENDKDILIKKDKDEYYYTTSKWTFFDVFDLEKKLTEKDDISSNDNQEDHHEHHNNAD

>BB0752

MKNKENEVLNLTLNLTIIFLIFCNISIXIFKIDFTKHKAFTISKVTKNLFSSANETIYITYYNSGSLENYFAFPNQIKNFLISFSDASKCKVIYKEIDADKISTPLEHIGIPSQQIDLRDINQLSILKIYSGIEIIYEGKREVIPVVTEISNLEYDLANGLDKLINNTKKVLGLAFGDSTLKEAHKNFSEIMKKAFGIEIKEIDLKTEKLEDIRKDINGLFIIGAKEIDEEIAKKIDDFIVNDGKIFVATSTIDYNPQNPYGITPIKSSLFDLFESYGIKYNDNIILDKRAPTIFLGGNFQTYYPWILIDKSNIVKKDMPLLKNFYTATIPWSSSLELIKKDETEVKFLPLFASSKQSWQVKEPNLSNISLNAFEVPNKFEENKTKILGYAIEGKIKSPYKDQYSKNSKIILTGSSMIFSDYMYNGSPSNFELSGRISDYLMQKEEFFNIKSREVRAKLKFASSSNEMVNAKFSLIIVNLIILPTIILIFGLVRFTRKRKAN

>BB0753

MKIDLKQSLSLSKKELKILFGTPTAYVVMLFFLIFINFSFIFLSGFFIKDNASLTSYFSSMPIILMLVLPALSMGVFSEEHKTGSIELLYALPLSPQEIVLGKFITLKIFTLILFSLTLPLTIMTIFMGEFDLGIILLQYLGIILYSLSVLSMGTFISSITKSQIVSYILTVFTLILILFSGKLVMIFGKENIIGEILNFVSITNHFSYFNMGILNLSDFIYFITFTVTFLILSTHSITLKKWR

>BB0754

MINVEKVTKMYGPFTALFNVSFKVEEGEVLGILGPNGAGKSTLIKILTSFHYPSKGNVKIFGKDIVEHSKEILQQIGYVPEKLALYPELSVKEYLKFISEIKGVKKLKKEIDRVISIFKLKEVEDKLISQLSKGFRQRVGIAGALINNPKLVILDEPTNGLDPNQIIEFKEFLRELAKESTILFSSHILSEVESICKRIIIVNNGVIVADDTKENIIKNKLKEIEIELIVSKKSENEKKIFNSKNDIFSLIKLEEHEKDLNISLKLSQGKTEEDLFSYIVKNNIILKAMIPKHESLEKIFSKLTKEREK

>BB0755

MGFNINIIGTGGTRPLHNRYLSSVLIEYDGDNFLFDCGEGTQMSLRKQKISWQKIKMICITHLHADHITGLLGIVMLMSQSGETRKEPLIIAGPVGIKNYTQANINMLKIYKNYEIIYKEIIIDKTEKIIYEDKTKKIEYTKLKHSIECVGYLFIEKDKPGKFNTEKAEELNIPKGPIRKALQDGKEILVNGKIIKPSEILGKSKKGLKVAYITDTGYFKELIQQIKNFNLVIIESTFKNELKKEADKKLHLTAGGAANIVKQAKVLQTGLIHFSERYTLRKDLENLLKEAKLEHPDGEIFLTRDGMRLEANKNNFIIK

>BB0756

MHHEFAVIGGGIAGSTVAYELLKRNKKVILFDNEDTKATMVAGGLINPIMGRKMNIAWKEPHIFEFAKNYYQEIEKTIKSKFFIEKNIFRPFTTENQKNELIDKLENNKNITNFILKIQDGKTYNFSNDSNGGMIIKGARVNTKTYIKNIKKYLIEKNSYISKNINENKIKLGESFFKIEDFKFEKLIFAKGYKEKLKGFFSYLPFEPAKGEIIILECKKLNFKEIYNRHISLIHLKGNKFYLGGTYEWNTWNTLTNEWAKLELLKKFKKITNLKCKVIAQKAHIRPSTLDREPFLGEHPKHKNIFILNGFGTRGVSMAPYLSNLLVNNIEKIDKIPNHYNIKRYAKYYNILDHS

>BB0757

MFLYKGCFMTGKEDNDACVLHDKSLKLVLKSRSIVIAGEITKDVSRLFQEKILLLEALDFKKPIFVYIDSEGGDIDAGFAIFNMIRFVKPKVFTVGVGLVASAAALIFLAAKLENRFSLPFARYLLHQPLSGFKGVATDIEIYTNELNKVKKELNNIISKETGQKISKIEKDTDRDFWLDSSAAKKYGLVFEVVETKYQLEEFISA

>BB0758

MLQKSMGLYLKLLRQSINLKSLFPLSVLFFSCNVVDTDFSVLEFKVANFNLNDDFSQGLLDSAYNILNRSFDLIIIKNLKNKNVLDLINNRVLFRAFKNAYFIDQGSGLSVSILSKRKINIKVLSVMQDSCDLKLGLLVDFKFENNHYGIVIYNLSKDFIKSIANLQISEQILYLKAQMDKLMFILDESEFVIFDLLIKNGFFSLINDSNYTSMLANKIDFRVFSNFFARVSLYSFMFVIADYLHSNYVVENFPQKIVIN

>BB0759

MLNIYIKGILLGIANIIPGVSGGTLALILKIYYKIINSISEILKLTEIKKNLMFLTILATGMLTSILLTAKIFKTYAFDNGIIEALLIVFFIGLAFGNILTLKTEISIKEINSNTKILNNLLFFIGMSIIVLFLILKESNIQLQSTIPKDKNSIKYYLLLISSGTISGASMILPGISGSAMLLLLGFYKEIILIVSEFNIILITIFAAAATMGIITSILIIKKIIDKHLNNFIYLSKGLIFGSILQMILIVLKLNFKIGFTSFTSLGTSFILGIFINKKLAEKYK

>BB0760

MDLQIITNCNKLSLNMELNEYQEKAKKTAKYKNKKEELILTTLGLAGETGEVVEKIKKLGRDKNYIIDDEYLISIKKELGDVLWYLSSLSNNLGITLEDVALTNLKKIQKRHENGTINGEGDDR

>BB0761

MSKIFLLFNAGFFFLKIIYVFSYPEIKNFSRQDPVFSDLKIKVLKYNKKQHIPLFFYSYKVKKGDTFFKIANKINGWQSGIATINLLDSPAVSVGQEILIPSKKGVFVFDSKDYRFNNLLLATRDLAKAEKVKIKRNDRVYEFYFFDFVKNPDFGLFSGTELLFFLNANFIFPLKKFIVSSDFGFRNDPFTGNKSFHTGIDLAAPMNAEVYSSSSGIVIEAGYNDLYGNFVVVGHKNNIKSLYGHLNLYSVKIGDFVKSGEFLGXVGQTGRATGPHLHFEILKKNIPINPLKFLK

>BB0762

MYIFETKKFFNANNYIKMKHFLLKSWRKSVKIFLSNK

>BB0763

MKMSKILVADDEKNIREGIATYLEDEGYFVFTASDGEEALETIENENLDVIISDLRMPQISGEKLLKIVKEKNLGIPFIILTAHGTVDSAVDAMREGAYDFLTKPLDLERLLLIIKRSLNKKENNDNENANLENILIRKDLKYYEKIMGKSLLMQKIFELVIKIAKSNASILITGESGVGKEIIADAIFDLSNRNDKPFIKVNCAALSESILESELFGHEKGAFTGAISKKKGRFELANKGTIFLDEIAEISPEIQVKLLRVLQNKTFERVGGEATIKVDIRLLAATNKNIEEEIKKEKFREDLFYRLNIININIPPLRERKDDISYLTNILIKDVAKENNREEKTLSNDAMKALYYYDWPGNIRELKNVLESALILSKGKQITKEDLPAKIKNNENLIFKITLPXGISLKEAEKEIIKQTLFHSKNNKSKCAEILKIGRKTLHNKIIEYNID

>BB0764

MNNFFKKALTKLNKLSNEQKTKFIEQIYKKIEIYDGIFASINEGIIVLDKQNNIIYANKILYQILALTSKSKIEILDDIQIPNLINLIKELVRTEDKIIGLEVPISNGIYIKISFMPYVKEKKLEGNIILIEDIKEKKKKEELFRRVEALASFTRHARNIAHEIKNPLGAIDINLQLLKKEIEKQKMKNGKAENYFKVIKEEINRVDKIVTEFLLTVRPIKINLQEKDIKQVIGSVCELLNPGLENKHIKLLLNLNKISNILIDEKLLKQVIINIVKNAEEALLETKKEIKKIEIFLFEKDNKIHINIKDNGNGIKDGVKEEIFKPQFSTKEKGSGIGLTISYKIIKELGGEIFVESKEGKGTIFTITLPKLNKKNILIEGY

>BB0765

MTMLPKIAKEIINEYDQKILPNAILLLGEKFSSKKISAIELAKKILNGKNLTNPNLLIFSNLDTVEAKAHLSTNSQKIANKYLEYIKTVIFTKCYFSNEKNLKKIEKNINYINSVYYEKEYNENIKNELIKNIENINKELNHSITVYDVKKIQTWIFSEKEKPKVIYINEIENLSFNVHNSLLKILEEPPSNIYFILAARNKNKIPKTILSRLRVYNFAKLDRSLEIQRFKESFLINKDITIEEYFASFYKEESKKIKKELAKILNIIKEKKSIFNLEEVDFIKDEQSFKIFLNELTINIRKDFLENKIDINQYLKYTEHLKNIYKYRPYNQNKKLIIENLMLNYEEI

>BB0766

MIINDPVKITGIVDILIIIIFTSLGFRGFLRGFIKEISGFAEVFVLILLLYKKTEEFRRFVEPIIELSYIQALLVFFLLIHIGFLILQSLIESIISQLKLLFFNRILGLVLGLLEAFGIIAIVVYIIHSQQIFKPEYFLKESKLLDYLNPGINYLFKISKTK

>BB0767

MSNKKIIFFTGGGTGGHVFPGISIIQKLKEFDNEIEFFWIGKKNSIEEKLIKEQDNIKFISIPCGKLRRYFSFKNFTDFFKVILGIIKSFYVLKKYKPQLIYATGGFVSTPAIIASSLLKIKSITHEMDLDPGLATKINSKFANNIHISFKESEKYFKNYKNIIYTGSPIRREFLNPDPKIIKQLTQNTNKPIISILGGSLGANALNNLALCIKKDAEIYFIHQSGKNLNDLSEKNYLRRQFFNAEEMASIVKFSNLIISRAGAGAIKEFANAGACAILIPFKKGSRGDQIKNAKLLTNQNACIYIDEDEILNINILKIIKKTLKDREKINSLKENIKKFNNKHSSTLIAKLLIKDIKETKSK

>BB0768

MKRILAMHDISSMGRTSLTICIPVISSFNMQVCPFVTAVLSASTAYKKFEIVDLTDHLEKFINIWKEQNEHFDILYTGFLGSEKQQITIEKIIKLIKFEKIVIDPVFADDGEIYPIFDNKIISGFRKIIKYANIITPNITELEMLSKSSKLNNKDDIIKAILNLDTKATVVVTSVKRGNLLGNICYNPKNKEYSEFFLEGLEQNFSGTGDLFTSLLIGYLEKFETEQALEKTTKAIHLIIKESIKENVSKKEGVRIENFLKNTF

>BB0769

MKVLGIETSCDDCCVAVVENGIHILSNIKLNQTEHKKYYGIVPEIASRLHTEAIMSVCIKALKKANTKISEIDLIAVTSRPGLIGSLIVGLNFAKGLAISLKKPIICIDHILGHLYAPLMHSKIEYPFISLLLSGGHTLIAKQKNFDDVEILGRTLDDACGEAFDKVAKHYDMGFPGGPNIEQISKNGDENTFQFPVTTFKKKENWYDFSYSGLKTACIHQLEKFKSKDNPTTKNNIAASFQKAAFENLITPLKRAIKDTQINKLVIAGGVASNLYLREKIDKLKIQTYYPPLDLCTDNGAMIAGLGFNMYLKYGESPIEIDANSRIENYKNQYRGKNNEKNFSNA

>BB0770

MFVFYIKKNKFIIVIFIIISIVIAITQAFASFLYFNDNSKIANAPLKNRFEKTQKESLIIKNNNEDKKAKSKPKFYLIIDDVGYDEFMLEQFIKLNLKITYAIIPFLPKSMSLYKKLKNANKTVIIHFPMQSKHRNSIEKFHINIKDKKEEIHKKIEKAFKKYPDAKIMNNHMGSLITSNKDLMKIILEKLKEIDRYFFDSVTIAGSVPEIIGKEIGVKVEKRDVFLDSKDTEESVTKELEKAKNIARKNGMVKVIGHIWSKNTLKVLKKEGPDLNQEFEFDNLLNLYEETIR

>BB0771

MNIFSNEDLNIYLKSVREHKLITHEEEIKLAGQIQRGNAKAKNKMINANLRLVLKIIKRYAGKGLKIEDLIQEGNLGLIRAAEKYDPNKNTKFSTYASFWIKQSLQRALNTKTRLVKVPYRKENLILQINKYLTEEEKSPKKEEIMKRFNLSPAQYIKIIPYLEKEYSLDKEIEGSENSTLLNLYEDNSFNPEITLEQDSTLKHLNYILETKLNEKERYIIKKRYNLDNSPKKSTLKDISTELGISSETVRQIEKRVLKKLKEEIN

>BB0772

MNKLMLMLITFATSLLAQTNKASTGLKTDQSFNNSLSESVKLKEIADIYPTNTNFLTGIGIVAGLAGKGDSIKQKDLIIKILEENNIINEIGSNNIESKNIALVNVSLQVKGNTIKGSKHKACVASILDSKDLTNGILLKTNLKNKEGEIIAIASGITQPNNKLKGSGYTIDSVIINENQNINHSYNIILKKGNYTLINRIHKILTSKKINNKIKSDSTIEIEAKNISLLEEIENIKIETNPKILIDKKNGIILASENAKIGTFTFSIEKDNQNIFLSKNNKTTIQVNSMKLNEFILKNSNNLSNKELIQIIQAAQKINKLNGELILEEIDGNQN

>BB0773

MIYYITKNLSNENIYILQFNFDESEINIEDKFFKKVKFKVKSNNSYKNIPIEKTLVYYAKNFESYKRHNYINMYIDVIEPIVFAKENLKKNEILNEYNTYFKYKINTTRINDVLSLNELNNSKYKVIRNTIKNEEIRLNKVQKE

>BB0774

MMRALWTAASGMTAQQYNVDTIANNLSNVNTTGFKKIRAEFEDLIYQTHNRAGTPATENTLRPLGNQVGHGTKIAATQRIFEQGKMQSTNLLTDVAIEGDGFYKILLPDGTYAYTRDGSFKIDSNRELVTSQGYKVLPNILFPEEYIQNSITISEEGIVSVKIDTSNEPIELGQIEISRFINPAGLSAIGSNLFKETAGSGQEIAGIPGSEGMGRLRQGILEMSNVSIAEEMVTMIVAQRAYEINSKAIQTSDNMLGIANNLKRQ

>BB0775

MGQLMLILIKLIVFKDLTVVRGIYTAASGMMAERRKLDTVSNNLANIDLIGYKKDLSIQKAFPEMLIRRLNDDGLYKFPKGHLETAPVVGKIGTGVEENEIYTVFEQGPLKTTGNPLDLALTDQGFFVIQTSDGERYTRNGSFTIGKEGILVTKSGFPVLGEKGYIYLKKNNFKITPQGQVFHNSNFESDPKRLVSEYENSWENYELLDTIRIVNFENPRFLKKQGNSLWIDTKTSGKAQEIDISLRPKIETETLEASNVNAVKEMVLMIEINRAYEANQKTIQTEDSLLGKLINEIGKY

>BB0776

MMTRVFSKFFLFFCFSMLLFANSEDSNEKDIVSKDENPVFENEVLGYWVGYNDVSNIKNSIIYIYKYNGEVYGRILTIIKDGKKYDAKNPSGDTVVGFENLAIEGLDFMWGLKYSSSSKKWDRGKIIDPKNGKIYNSEMRVDSKTGNLITKGKVWIFGRSKIWTRAKDDEIPKLDLHNLVPAPPVKK

>BB0777

MKNKTEYYDQFISKIPNFPKKGVLFYDITSVLLKPEVYSSLINEVYSFYNFKKIDCIAVVESRGYLIGAPLSLKMQLPLVLIRKEGKLPREVFSEEYELEYGFGRIEVHKDDVRTYSNILLIDDILATGGTLKSSAILLERAGGKVKDIFCFIELCAINGRQSLESYEVNSLVRYN

>BB0778

MYALVEINGKQYKAIEGEFLKIDKISPVEKDKLEFNSVLLINKDGEVKIGKPYVVNSLIRCTYKEDKKDKKVVSYRYRRRKSSERKVGHRQTYSYILVDEIVF

>BB0779

MINVLVKVKDDVIIYLLANGHAIGKNNVNVVCSSFSFILRTFFSVLDLEGEAFVVKNSKRGYLEFKPFFKDLNKESLFYYSRFLIRGINDLCFEYPNDIKLVLEEN

>BB0780

MATSKSGGSSKNGRDSISKRLGVKRSGGQFVKAGEIIVRQRGTKFHKGKNVGLGRDYTIFALSSGKVEFKTLKGRKYVSIV

>BB0781

MYNFKDSVNITVVSGNGGSGCVSFLREKFNAKGGPDGGNGGSGGSVIFKVRENLSTLSFYKNGHVLCAENGKPGMGFKRSGANGKDLTLFVPPNTEVYNENDGTLLYRLKNLNDEFVVLKGGRGGLGNWNFKTSVRRVPRFAQPGESGNSLSVRLELFLVADIGLVGLPNAGKSSLLNRITSAKSRVANYPFTTKIPHLGMLRRSYDDLIIADIPGIIKGASFGVGLGTKFLKHIAKTKILALVIDISEANFLESYNILLNELKSYSHKLFNKKKIIIANKLDLDGSEKNFDCLIKALGKEKVVGISIYENRGIDELIKEFFILAKTF

>BB0782

MVFGYQILFRKEIVRIAILGGTYNPVHIGHIFLAKEIEYLLNIDRVIFIPTCNPAHKLIDENVSVSNRIDMLKLALENEDKMFIDDCDIINGGITYTVDTISCVKKKYKNDKLFLIIGDDLFQNFDSWKDPQSIVSSVELVVAHRIYKERLKSSFKHIYIDNKIIPISSSEIRNRIVNGLPVSYLLPFGVLKYIKDNNLYVKKVNV

>BB0783

MRKDLIFLFLIVLIIASVVIFFIRSSKKELVYFELNTKSNISFLFLIEDLNKNLVSMQEIFINMKTGNIGFFDIPIHTGYEDLKGNISWFKDLYKKNSFNKFLSKIYTQLSHESDYYIRFQKENFVRLIDYLGGVRLLVKNPVKVYSFEDSILIPSGTSNFDGDKAYDYLRYFNDVNQFEERVEFFKEFFKRLLFQISDFGIENDSFFKIYSMLDTNLSEVVFKYIVKNYKINNDKIISINIKGQEEIFKDNDNNLIKVVFPYYGGAILKESVDKLNKELVNEGAEEIVKIVVLNGTKVVGLAKKTANIFNSLKFKVLKFGNADKNSYKNTLIINNSDNLEMAVRVGEVIKTSNIKPISEVQAKRLLELDNLDINPDVIVILGDDFDGRYVKSK

>BB0784

MILMEGMLKVNDINDLCKIISDFNGIDVIGINVSDICNWTDFFIIATFVSFKQMEALYIDKIIKFFKEKKINLNAEGKGLVYDWTVVSGANLVIHLMSEKSREYYELEKIWSKGTIIYP

>BB0785

MDITDIRIKKVDSKNSGSKLLAYVAVTFDNCLVLHNIRVIKGQKGVFIAMPNRRTRVGEYKDIVHPISQDFRKALQTSIFKEYIRENPADLELELDF

>BB0786

MGRRQVVSQLVLVQSFEGSNPSVPVFYIRSFLVENSRVLSCQYRSSFGSSNARRIRAKSEIPAVVYGQGKDVSHLRIKSSEFNKKFAKFTDNTVLILDDGKLERCVFVKDAAENIASKLIYHIDFYEVDRNVELEKYVPIKLIGASIGVKEGGILTVLKEQVKVRSLPLDLPEFIELDLTPVNKGDSVLLKDLVLPSNVRLAENDENLEVVIIK

>BB0787

MGLLILGLGNPGLEFSLTRHNVGFSLLDKIVSKNGLFLKRKKKYEYSELKMISGRVILVKPLTYMNLSGSLFPSIFSDFYMCIKNLLVVLDNVDLPLGKCRLKERGGVSTHNGLRSISSVLGSSNYSRLYIGVGSNLMRDIKSFVLSRFCKDEMDRLEKLYDFLSDELIDISEANFKNKVQKINSSNF

>BB0788

MHFLDENIQIKIDKFYKKNSLDKNRVIVAFSGGADSTALLLNLKYYLSNNVIAFYFAHFIRSDNEQNQEIEHVKGFCDLYNIALQIKKCDIDIKSESARLGVSIEELARKFRYIALENALKENGANYIALAHNENDQIETIIMRFFQGSFLDGLSGIPSVNRNIIRPLLEVSRLEIENFLSLNNIGFFVDSTNAQNLYLRNRVRNNLLPAIKKVFKGYEKCLKRISEFSKEFADYFGKDEFFPVEKGKYYYSFDLKTFLDFPKYLVFRLIFKILNSEGIAAKVSYKALNEAFKVEINRKKNNVLLKTNDFFLEKRHNKINLIFKRDEKFYKPFDFILEVGKWHSLSLGKILLKYLECNAASVSRLKCCSYEFRYKFFKDRLKAKKFFSKFIRCNPAYLMLLALDNRLIGIIDLNTLNLVWSEKSILKKINISLIGGLLKE

>BB0789

MNGNNNMNNNGKSNNKKKNKNWILGLVVVFLISAIFMSYFIRGGESYKNVPYSTFQSYLDNGLVESVVIIDKNLIQFVVKGSNFAKSYFSTSIPYLDINLLSELKNKKVELSSGKSQASLIGVLLQTLPWILFFIFFFFIFRQTQGGGGKVFTFGKSNAQKYEAGKNKITFKDVAGQEEVKQELREVVEFLKNPKKFEKIGAKIPKGVLLVGSPGTGKTLLAKAVAGEAGVSFFHMSGSDFVEMFVGVGASRVRDLFDNARKNSPCIIFIDELDAVGRSRGAGLGGGHDEREQTLNQLLVEMDGFGTHTNVIVMAATNRPDVLDSALLRPGRFDRQVTVSLPDIKEREAILNIHSLKTKLSKDINLQVIARATPGASGADLANLINEGALIAARNNQDEILMKDMEEARDKILMGVAKKSMTITDRQKLETAYHEAGHALLHYYLEHADPLHKVTIIPRGRALGVAFSLPREDRLSINKHQILDKIKICYGGYASEQINLGVTTAGVQNDLMQATSLAKKMVTEWGMGEEVGPIFLVDDEAPIFLPKEFSKAKAYSENTADKVDREVKRILEECLKEASDILLKHKDQLVKLAKELVLKETLTDKEVRELLGFEANKDEYDLFSSDSTTKEVKGEDVKG

>BB0790

MFMFYLKMGFILFISINLYAISVKEDEDISSILFNESKNFSNLQKGNDLIYGSLDFNLLASDALYELSLKENVALTDKIYLLKEAININNFKAVTLKEVYTYYFSLLLRQNENKNMYEEIITLYRNLNEELQIDKDLICMRLEASGRLESFGDDFKKILFKAFSLYGNDFLFFKWFLKEDRFFFSIFNTIRSKEDFFFTTENINYIFRNSNFNYDNSVSLFSFLKGKIKEYNGIHGIYFLKYKLLDPDEAYRIFKKFPPETINEYKMFYDLLEDPDMKSKFLEDYKSLSGIYCIDNKNNVAILKDGVLVGIFSGIVDFDSKFSLNSKYFNKIYFKDKSPVYYENSLLGYKINYSVYPYVDMIEVQYPDKRDVYTFALHAFKFNLFNNLGCNFNSFGIRELFLIDIRDFFIPNALNLFFEKTSVLDIRSSLISKKKYFGSNLVEIKNYVVGSLVSIYKKVNSSKKFNYIEIYEKNKLKIKKALLDDDSFESYYSFE

>BB0791

MGFCLDFANKEDTKLNNIVSVSHFDFRVKINLILVVGPMGSGKTEYAAKIYKDSLVVRKKSFKVLGNIIKGNRSRVNVFFIRNFLDKRRFQDYPENVIPYRGGGKDKIDEIGYASNSFDIENLIASNPSCGTFIIDEACFYDERLIFVLNKISSNENILFILPTLLYNFRKESFNDTAKLLVEYSDKIYKLGAYCGHIDCMEESFFSYRYYFYNNKEIPAPYFDPLLIVGGDEEIESAIYPNYSTRCSMHHYLIGKEYFFSFLKPFALLYSQGDKKFLENEIVALSTDVENSNFVNSLDSEKAREFRAEILRNILELPFLAERALITLFSEYSILSKDNFKDLVFKFSLNKDYINKIFFSKEGKEFF

>BB0792

MHIFKNVPFQINLILFLLVSVAKINASSKFYYAEQWYVIFNSQMKKKPENYKKNIFFLQKALKYPFGNPKYSLTKIETKEQWEKYKLLFKMHVNLLLVRQNLHLGDLFDTRNLYFFKTPEKDGIISNLEKSKKLYKLAINYYSEALKYHKKLENYTTVKLENDGITNWEDEYHKISLKELNYYDIIKKELLRIDETKAFFEQGPNYY

>BB0793

MEKIIKTKIKNGKINNINVLLLKNNKFIHSIDNYYYIIIIDNLIIDTKRKEEKIFVIKILKNFYCIEGIDGSGKTSITNKLKALCNDESRYYFTKEPSSGIIGEMIRKQLMNFENPLEESTFAYLYAADRHDHLYKKGGILEILNTKSRKIITDRYLFSSIAYQGKLGYELNKNFPLPEKVFFIETDPNIAYERIQKNRTQSDLFELEKYKTFEQIALKYLKIFKKLEKKINVIYINNSIKDNLDKNAKKIFNLIKF

>BB0794

MNLLFLRSKTFILLILPFFIFVLIIFSINLFVQAQIYSAKFFAIKYLESKFGFKIKYDKISPYFLSSIKIDGLELSLDGKDKILIDIVRIDLNLFKLILGDENIILNVYVKGSNFNFDINDFSLSGDLNPSNAYSDNENTVFNKILNYLYRLNINLENININIKLNDNSWLNFQVKNFSLSTVDEDFLFSSVVDFSAVKNLEINLPFERVDDGILDSTFYFEGKFKKGFEDGYVNFSFFEFKTSYFSLLEQGFQINYSKGNLKIFNLRRENFDFNLSYDKANGFVRLDALFFNVSLLDWIKLNKGFEIYKDYFDISLNGQLAFSYDFKDKDLRYAGIIDSSLNVDTIGKEVQGLQLEIKGDDRIVSVKNAFLKLKRGVVNYKGYYSLKDLLPMGRLNFKSAKILNFNDLNGYLDFNKDKDIFSVKSDNFSLGNLSFQNLILKTYFLKDKIFVDYLIYLENKNSQISLKGDLNDEEFSLSLGIKEFPLLFLKEVIPSSHLINFFPKTLFSGKYLNLVSDFNFNKFNYHKNKLKKFNFMVFSKLDNFKFVLDASGEKNFYKSNNFDLQYNDHNLHSNLFVELFESGFNISTNFSYLNKVYPLHFNVNLKDKFIVAESPLGIKLDFNYFDSKVVYTLNVNDFKVYNKTSDLLININFNGNYLGLNEDLKFKIDEFNIIKVSKTPAYNFNFGFKGLYEYDKLYISDVKLINKLSNLQGYGQFNLKDNFNGSLNLFSSLNSERYFLGVNSDEYGSYFLLKFQDLDFYNFNSFSLLEGKVNGNFLLNFKKNDFKNYSLSGYLEAXKLTFLGVPVQFSMNLGLLDNKLNIYDIKAKRNKKEFLTGSLRYDLSSSIGVSNIVFNSDLFSYRFNANFRNFQSGVEEQFGVLKTKTEGEFFFRDIKYKNESLSNLTIEFSNDFEKFNMASIDYDLVNVLYHYGSGEYSFILKDYLPLSFNSSGKIIKNKILGNVRDIKFDSKIITKDFLDSHSLFNVDNHFILYDLVLNGEFDIDGDLYNPNINGSLNIQKGSISTEYLRASRKFGGDRALEIFDMPVAIQDNKIIFSNEFNLDRYSKIFVSTSLNLNFLSDTIIDYYKIDINVTGRTGVPIKFEKIALSFTGYALGDFSIEGNADEIMFKGILNISNAWVYSLESSVVDLLINPFKRAKRLQTDINLLDFDILTDLEINFDSGVTFHWPDSNISFLQATISRGDKLVIKSDTKTDDFIIKGDLNIASGFVNYNNKKFIFKSGSYISFNESRAKFDPWIKAEATNTIKDRNDKLLVTISIDSPLSLWKIEFMSYPSRNEQEIKYLLSGSTIGGYEGGLRSAGTNAAEMAIGIVSDIALDFLIQPIEDYMRSVLNLDLLSIKTDILKNSINSNFFKIGNPTFVDVLDNTSVKVGKYLVEGVFISGGFGFLKEQMSPFSKDLNFVVNLGIEFDSPFFLVNYEFDYNFMKKGLDGIGNNIGISWKFKY

>BB0795

MGSIRGLFFVSFLIFFVVFSFGQVENYKGKIIKGINFEGLKNKKERDFINILKPYIGVSYSNEIFDKLQIDLYSLDYFSGLIKPIFKIDGEDLFITFIVKEKSLVNSVVFSDSSRVFWNSELVEKVNIKTNEPLNLASVNKGIGKLEEMYKDMGYLEVSANFEIKEEGNLVDIIFNIVAGPKYVVKGIDFEGNLSFKSSTLRKSLASRVVSLFSDGKYLKSNVDKDKRQLESFYKNNGYIDVKIINSTVDIKDSLKDSKRLEKEVFLKYFLSEGNVFRFGKLEISGNSVFSLEELKSFITFSEGDIFNDSKFEQDFVKIKESYFREGYIFTEIIPSQKIRGEFVDLLIKILEKDKAHIESITVSKNKNTASHVILREIPLQEGDVFSLDKFKMGMANLQQLGYFSNVIPDIVPGNTEGLMKINLNIEERATSNFGFGMNFGGNSNSSFPFSVFGQWELSNFLGEGYYFAARLNLSFLEQSLSLTFRDNWFFQKRWTVGGFIDFSHSVNTAYQDINGPIFSGKREVPDPFTSWEEYRDAKSFSDFNAMNYSLLKLSFGAFTGYTFSNYLGKQTLLGTLQTALKYVFYDNEVNRPSNYYLRDNYKTFRFENSLSLSAAWDTRNSTSLSNNGFLLKQQFDFFGGFLFGQSHFIKSSTTFERYFSLLGYEDVFTPYFDIILTLRSVYSNILPPLGNGFEIEIQPHHHIILSENFMQARGWGILKNIYSSFVNTVQISIPLLKNILVWDAFFIDFASYSLEGQENSLFRPFSSFAFSWGTGIRSLLPQLPLSFVIAYPFYFDNDKVNSYYKYYSGFKFFLGIEMRY

>BB0796

MINAMEKFVFFLILPLFFLLSFNVFSIDVIKIGIVDFDRIVIEVLNPQLKANLDQIKNRYQEQINTLNLELKNLKHMYDKSIADNDLDNARSFGNQYNLKVDELKRVSSLAKNNLEQQRLANINSLNNNSESLSKILRGIQYVAEINGFSLIMKKNNPYILYHNSTVDITNDVVKHLLEKDNKNP

>BB0797

MEKNVTPMIRQYLDIKKKYKDAVLFFRVGSFYEMFFDDAIEVSKLLNLTLTKRENVPMCGVPYHTSKEYIRKLILFDKKVAICEQASNSTSGGPLEREVVEVITPGVIIDEDFLNDDINNYLVAISDYKDYYSFSYIDLSTSSLGIMFYENGFFEKLKRDLEKYSPKEIIVSENFYYEYSEKLNLSRFLINRVPTWHLDKDIAIKTIKEHFNILGLSSLGFDEEKPYYISIFLIINHIKNNLKNLLSNIDKIDINNDSSYMFLDDVTQVNLELVKNNNDFSSQYSLYSVLNDCKTAMGKRLLREFILNPILNISEINTRLDHVEFFCKNISLTVTLRETFINIWDIERIISRIQMKRYIKKDFLFIEKALSVFFTVKKLFDKHNFDYWNFDKFEEDSISKVYFLINSAISSAPDELIKRGYDLKLDNLKDLKINANKYIDQYLESERLLSKINNLKIRKTNNRGLFFEVTKSNYAQVPPHFMESQALNSSKRYKTEKLISLEVDINNAEDNVVAFEQEIFDEIASNVVMHNKVLKKVAEFFAYIDLVVNFGYLAKKNEYKRPVLTSGKEILLEKSRHPVVEHYTKNTEIFTENFVRINKEKYFCLITGPNMAGKSTYLRQVALITLMAHIGSFVPASKALIGITDKIFCRIGASDNIAKGESTFLVEMNETANILRNATEKSLIIMDEVGRGTSTNDGLAIAYSIIEYILEYIKARSLFATHFHELSSINHQAFINLSMKIEKQGNDLVFLREVEEKPSLNSYGIYVARIAGLPLRVIDRANVILESLVGREGNSCLEFLPHVSSDGNDKEILKNDTDIHIKLNEYLELKNFISNIDINNITPFQSIELLNQIVLKVISQSS

>BB0798

MSYLNVLKSIFLPFCVFCGKRYVSSNALCDQCKSLFNFNIKFDENLIYFFEYKEHYKSLILSYKRDAQKSIGRFLASGIAECLNNIDFDQIVTVPCSFKRKLFYGFDHMEYIGILLSRFGFNYINIFSRKYGKSQKLMKGNLRFKNLENKIKLRSKYKNFQFKKIVLLDDIVTTGASMCICEDLIMQLGAYKVIKLSLAKSYNLV

>BB0799

MYLIRFFKRTLLFLGIQLIKYFDKNNEVFNLIKDLTGRLNVEILEINIFRNKNNGKIQIVLYSKNFSLDIDFLTDLHKMILLILEANLKYGFTLELSTPGIDRKIKSDREFKIFEGKKIKLMLDNEFEEGFILESKPKSFIFKTDSKEVNVFYSDVKKARLV

>BB0800

MIKGTGHMIVNIANDRGMSIDSIRKTIKESVLIAYKKYFGSNENAFIKFDDDTGDLSVYAKKKIVKEVKDSLLEILEKDISKENIVEGDYAYIEINPKVFDRLSIQVAKQRTKNDLQGIEDNEILSEFKSKLNKVVIGYVQQNRNGDLYVNLGNTDGIIPKKYQSPREVYNLNDKIRVLVYNVKKGKNGIEVILSRTHPKFIEELLALEIPEIEEGIIKIHKIVRDPGYRIKVAVYSEKEEIDPVGPCIGQKGVRIQSIIKELEGEKIDIIPYSKDIKEFIKDSLTPSKIEHVYILDEDLHKALVVVSDDQLSLAIGKMGQNVRLANRLLDWAIDVKTSSQFAEMKANSEFKQETLEMFDKVMQDVVEEEQFEEISKISDLKLLDPSVISNLSKEGFDDINNFLQADEGVLFNLGVSYEKQEEINKILKEGMIIIANDNDESMEKVEEDEELLCPECGVVINENMTSCPGCKIGLSFEFEEE

>BB0801

MSKNIDDIKNEDGKKVKIIKLKKKVVKIVTYNDLSVKNDSNSFVDLHNNSNKAEYSQSRDNRTGGYSQNRDNRAGGYSQNRDNRAGGYSQNRDNRTGGYSQNRDNRTGGYSQNRDNRTGGYSQNRDNRGGYSQGRDNRTGGYSQSRDNRTGGYSQNRDNRTGGYSQNRDNRTGGYSQNRDNRTGGYSQNRDSLSFQYQGSVKKTYVAKNNSQNKYTTTSMSFRRLIKTKVPAIVSSTPAADSENSKELNRKLGEKKKQQQESQKSYKRKKAETESKTIEQKVFEQLQKKKRENLANPIPKSIDIMGSITVSDLARKMNLKSSDLIAKLMALGVMVTINEKIDSDTATILVEEYGSKVNVVSIYDETVIEEEVEDQSKRVEKPPVITIMGHVDHGKTKLLSVLQNIDINQTESGGITQHIGAYTIVYNDREITFLDTPGHEAFTMMRSRGAQVTDIVVLVVSAIDGVMPQTIEAINHAKEANVPIIVAINKIDLPDSNPDKIKHQLSEYGLVSEDWGGDTIFVMISALKNIGISELLDMILLQSDMMLLKANPSKRAIGKVLDAKIDLGRGIVCSVIIEDGTLYVGDSFVGGACYGKVKALISEKGVSVKSVGPAKAISVLGFSSMPQAGDPFQVTKTEKEAKLISSKRQDLKKYESSKNVKKVTMLNLYDSIKEGALKELKIILKADVQGSVEALKNSLEKLTNDEVRVRVVHSSAGVITETDISFASASDAIVIGFHVRPTAKAQVLADQEKVEIRKYNVIYDAINDVRSVLEGMLEPDVEQQFIGFAEVRAVINVPKIGVIAGCYVSRGLIKRDAITNVMRDGLQIHSGKISSLKRFKDDVKEVAEQYECGIMIDNYANIKEGDIIEAFEVKKVKKSFKT

>BB0802

MFYLYVFMYKNIKKFKLESFIAQEIGNLIVSGGIKDPRIHSFLTVVKVEFSKDLINAKVFMGSIKEGASLDNAVKALNNAKGFIQSQIIKRIKVRSTPKLLFVKDDSLSKSFYVNKLIEGLNTTREN

>BB0803

MENGFLLINKEQGKTSFETLFPIKKYFNTNRVGHAGTLDKFASGILVCLVGKYTKLSGYFTSLDKEYVAEFRFGLETDTLDPNGRIVSKTDYIPNVEDIDLKLKDFVGEIYQSPPRFSSVHIDGSRAYKLALNGKFFEIKKRKVTVYNIQRLSYDFSSSLLSLKISCSKGTYIRSIARDLAYSLNSCAYVSNLKRTKVGMFRLKDSTLCENLSKASLISLESLKSFEKVYIDSNKINLVKNGVYFEIEININEFKILKSREEKILAVIQGVGLNKYKYVIIF

>BB0804

MIDKKQKQKIVSEFGKNESDTGSVGVQIALITGRIKYLTEHLKINKKDHSSKRGLLKLVGQRRSLLRYYQKKDLEAYRMLISKLGLRK

>BB0805

MRKILKLKIGRDELVFETGFMAKQANGSVLATYGGSSVLATVCCSSNVREDLDFVPLSVEYNEKYYAAGKIPGGFIKREGKPKDKEILVSRLIDRPMRPLFDKRFGREIQVIPTTLATDQLNPPDIVGMNAAFTAVFLSDIPFNGPIAAVRMVYLNGKFIVNPSFEEIHDSDLDIVVAGSLNGITMVEGGANEVGEDILLSAIDGAHEYIKQICNAQKEFLDIVGKKEKLPLAFEEKIFEFKDELRDFVYADLKEACFVKGKLNRDKAITLLRNKSYEYFSSLEKLTDSNESLFHKAFDDFEKEIVRSSILNDNIRTDGRTPNEIRDIISEVDILSRTHGSALFTRGETQALAVTTLGTSIDEQIMDDIDGDKRLNFMLHYNFPPFSVGETGRLMTGRREIGHGHLAQRALESMVPGKNDFPYTIRVVSEVLESNGSSSMATVCAGSMSLMSAGVPVKGQVAGIAMGLISEGDKYVVLSDILGEEDHLGDMDFKVAGTKNGITGFQMDIKIENVTKDLMRDALEQARIGRIHILSIMNTVISNSRVGISKYAPKIVQLQIDIDKISLVIGSTGKTVKAITDEFEVKVQIEQNGKIILFGDDDFKMQKAKERIESIVREPKVGEIYEGTVKKINSFGAFIELTPAKEGFLSTRLKPRDSKYGSGRFGNSNRYSRFGGGGENIRGNAGLVRPPKLEEGQRIKVKIIDIDKFGKIDLEIVRDKDY

>BB0806

MKFVLNNLFKGCLICFFLFFSCLTTDRSIQDSHISDIVEKKKEAVIIDDNNVVLGSNEGKFKRDYLIGLKDNESFFLSDAFLKENNFYFKKARESYAKKNIGLTNYYLNKIVTNENQHSRELLAKANLFFGYVNYENGFYDLSEYNFDLFLKDYKYSHASLRLAELKYLVKEKSDAISAFKEINEFSISGYDREIYGFLSNKLGVSHLNLESLGFLDNSVFDTFVFNDNIFVTNILGGLLRYNIKKNDCRVYLKDKKSIFLNGIRGFADYNGTIYIGGKNVVYYIDDVDGDLKQINVPGNADFSNVQVLLAVKNGIFVGTLNSGLWFYDLKNWKNIPLGSNKISSLCFDSLKNLLLVGTVDKAIYSVNVDNLKKIEHLDFFSKNDNEKNINFIKEYKDSYFVGTYGGGLFELNLNKNSYKKHVIANNIDVNYFMDMEIKDKKLLFATFDHGLLIYDSENDNWDYFGPNNGLLNLNLIKVSRFENYVILGTINNGLVFVDENIKKQL

>BB0807

MKILKNSYESYIIAEFFKYFLITFLFFFFVFFINQILFFMRILLQNYVPFFKAFIFIIYSLPMVIALSPPFASLISVILTIHKFKLHNEILAFRSIGISIFDLLVPFFKLGIVIAFVSFISNDILLPLGSIGRLKIFNEIKEEVPHLVLKPYSSKQYGDLIFVSGEKSENGYKNVTFFDNTGLKGFDRIFMAKNLDIRKENFQVYFILNDVLSIALTDSESGFYDYFYADKMKYSIDQVTFSDSFLLNYVTPSQMSMRDVIKLIKKQNNLIADSNIKNNLEGDFLSLNFSNLYLNYLYNQNYYVDESYVFENLNYMYNLNLNFKPYQDRSMKQNLALFNLEFYQKISLPLSVLFFIFLAFSMGMYSNRKYSIILELVISIIVCVFYWVMFIGGKVYTVQYAPSPIIVTILPNLILIIAGAILFLRLLKK

>BB0808

MKIDKLFIKSIILTFLSMNLLFMILIMLGDLFVNLLNYLEKNIGLKDILYIYYLYLPKAFSDGVALSFLFAISNLIGNLSMRNEIIGLFSCGVPLTRILKPIILISIFISVVLFFFDNYLVIDTIARRDVLIKNSIGDSRSGDKTIIIRDFAREIYNIKSYDIDENTFANLMIIIKDNKDEFQTRYDINKAEWKDNKWRLYGIREFVKVGKKIKENAYDVLDGTGIIKLAPDYIRTVMLSSKALNFTKLINWISFLKAERLNYSDAFFDLLNRIFFSFRLILLSFTVGFIALALKKNIFILSLLNSIAFAVVYVISIVIFNFLADLGYLHIYIASSFTTIFFLIINFFVYRIVRK

>BB0809

MFSVIKNDKHFNARVGFLNLPHGRVDIPCFMPVGTLGAMKGLKHAVLEKLECNLMLANTYHLYLRLGIKTVEKYVGLHNFTIWNKNFLTDSGGFRVFSFSDLRKIDLKGVHFKSHIDGSYHYFTSEGIFAMQEIFGSDIIMPLDICSSYGIDYNEANLYTNITTNWASSTFKSSKNRKEGYNGLLFLITQGNFFKDLRKRSINDILELDSPGIAIGGISVGEPREKYLEILEYSFLLIPKEKPRYVMGIGTPHYILNAIYYGIDIFDCFNPARITRHGSLLTDNGIMCIGRKEYKDDTSKVEKNCICTLCKRYSRGYLRHLIKSKELFGIVLASEHNIHYMFRLISKIRAAILNDDFLNFRTSYLKKYEEENFDE

>BB0810

MKRKISMNKYVVSTILVMISTFFSRIMGFVKIKIFSYYFGANLDADIFNYVFNIPNNLRKILSEGAMTSAFLPEFTHEKNKSHEKAVSFFRTVITFNIISIGLIVLVMIIFAKPIMYFISYYRGENLIFASSVFGYLVLYILLISLSSIFVSVLNSYKIFFIPSFSPIMLSFGIILSIFLFYGRFGIYSAVIGVIFGGFLQFLIPFANCLMIGFAWKPTFYFREKVFLNFLTRWLRMIFGFSISIITQQISFALASTLEIGSVSILSNAVVYYQLPVGIFYISIATVIFPKMAEHAVLGNNIKLNALLVDGIKILLLIFIPVSFLMFIWSDYILNLFLMGGKFSIYDTQKTASVLKCFLLGLLFYSMFGFFQKYYFSIRDAKTPFYLSVLFSILDIAISVFGINYYGLNALALAQSISFMICVIVFYFIILKRGVKIDLIEILFVLLKSIITLFPLYAIYFFFEKFQWDVGFSFKNLYFLMAAGIVSIFVLFICYSVLGINKLFRYIRRDAL

>BB0811

MKYFYFLFFLLIFNVYAQNVNSPALPSPPLLPEITENKPVERENSSKGENFSNVGLDGKYVNDTILYGLDSQVTSIIKALKKSSDSQYNFSLKKRLEKTFNAELKREILELFISLKYSGGIDTANYILENYESKRYSNALFGLAISYLKEFDDKEKLKKTLIDILENKEGNVVSIAAYYLGELNSLEYSKNMMEVFEKYSGNDGARREILIALGKMSAVDYQDRIYEISLDNYEGPSIKAAAIEALSYLASDKVTENADLYLQSNNNNLNVKLAIIASLSKDPSLKSKEILQGFLRDSDDNIRFKAINAIKGHRDSSAKDILIYKLKSDPSLKVREASAKALIDMDLGNIEIKNIMFDFKIDNNFKISMFSYLLDKDSLKALSIALEIVNKENINRPSNVLRGVASMLAGKKGNFDNFYSKIIDSKNIDLRHLALKGAVYNKSSSLSDKLKKIKSETNSEYIKMLLKDY

>BB0812

MDKNKHILIGICGGIASYKSVYIVSSLVKLGYKVKVIMTQNATKFITPLTLETISKNKIITNLWDLDHNEVEHIKIAKWAHLILVIPATYNTISKIASGIADDALTTIISASTAPTYFAIAMNNIMYSNPILKENIKKLKTYNYKFIEPDKGFLACSSNALGRLKNEDKIIKIILNEFNQKDYLKNKKILITASRTEELIDPIRYFSNTSTGKMGFCLAQEAVKLGAQVTIITGPTNENDPEGVNIIKIKTAMEMYKEALKIYNKFEIIIGAAAVADFKPKHIFNSKIKKNKINRLYIKLVKNPDIIQHIGHNKLKNQIVIGFCAENSKNLIQKAKEKLKKKNLDFIIANELKYFGSKLNKVYIINKQSIKELPEMEKSEVAKEILKILY

>BB0813

MRNGILYAILLYVFMFVLWFCFAYFIDTSTTIFNIPLWFFLSGILFPSIIFFWFVFLF

>BB0814

MLLNKYFLANRNINFIVMALLFSSSYISASSFISGPSAVYKYGLSFILLATIQIPTTLIVFIIVGQRLNRESKKINAINIIDYIRHRYESDFLALMSGFVLIFFSMFLISAQLIGGAKLIEVFWGIDYVVGLTFFAFLVFIYVFFGGFKAVAYTDLIQGFLMLVSSVILFSKMLDLGGGINNLFKTATSSLDKSLLLPSNADLKPQYIISFWILIGIGILGQPQIINNFIAFKDENAIKFSLPISTFIISFLIVLMHLIGFFAIILFPDLSPNDKVVLNVALKVLNPFSCFMFFIGLLSAIMSTVDSNLLLITSVLIKSIFIYKEDLKEDVKIGRIIMISNIFFILIILIFSLFPPNFLFFINIFAFGALEVSFFPIIVFGLYLNFVSKIAAFASMFLGLIFYLSILFFGLNIWFFHPVFPSFFVSIFTFLVVNFFCKKNSKVC

>BB0815

MRLDKYIFLEVLANDNGKRLDSILIKILNFSKASIIKHIRKGDIRLNGLKSHFSCRVCKGDKIYLYKSLAQNLNLTTDKCFKSNIDFQYIRKRIIYEDSDLLVLDKQKGILVHGGKNSLDFLVNSYLLSQNLRSLSFKPSAVHRLDRNTSGIIIFAKNINTARKLSEAFSGGSIIKKYFAILLGEVKSPVVYKNHLFRNKRLRKTFVLEDKNFVNAITKVNPILSCKRATLVEIVIETGFTHQIRSQCSFNNHPLINDKKYCNKFKKSDYFLHAFLVKFNGTFFKKNEFCSKPSLDF

>BB0816

MMSMNFQNFSSDFFLKKILSKVKDFAISIKHKFVRVKVYALVGSAGTGKSFRSHLVADKYSIPLIIDDGVLIKNMKIIAGSSAKFEDNVFKAVRRSVFEDDAHCREMLEVLAKEEFNKILILGTSLKMIDKIISKLLLPNVFKIIYITDVSTRQEIEKARISRQMGEHVVPAAAFEITSIRPNLLLNSIKVFFKSGWFFARKKNYIRSVVRPHFYEEGVLSISKRAVRQIIEHCVSEYDRNYIVYDLKIKKDGNNYLFKLFLNIPLGNNLLNNTEMLRTYIITNVLKYTIINILSIDIVIHKFYDKKDYLEESYEG

>BB0817

MKVDFDDLNNIFFVGIKGSGACSLACFLNSKGYCVEGVDVSDKFYTDEILSNNKISYYDNIYEFSLKQLDRSFDLIVYSSAYNKDGLQVLLEAKELNIPILSYPEALGELSRKYYSIGIAGSHGKTTTTAFLGVLFNKLGLNPNVIVGSSVKDFKDNSAIAGISNIFIVETCEYKKHFLNFSPNMLILTNVDYEHVDFFKNYEALEEAFLQYINNLKKNGILIINSDDNNLLKIKRQINRKDISIFSYGSGDLSDFQISNIAVRSEYFCFSFLGLLNVELKTVLFHNVLNFSAALLALNLFLESNGKSIFDFEEAIKRIAKNYSGIKRRVEVVKEENGVIYMDDYAHHPREIKNTLFGIKNFYKNKRIILDFMPHTFTRTKEFFADFVEVLSAADILILHNIYLSNRENFNPDELSVKLFLNIKKINKNTYFFKDVKDSINFIKSLLISGDLFITMGAGNNFILHDFL

>BB0818

MKSMTGFFYLEKIIGNYMFSVNLKSYNGKFLEFKFRLPEIFSGYDLDIRNLISKYISRGNVFLNVGYKELVPSVNFTINPNYIEAISRLRDSLAHTNLNIKNELSLGDFLSLKGALIIDEDSEHQEEIYGLFKGVLEEALLHYNNGRSFEGENTKSDIVSTLVLIERDLKIVKDACSDINVKLFASIKENISKLMDEFRDLNIAEEAAKMAIRLDINEEIMRLDSHIETFYKNLEYEICGKALEFISQEMHREITTMSNKAVDLDIKNLILNMKLNLEKIKEQIRNVE

>BB0819

MKIALSGKSGCGNTTVSGMIAKHYGLEFINYTFHDIAREHNIPFSEFYEKEIIGRNDYYWDKYLDNRLSVLSRKNNTVLASRLAIWISKSADLKIYLYAKMEVRAERIMTREGGMYSDVLSSTFIRDENDKKRYLAIYNIDIDDYFSETDLVIDVTNINPNEVFELIRDEIDKRNLKKNS

>BB0820

MTKVPLKKIQDFDGNFYELVVATIMRTEQIIDNISLAEHAIFDDKILGQAFNDVLTGKFRYSIEGR

>BB0821

MKEDRVVFIFGPTAVGKSNILFHFPKNKAEIINVDSIQVYKEFNIASSKPSKNLMKHIKHHLVDFLDPEKDYTIGIFYEQALKIVKEIRQKKKIPIFVGGTAFYFKHLKDGFPSTPLVTSKIRIYVNNLLELKGKSYLLKELKNVDPIRFNMLNKNDIYRIKRSLEVYYQTGIPISQFQKKQSSEFKNIVIIGLKRSFEDLKTRISIRINEMLNSGLLSEIKGLFSKGYNENTPAFKGIGYNEFLLWKSRPCYGLNDIIGLINKNSFLYAKRQMTFFAKISDVLWLHPEDDLDNILNLIFKVDKEI

>BB0822

MPCGRKRKLKKISTHKRKKKRRKNRHKKKNK

>BB0823

MNTKTLYLISLILLACNKNNKIPLIQKLDLPKSSILGFSNKMGIIIKDYAFLSKSTKKNSELDYDYAILLRKDEVVKIEKTLEKTERYGIEGNWILVNYKGTKRYIFSKDINIVNNLIIDHSK

>BB0824

MLMKKYLFFILFLISSNNLIVSYPLSFGGGFSYQFTNYTDKTGATKFAPNFTRADHGINLNLFFDANYVLFEMSYKEAFVVTHNGRYFSLGLYGTYPMVFKEQVRMLFPLIGFKYAFDLSSNNFNLFFLSMGLAADLFIPDLDGLYIRPLFMLSISPFSNYKNFSGLTTEIMLGFNIGWRFFN

>BB0825

MNKKILTLLVLILSISSVLMLSKSITKKSKYKIIRDYFINSNYVLVKIENKDLKFTISKPIYDKKLNNYFFKGQTTSHFLISNNVDIAINTSPYEVKQNMFFPKGLYIYNKKMISKQINNYGEIVIKHNKIILNPKEDEIENCDYGFSGFFVLIKNGKYKKNFKETRHPRTIIGTDKNNKHLFLVTIEGRGVNNSKGASLNEAIDFALSYGMTNAINLDGGGSSTLVVKSNNAPYKLNFTANIFGQERPVPFHLGIKLPN

>BB0826

MNWLSFFYVLLFLLIFPFELQSNNKENIENLIKLHMLYDLTNNLSKELETINKIKNFDLEQHYLLITKYYLKIKKYKEANDFLKKINQKKIKNQKIKNEIISLKLRINEDNINEEEIKKILNNEKNIDVKIIYQIFSLIKFKNKKLANKIKNIILTNYPKSIYSYKIKRNE

>BB0827

MNDFKLPIYKYKDELIKVLKNHNVLIVESPTGSGKTTQLPRIIYEAGFAKLGKIGVTQPRRIATVSIAEYIAKHIGVNVGEEVGYKIRFEEITSPKTKIKLMTDGVLLQELKKDTLLYEYDVIIIDEAHERSLNIDFILGLIKDISRKRDDFKIIVSSATINTKIFSKYFNNAPVVSIETITYPVQIIYNPPLLNTSKGMILKIKEIVLNVIKEKKAGDILIFLSGEKEIKETIKELQELNSKKNLIIFPLYGRMPKEAQEQIFMTTPKNKRKIIVSTNIAETSITIENIKIVIDSGKVKTNKFQTKTHTYSLQEVPISKSSATQRAGRAGRLSKGTCYRLYKREDYQLREDYQKEEIYRTDLSEVVLRMADIGIRDFTHFDFISKPSTHSIQTASKILKSLDAINNKNELTEIGKYMILFPLIPAHSRALVEAMINYPQAIYQTTIGLSFLSTSGIFLLPQNEEMEARQAHLKYKNPMGDLIGFVNIFEDFKKALNKEAFTKENYLDLQGLEEIANVQMQLENIISKLNIPIIQKGVFDNEGYLKSIMRGMRDYICFKTSKKKYKTIKAQNVIIHPGSLISTDSVKYFVAGEIIETTKMYARSIGVLKKEWIDDIILNEEFKHNDISSKENQITNTGQTKIINEIKIGKKIFKAEYKNNIYVIKINLETLKEIIFKNELNNQNNEDLKKIKIQLMHKNITVFNNKKFLETIEIVKNMGKDWHCIKKYETKNVNIDEPEKMKNLLECTMQFISFPPKKNALFLSLETDYSGNFRLKPKQNFIMAIEESIESIKSLIENKEYIQKLHFIKKLINKVYKKLNYFF

>BB0828

MQNKKLIIVESPTKAKTIKKFLDESFLVEACIGHVVDLPNNAKEIPKEYKKYEWANISIDYNNGFNPIYIIPSNKKPIVSKLKKLVKTINEIYLATDQDREGETIAFHLKEVLKIKNYKRMIFHEITETAITESLKNTRNIDMNLVNAGEARRILDRLYGYTISPLLWKKVAYGLSAGRVQSVGLKLLIEKEKTRINFKKANYYSILLQCKHEKKNLLLEAKLEEIDGKNIAEGKDFVNETGKLKNIAKTTIITQDLMIELEKELKNGQKIELISIETKKIKIPPPKPFTTSTLQQEINKRLKIGTKQIMQHAQKLYEHGYITYMRTDSHNIAKIAKDKITKIIKNKYGKEYIEEKDRIYEKEKMAQNAHEAIRPSEIFIPNETIEIESKTAKEIYKIIWDRTIISGMKDAIKENIKLTFKYKNLIFRSSFTKIIFDGFLKHTKEQDEHLNINFDLIKKGDTFSIVKMKTSEHETKAPFRYTEASLVQKMEKEGIGRPSTYSTIISTLLEREYAFKLNNTLMPTIKGAAVINLLEKYFPVLIELNFTSNMEEKLDKIAIGKLDKIKYLSKFYNGKKGLKDTVMQLEPKIDSSEFRTVIESQKIENKNSINYTINIGKYGPYLIFKGHNYSINAKTPLENLYKKDEIEKIINEKELKPNILGVDPLTGLNVIFKNTIYGNIVQLGEDTHAPQEYTKKGKPKKLKIIKAKKASTKKIDPENITLELALKLLSLPKPIGKHPQTNEQIIAATGVFGDYIKTESGSIACSLKKDLKAYDITLDKAISLLNERANKVGIIVKTITFSKNKIGNKIYIYKKNDKFYAKIKRKKIDLPDNINLEEINEKYVFSLL

>BB0829

MSNYKILHTSDWHIGKKIENFSILKEQKNFLYFLLEFIKKENIDLLLVAGDVYDSKRPGFEEQRLVNNFFYELSFTSCKWCVVISGNHDKKDYLSINKKLLSRFNFFLITEYDSDEQIVLLKDNGNLKFIVVCLPHINERLILGQNFDNIFGLEDQYSSKLFLENLENAYREKISNLSNFLENKYKGIPKILMAHSFFGSSKKIDTLGGSYIIPFNVFGNGFSYVALGHIHKFMKLRDNIVYSGSPMQYSFNETCDKYINVLHFNDNKLILQEAFPVPIFNKLIFAKGSLNEVLDFLANSKKEESFTIYLKIELNEAVDTSAEESIYDLARLNFMNLVSISYSLPSSQDLQDDSNFIGELEVLEMDEKYFFEKKLRWDFENGVIRDIKFKEEELISLFNEVLANGYLGEYEDK

>BB0830

MNMRINKLIFKNIASYKGEHELNFDTLLLRQSGIFLISGNTGSGKSTILDCITLALYARVYRLGKKIVDIISKGETSAYVKLTFTISGKIYESFVELNVKNIETPKSMLLNCFFDNRIIEGRTDVLEHIKSLCRLDFNQFCQTVILPQGNFQEFLTSTPKEKAAIIDNIFNLKKYDNLEFYLKSDFERTKFNIDKLLNSESYEKSILDYDESECKSLKGYLDLVDIDRLEIDLENIRRAISLCNQAIASNERYLGLEIEMSSLNDQLSSQIKYLNSLEKDHSLQKKLKENLDLDRKVYLCSDFWSLKNLVAVQGELFNDIGLLDLELSKVMNNLEEIKDLYSNDFNFNYVKELYNKNCNLFNLKLVENDYQSLLLRKNSLEDEKKELLRSQSKKNDEIKSISSEKSNFDFDKYVYYEALKLFQTFNDELISKYRDRLEFLLKSTGKEDFNKNKEKNIIKIDLYKELLKYLDDKNFSIESDKEKLKYIEAEYKNYQHKDKLSLCSLKELYALNSKLHLIQNQIDELKYQLSCRQEEISKQEVNALEFEKNNAEILRLIGKNLFDKYINYFDREKILAFENKLEKLEQFKAKKKDLKIEISLKNKNFDQNLLKIKDLLLKLNLNLSFNDYSSLEREFNVVLAKQKSVENEWNMLVLNLKNLEDLKIKTETQIKFTKESILTLKARLNEEQNNFINLISNLKNVFFSSFSFESTTDLEQINKNSLSFLQKLSLSISSKLEFLSRDIEKYKIKLLNFQTLQKKINQQKINLDSLRGELNLAKERKDKLDVLRKVVIRSSGLKYYVQTFLINDILRLANEKYLRWIFPDFELKTNKESKEFDFLIEDKKDVNKIRTVKTLSGGEKFLVSLALSLALSDKIRDSELKIEAFFLDEGFGNLDEDTLAQVMPKLSKFQMMTGRQIGIISHVSYLKEMIKAQIVINKISKISYIAIENL

>BB0831

MRINMKHYLAIDIGGTSTKYSLSDSSGVFFDKNEISTGATSDEQVNILVNIINSYKESSDIAGVAICIPGFVDLKGNVLRVNAISGFVNYPLKERLESLTGVSTEIENDANCVALAEKFKGNAIDSNNFIAITLGTGIGAGIFANGKLLRGNSFMSGEVGFMITGGISNNIPFNCKWESIASVSALRKRVAMRLGKPLKEVSGEFVFDLAENGNIHAKNEVDRFFENLSFGIFNLTFILNPEKILIGGGISARPDLIDRIYEKLENLWSLEMAFDNNNNIKNLVALEPTKFNNESGKIGALFHYFTCKNQNNTSF

>BB0832

MLKTLTKIITISCLIVGCASLPYTPPKQNLNYLMELLPGANLYAHVNLIKNRSIYNSLSPKYKSVLGLISNLYFSYKKENNDFALLIMGNFPKDIFWGIHKNRNTESIGNIFTNPKWKLKNSNIYIIPNKARTSIAITQKDITAKDNNMLTTKYIGEIEKNEMFFWIQDPTLLLPNQIVSSKNLIPFSSGTLSINSLNQEEYIFKSLIKTNNPPILKILSKKLIPTVLTNMTNLTISSHIKTTIKDQNTVEIEFNIQKSSVESLIEKLASNIQT

>BB0833

MFKKVENKANFPKIEEKILKFWNDNKIFEKSIKQREGCEEFTFYDGPPFATGLPHFGHFVPNTIKDIIPRYQTMQGKYVKRNFGWDTHGLPVEYEVEKKLGISGKYEIENYGIENFNKECRKIVLRYTEEWKNIILRLGRWVDFEKGYKTMDISFMESVWWVFKNLYEKGLIYESYYVLPYSPKLATPLSNFEVNLGEYKEVNDPSLTIKFKIKDKNEYLLVWTTTPWTLPSNLGIAVGQEIEYSKIFDKTKEEILILGSKKLNSYYDDENSYTIIEKFKGSKLEGIEYEPIFNYFLEQKDKGAFKVHTADYVTTDDGTGIVHIAPFGEEDYRILKKHTNVDIIDPLDAECKFTNQVKDFKGLFVKDADKKIIENLKLRNFLFKRENYLHRYPFCYRTNCPIIYRPISSWFVNVEKIKTKLLEVNEKINWMPAHLKKGRFGKWLENAKDWAISRNRFWGNPIPIWICSKTGKKICIGSKKELENLSGQKIEDLHKDQIDKITWPSKDGGKFIRTSEVLDCWFESGAMPYASNHYPFTNEINFKNIFPADFIAEGLDQTRGWFYTLTILGTALFENTAFKNVIVNGLVLSSDGRKMSKSFKNYTDPMQVINTFGADALRLYLIMSPVVKADDLKYSDNGVRDVLKNIIIPIWNAYSFFTTYAIIDKFKPPKNLSLAKNNNLDKWIISELESLKKILNTEIDKYNLTKSIESLLEFIDKLNNWYIRRSRRRFWKSENDKDKNDAYETLYYAIKTLMILLAPFIPFITEEIYQNLKTDEDKQSIHLNDYPKANENFINKTIEEKINLARKITSMARSLRSLHNIKIRMPISTIYIVTKNQNEQNMLMEMQEIILDEINAKEMKIKANEEELITYKAKANFKELGKKLGKDMKAVSTEISKLKNEDIIKIINGTSYEIKVANAKHYLSLNDIILEREEKENLKVINEESITIGIDSLITKELYLEGLTREFVRQIQNLRKEKNFDVSDRINLYIENNETLKEMLNKFEKYIKTETLALNIILNKSKLEKKINLADDIFTLIGIEKC

>BB0834

MVEIDSKEIARKNKNKEVSIWHLLMSIITTPKKSEIKFIDSKTLKNIKQEVISEIDKLEKILIEKNEIIIPKINKEIFALIKEAKKEFKSKPLIGAKEIFYQILKNKKLLKKHKLSKSSFNFKDQNILEYMEKNKIRLIETYKEFDEEIRLENEHFEIGKYVKNLTALAKAKKLDPLVGREAEIKTLTNILLRRNKNSAMLIGEPGVGKTAIVEGLASSIVQKKISSKLQDKTILMLKVSNLVSGTKYRGEFEDRLNNIIKYIEKNKNTIIFIDEIHTLIGAGNSEGALDASNILKPSLSRAEIQIIGATTYNEYRKYISKDKAFARRFQTITVKEPDEKDTLKIIENIAKNFEDYHGVIYEKSALLNIVKLSSKYLINKRFPDKAIDIIDIAGAIKKEELTKDNIITSDDIQKAINEILSIKTANNTKEEILELKEIESEINKKVIGQKHAVSELIKEIIKVKLGLNDDSKPLTSILLIGSSGCGKTALTDEISKKIIKDQNSVLKLDMSDYKEENSISKLIGTNPGYVGYSDGGILTNKLRHSFETLILFENIENAHSSVLNLISRMLENGELIDSKEDKILFKNTIIIMTTNIGSRMLLGEKNIGFNKNQQKSLETKSFKEEINQDLEKRFKLSFLDRIQKKIILNILTKENVEEICKNYLNTLKTKFHSKGIEIEIKKDVDKFITTKYYKKNSGARSVIAAIKGKIEENIITKIAENQNINKITIYLEKEKIIIE

>BB0835

MMLKIEAKRKLKNYILLEEDMHFKEEAIKIQKTNNSTEILNRFYKDLEFGTAGIRGIIGAGTCYMNTYNIKKISQGICNYILKINKNPKVAISYDSRYFSKEFAYNAAQIFASNNFETYIYKSLRPSPQLSYTIRKFDCDAGVMITASHNSKEYNGYKAYWKGGIQIIPPHDTLITNEIKNTKNIINTITIKEGIEKGIIKELGNEIDEEYVKAINKELPDFEKNSKETNLKIAYTALHGTGGTIIKKLFANSKIRLFLEKNQILPNPEFPTINYPNPEKQTSMLKVIELAKKKDCDIALATDPDADRIGIAFKDQNEWIFLNGNQISCILMNYILSKEKNPKNTFVISSFVTTPMLEKIAKKYGSQIFRTYTGFKWIGSLINEMEKNEPNKKFAFACEESHGYLIGRKVRDKDAFSAIKGICSLALDLKAKQQTIKDYLEKIYKEFGYYEEFNIEKNFEGANGEIQREKLMLKLRKEQKVQFAGIKIIEKLDYKTLKKINFKNEISEIKEYKYPINAIKFILENEIAIIVRPSGTEPKIKFYISVKLEYKEKHKIFDIINAIKMEIKKY

>BB0836

MVVKLMIDFFLKSEYLPAGDQPKAIKEIENSILLGNKYQTLKGVTGSGKTFTIANIIKDLNRPALVVSHNKTLAAQLYREFKDFFPNNAVEYFVSYYDYYQPESYVPSKDLFIEKEATINTEIEIKRIRTVTSLAKRRDVIVVATVSSIYALGSPDFFKKSAREFFVGQKISIKEISDIFVELYYERTLMNLERDKFSIKGDIVEIWPSSEHGEFAYRICLDFDEIVEIYRVSSFSKKNLGATNSFTLFAKSYFVIPYENVLEAIPKISHDLSLQCQYFKDNGKLVEAERLKQRVEYDLEMLRETGFCSGIENYSKYLSGSTMERPYCLFDFFPKDXLLFVDESHVTLPQFRGMYNGDHSRKLNLVNFGFRLPAALENRPLKYDEFEALINQVVFVSATPGVEENEKSSVVVDQIIRPTGLVDPEIITRHSDGQMEDLYSEIQKRVALKERVLITTLTKKMSEDLTEYLVNLGVRAKYLHSELDTLERVEVISLLRKSEIDVIVGINLLREGLDIPEVSLVAILDADKVGFLRSTTSLIQTIGRAARNSNGLVIMYYDKISLAMREAIEETNRRRQIQIDYNKKNNITPKTIVKKIQNILEKELNNKNKNVGYDFEKIISGERLSKKKLIDKLKFDLEEAVNDERFEDAIVLRDKIKELSSKISIARNKKREV

>BB0837

MEKSLKKKIIVRGAKEHNLKNVDVDIPKDGLVVISGKSGSGKSSLAFDTIFAEGQRRYMESVSAYARQFLGVMKKPNVDYIDGLSPSIAIEQRTISNNPRSTVGTITEIYDYYRLIFAKIGKAYCPNDGRLIEEQSLDKIVNTILSYSEGSKVILFAPIVRGSKGSHKKVLEKILNQGFNRVRINSEDYLIEDALNLNLHKNKKHTIEIIVDRIKLGNNVRVRLAESIETSLAVSNGYLRVEIDNDLEKIDKLFTEHNSCPLCGFSLPLIEPRLFSFNSPFGACSECSGLGVTLEFDFESICPDTSLSFNDDAFLTFKTSSSWSVAIFKGLAKHYNFDLNTPIKDIPDKVLKQILYGSNEKIDFIYQSKEMEAKELDGGFHYSKTFEGLLPLLKRRYLATESESTKIFYENLMSKKICNSCKGKRLSVGALTVKINGKDIQDLTNLSVFDSYVFFENLQLDMVDEKISKEILKEIKSRLKFLIDVGLSYLYLNRISGSLSGGEAQRIRLATQIGSALSGVIYVLDEPSIGLHQRDNEKLISTLVNLKNLGNTVIVVEHDEQTLRTADYIIDMGPGAGILGGEIVAKGALIDILNSKNSLTGQYLSGKFKIDVPSSRRKADKGEILLLGSNKNNLKNIDLSIPLGVFTVITGVSGSGKSTLLNEVLYPALDSRLKLNEKYCDGFKDIVGYEKIDKIIQINQKPIGRTSRSNPATYVGFFTEIRELFAKLPDAKSRGFKAGRFSFNVKGGRCEKCQGDGYLNIQMHFLPDVFVPCDLCKGKKFNEETLEVRYKGKNIHDVLEMSVFEASKFFENVPKISHYLKFLIEVGLEYIKLGQSATTLSGGEAQRIKLAFELSKKSTGKTFYIIDEPTTGLHFDDIKKLLEVLQRLVSNGNTVVLIEHNLDVIKQADYIIDLGPDGGLAGGNIVVSGIPEEVAKCENSYTGMFLKNLL

>BB0838

MREFLYRNVFKKSFIVFLIFLTFSNAIFAQTIDDENSKKRDKLTLSQKSYLRELELSTDEDLKKWALKEGLKETDVSKIRELLLKKFGIDPELFIKGKGLAGSGRYKIIIETADNLENFTYGLTKDESIIFEGRVNILVEDIKENKKHNIKGDRIVLNKNSKKLYAIGNVEYILDMDTNEKLYFYGNEFLVDFDSQNFLLKNGILQKKMQKNQIDHILSFGGKVLKKIDNDVTILEQAFATTSKIPEPYYSIKASKIWALPSGDFGFLNAIFYMGRVPVFYIPFFFRPGDSLFFNPSLGLNPRKGFSVFNTVYLFGNKSSSEDSSFLDFDFNSVYNSGKKPYIRNGYLTYFFAENLAPSVNKDYVKLIFDIYANLGFYSGIDFNLGNTLGHFKTLEGNFGLGFTRNVYSYDGGYYPFDNRTLKQSLFSFSNLNKGDVFGFEVPFRYLFKFKTEFLLSDALFSVVLEHYSDPYVNIDFRDRIESATFFSLLNLDKDSVKEQTSISTFDWNLSSFYKRTFNDGSILDYKLNNLGLSFKLSGYENLYVKSPLEKPKDVNDPTRKWFYLERIYAPYIDLNFQKDLYNNQWTFPADTKEMIMRPEIKNLEDKDNDKKSVKEKNTKKTTELTKDLYIPPEPITLKNIDQSDSFFIRFGINPYLRNNVFFDNYGITSPKDFNYEIKNYLFDIKNKTDIKIHADFYNRLITFENLLYLNTIEYSPLNKDFKVEDKDKKSEHSIINQINLNLLPFIRYPLFSRSTLKFENKATLYSFNKKYDSDVKSLVNKNSSIFLSDPETFYQSLTASLIYDYDYFTTELSGELKNSFEDIKASSELKLSLDFPYLLQEAGIGIKYYKKFKEDAMKNSGISAVQSPLEPQKPSSPYKNLEMSPALYYKIEPRYLDYFKFSFLVAYDPLINRVSELSFKLNVFDFQFLFAMKDDFEYNYDPLKGDFSKIGTTTKLVPYSLDSSYKKELYVLTFFDNKLSFTLGVDVGWKINLQKFTDNELRSALTLKFKYTEFLEIYFSTLSINTKTFKYFKGYMDQIGLEPVNFFVDLSKSFNFFNSQDRKDSLFKIKKFSSGFKFNFYDWKFVGEYNLEPDLLRGSDGIYSPIWRNNFTIYISWNFFAPIKASFENNKDTNYEFIINRKTKK

>BB0839

MQHYKSLVLRKLILPMNKYYACILINSNEKIIFKSWEECKTAIKGKNNKIKSFKTIEQAQNWLFNNENKIHHHPNGIYFDSGTGRGKGIEIRVVNEKRISILDKILDKSLINEYGNYYVKNFQGISNNFGELLALYTALKIALKENIINIFGDSKLIIDYWSKGIYNSKKLTQITINLIKKTTELRKKFEEQGGKISFIPGNENIADLGFHKTK

>BB0840

MKNINRLILLILTTHTLLFSCALIADNKSKNLSTSEIILTQKTLLESSLIKNPSNVEYRIPISSIQEILNNNNDSFLIKKTAAKIKISPQKLEEIKNYLNAYKNYLNNETEWIKFIDQSSVNGNLTIKIDTAFEKKTNFNHTNSDNENLTELIELQMHLEKEILNLIEQTFHDKNLGYIQLSHINSFFPQENINSITKEIIDGKEYIAPHIIANQLLKIKDKKYFEQFMHFLKVENSKIKTIIEKQKISDLHNELYYSKQSPPRRRKRSTADSDNNNKYDIIPKIIDPNTGIEITPKNLRSILSNGDIILIKPKIDWTEFFYFWQHVGIFDEEKYEATKKIAFNGIDSFDIKSIITSNQIKFDTASTQGSGYEKLSTYVQSRILKIFSPITDIRTIQKAINFGRSRYIDNNFGYMVPLISSNLWTDSFNLEEIHNKTYCSLMVDRIYKIAGLNVSRNYEISGIITPGEINAAAYNFYMSYTIAGILPSVLPKRLIKPTLKEKFIGYNKEIVDAIELKKSKEKIFGRACNITNLWCSGS

>BB0841

MEEEYLNPINIFSEIGRLKKVLLHRPGEELENLTPLIMKNFLFDDIPYLKVARQEHEVFVNILKDNSVEIEYVEDLVSEVLASSVALKNKFISQFILEAEIKTDGVINILKDYFSNLTVDNMVSKMISGVAREELKDCEFSLDDWVNGSSLFVIDPMPNVLFTRDPFASIGNGITINKMYTKVRRRETIFAEYIFKYHSAYKENVPIWFNRWEETSLEGGDEFVLNKDLLVIGISERTEAGSVEKLAASLFKNKAPFSTILAFKIPKNRAYMHLDTVFTQIDYSVFTSFTSDDMYFSIYVLTYNSNSNKINIKKEKAKLKDVLSFYLGRKIDIIKCAGGDLIHGAREQWNDGANVLAIAPGEVIAYSRNHVTNKLFEENGIKVHRIPSSELSRGRGGPRCMSMSLVREDI

>BB0842

MMYNLRNRSFLNLLDFTSKDIKYLLDLSINLKKSKYAGIEVQKLKGKNIVIIFEKDSTRTRCAFEIAAYDQGANITYLGSKGNQMGSKESMIDTARVLGRMYDAIGFRGFSQQTVECLANYSNVPVYNGLTDISHPTQILADLMTIKEHKGSLKGIKIVFCGDGRGNVANSLLKGCAIMGLDFRIFAPKELFPDPDLTLKARSLALESGGKITITDSKEEAVKCADVVYTDVWVSMGESNWEDRINLLKAYQVNKEIMCMAKDDAIFMHCLPAFHDLNTVIGKDIFDKYGLDGIEVTEEIFESKNSVVFDVAENRVHTIKAIMVSTLG

>BB0843

MKLFRRNVMIKMPSSFTIIFSLIVFVTILTYVIPAGKFDKEFKQMGDGSKREIIVAGTYQYVDRGSRGFLHPIMTILTAMSKGMEHAVEVIVFVLIVGGAYGIIMKTGAIDVGIYFLIKKLGHKDKLLIPLLMFIFSIGGTVTGMSEETLPFYFVMIPLIVALGYDSLVGAAIIALGAGVGTMASTVNPFATGIASAIASISLQDGFYFRIVLYFVSVLAAITYVCVYASKIKKDPSKSLVYSQKDEHYQYFVKKDGLSTGDNAQNALEFTFAHKLVLLLFGFMILILIFSIVNLGWWMQEMTMLYLGVAIISAFICKLGETEMWDAFVKGSESLLTAALVIGLARGVMIVCDDGLITDTMLNAATNFLYNLPRPLFIILNEIIQIFIGFVVPSSSGHASLTMPIMAPLADFLSIPRASVVIAMQTASGLINLITPTSGVIMAVLGISRLSYGTWFKFVLPLFMIEFFISILVIIANIYLSF

>BB0844

MKKKNLSIYMIMLISLLSCNTSDPNELTRKKMQDKNVKILGFLEKIQADNKEIVEKHIEKKEKQMVQAASVAPINVESNFPYYLQEEIEIKEEELVPNTDEEKKAEKAISDGSLEFAKLVDDENKLKNESAQLESSFNNVYKEILELADLIQAEVHVAGRINSYIKKRKTTKEKEYKKREIKNKIEKQALIKLFNQLLEKRGDIENLHTQLNSGLSERASAKYFFEKAKETLKAAITERLNNKRKNRPWWARRTHSNLAIQAKNEAEDALNQLSTSSFRILEAMKIKEDVKQLLEEVKSFLDSSKSKIFSSGDRLYDFLETSK

>BB0846

MVIKNSNQHDPPYNFSNPIAWLFILFLNLHVTTIDNA

>BB0847

MLIGILYYHYLKTPIKKDFRGLFLSLGFLYCIFVL

>BB0848

MYFCIIDLEFVGVLPYFFIYKFGEFYFSFFGKWR

>BB0849

MYSKMLSDRRDYYEKNKKILILSQVSIKINFHS

>BB0852

MPNEYKDINFENSIKAVSRKIQKDKDLIENEAQTRQNLIDPFLDAMGYDHTDISIVKVEEKADILKDGLKRVDYVIYPTKKDEEPTILIEAKYHNSREKLENHLKQLKPYFENIRSQAKRVEFGILTDGIEYRFYTDLDKDNLLDNEPFMVVNLEKLTSKDFEYLKKFSRNSLNVEEARSFALEKKYTDKFSAYLKKETKNPSVDLLDFFKAKIGFKKTYSDKIFNDIIKNIFSMFFDEKKSDVLVNSKKSDIEDDTDSGIKDNNIKTENLKKFEKLNSDMKAIYKELEDFIFVLNFNEIEKVETQCYTGFKVQGGYFVDFSFRPGVNKINITITVALDQIILKEGFTRYIKNIGKWGRGDVQILCTSDSQVEEIKYLIKLSYNNIISKMKKIH

>BBA01

MKKIFTLILIFGLTIQIFATKDTQNRIEKGIESFNKYDKEKKNPIGPFLLNLFLPFGIGSFVQGDYIGGGSVLGFNLLGAILWGTGIILNHRETQLTGYILIGVGASMVLTSYTVSLIIPFTFANRHNENLKKRLSAELAGFEPNFDLGINGFQLSFKKSY

>BBA02

MRLRFAMFSIQEAGFNDILSAFDKPTEKALVRILSLLPN

>BBA03

MKKTIIVFIILAFMLNCKNKSNDAEPNNDLDEKSQAKSNLVDEDRIEFSKATPLEKLVSRLNLNNTEKETLTFLTNLLKEKLVDPNIGLHFKNSGGDESKIEESVQKFLSELKEDEIKDLLAKIKENKDKKEKDPEELNTYKSILASGFDGIFNQADSKTTLNKLKDTI

>BBA04

MKRVIVSFVVLILGCNLDDNSKMERKGSNKLIRESGSDRRGQENRALGAMNFGLFSGDSGVVYDLQNYETLKALENKNKFIDYSKIEFLEGTKSINAFIWAVSVRWIKIKARDLFGECGDFIKELKGIKYSYLVSPVDGSYISYAMPIIVFETTRESDPLYSVSGFKLISKGNDINFNENKSGFWGRLPMSEKSVESGLVTAYPFGSSDAKKVIEAFASLYNNGTWSDMIAEITIKSKQYPKNEKVYRITLDSQLFNVAMKKIIEKYPKIKSASFAFNSLIN

>BBA05

MNKIGIAFIISFLLFVNCKGKSLEEDLKSTTSNNKQNLISNEKKSLNSKNNRLKDSRLSNFESKKNDQTLKKSKDFKKDLQTLRNSKNLMPKDLDQSSNDFENLDNSESLQEASSKHNIGKSRYGKALLKNDHDEIWIPHLNLEEDKNFEFFKKSLQNDENRYALGGWLLNNDEVLVKYRYSEKDVNQFLIDIGKKRWGDLSSKMSTLVRLIGNYSDKSDREDEISLLDMNLCQQFYLTKINAGGSSADILVALEKTIDQQISGVSKELLELKNFSLTTKSELDWYLNWKRNLTDEEEETLQCCRVLLGGELDFENLDDLFKRLGKEYSRLILRKLEEITLNYDVNRFLKEMEKSRKSFKQALGSIRNKSKRVVIFKVRNSLLEIFKLYYNNIGRNKKLYDYINRMLNSLIKEISRR

>BBA06

MFFYLKKQFIKAAASLIPFIVRNSAIHTFSVCKVSYIFI

>BBA07

MCGRRMKNILLFVILLFFSCKEFNYSDLRRRPSKVLNASNGASNKELKISFVDSLNDDQKEALFFLEQVVLDSNPDKFNQIFNLNEEKVKEMLVTVVKCLKAKRKAKMALESSNVANVANAKQQLLQVEKTYIDNLRQSFMTTKNIEEACNLVKNYDASASF

>BBA08

MEIKIDEKFNIVFNNDLKLIENIEEQKQRLFFYLKTPKGSLKENPNYGLDYSFYFKLCKANKLESIKNFFLNLSKELKIDLINVRPSIKNKTITINFFFLGKDNLKMDFKI

>BBA09

MSIIFDKNLGILEKTIEEIQNEKKHILRTKYGINIKDNSIYDIINFPSSSIDKQISEVLKELFSKIKENGSYFNALKEDLSTPKSSTYEAIRKALLNVEGVKHINILSGPGTINLYLILQDDCFQDQEKKQIKIETKQNIWQAIYYTAPSGTVFKGDIEIEFLNKHNQKKTYKFSLGKKKYAYLKVVYKTEAKDAIYKEIDTQIRDIYNKILTDKYIEMGTSLRYQDFLAPVSIIRGIKELKIGICIKNDETKKITQLSDSDFTFNKDENTKEDEIIIFNTNKRLLINRE

>BBA10

MNKEIPKFLENTQIEKFICNELDYKKEILRELKELLENFNTINVKNSINSKYIALLMLSIFNAFHFKKELNKNLVNSLDAIIFAIKSIGTDESFIVLFKAFLHANVEVSSNEDAPGEIIIKLLGNIKSPIEFNIAAKNQNKLKKITAKHAGFKKALTSNYMPKDYKNSVYEFIKILIPIGRIVKIIDKKQIEIKGTRTKKFSTADHFF

>BBA11

MNTNEPQESVQIKDLNRKTKVNQSDLIPIDDIVEDTCAITYKHLLEQIQNDTFYNNEFGCFKKAIKDVISKELLENKEYIKNIYIKVISKLLKLSTPLENIDFDTVFRKVKSTLIESLKHTNTKPSSNKISIYNSETKDIELIQFEILIESLKEFLAEKSEINELKSDLTGCVQINDFTDKFKNSFKLIPKHTLDTKTEQLVSCYKNGIPQIVEIPIWWQGKPYDFGGLHTIVDDARIIEFQYKNKATTVALKNRSSTSIVINESYKDNYIYLQIDAEIRYSSSTEDHNKQFYLQFEKSSAKILIASFSSQNMPTLKTPIYNGWYYVGSGKLSTGEEMPILNKV

>BBA12

MDTILIFLSTIDNTKLIILGGFIVLVIMPMILAIKPQFRENLILLIQKLLKNINKKEKK

>BBA13

MNNKMNINSGIDALNNLYDFLKSSDSPTEVKVEKGIYLGLNLYNLIMSIYKDKITTLEKEESLKILNEIKNVNNKITQLISSINDERDASIIEHLREERNELMSIKTQALQEQIKEFPENTSTANSKAQNLKENKGDKIAN

>BBA14

MQIKNFPFLFLLNSLIIFSCSTIASLPEEPSSPQESTLKALSLYEAHLSSYIMYLQTFLVKTKQKVNNKNYPEFTLFDTSKLKKDQTLKSIKTNIAALKNHIDKIKPIAMQIYKKYSKNIP

>BBA15

MKKYLLGIGLILALIACKQNVSSLDEKNSVSVDLPGEMKVLVSKEKNKDGKYDLIATVDKLELKGTSDKNNGSGVLEGVKADKSKVKLTISDDLGQTTLEVFKEDGKTLVSKKVTSKDKSSTEEKFNEKGEVSEKIITRADGTRLEYTGIKSDGSGKAKEVLKGYVLEGTLTAEKTTLVVKEGTVTLSKNISKSGEVSVELNDTDSSAATKKTAAWNSGTSTLTITVNSKKTKDLVFTKENTITVQQYDSNGTKLEGSAVEITKLDEIKNALK

>BBA16

MRLLIGFALALALIGCAQKGAESIGSQKENDLNLEDSSKKSHQNAKQDLPAVTEDSVSLFNGNKIFVSKEKNSSGKYDLRATIDQVELKGTSDKNNGSGTLEGSKPDKSKVKLTVSADLNTVTLEAFDASNQKISSKVTKKQGSITXETLKANKLDSKKLTRSNGTTLEYSQITDADNATKAVETLKNSIKLEGSLVGGKTTVEIKEGTVTLKREIEKDGKVKVFLNDTAGSNKKTGKWEDSTSTLTISADSKKTKDLVFLTDGTITVQQYNTAGTSLEGSASEIKNLSELKNALK

>BBA17

MGLGEGIIPINFIKFYAFSVLALFILILKT

>BBA18

MKTLKKKSPNTTKRVKKTTMNFQHNLIVLISTLNFINLNFKKYTQKNILYLLNKNLERNKQKLIKLKTLQNYLYILEKKFKVTLNYCKHLGKNSGSETYYKLKYEKEKCYLIINTYFKEKIINKINEFTQRIKKFNQINSSVKWECINNTNNIYKYKEYRNIHKNSKKTTNNEIIKKYLSKCNFKTEIPALIMNLKTTNSTKIYHLRNLKHIENDLKEIDPKKIEKHISNVIKENINNPGYLCKFFRNSGYKRIIHKIKEPEKKYKNKNEILKKILEEKIKELEKEQYKKEDLEKFFGKTYEIYKIKPHFIIEHKKYPDLEKLVKRAKTEIPKIQDKMVRQKSIKNNIFSILLEQLRHKVDNDKLIPTLKKFIENEPDLKYSKVFDNSYYNNLIKIVS

>BBA19

MTALLERLKQKQKELKLDADNKPKAKKGKKATVFSKIEEVKGRKIYHTKIFNDFYTFGISKNEPTKFFISLRGIFNIEDISMFHLFSVREDDEFMGIYYGIRKLDKAFIVKNFNKKETYTLRKCEYIEFRFKKGSVFCYLNGLHILLKKDRVNSPYYNTLLNIILELETELYAFYSKKLSKGGIIPEWIKKRQK

>BBA20

MDKKETKVITIASIKGGVGKSTTSLIFATLLSIKCKVLLIDIDTQASTTSYFFNKIKDNNIDLINRNIYEVLISNLHIDNALITINKNLDLIPSYLTLHKFNSESIPYKEFKLKEQLKLLSNHYDYIILDTNPSLDFTLTNALVCSNYIIIPITAEKWAVESLDLFTFFMNKLLLTLPMYLINTKFKRNNTHRELLKVLEKNNNFLGTISEREDLNKRIAKNDRFDLTKDYIIEYQNTLTAFLNKSSYVH

>BBA21

MEIKINKRNLSESVREEEQALVHYNKLKEKLNINFQKEIYCKIEAMKVLKEIKDKEYYKLDNYSSFDDFAKDYRLARTQTYKYLKIATAIEEGLIEEKYVVKNGINDTICLLKTKESPSLKKSNQNPIKPLRFQLKKEEAYSFYKKNPKLTSFLLEKIFFKEKDFLLKIIKEFETLRNKRK

>BBA22

MKRLNKIKRKEYYKLLIETFAIKTMVLSGLVLTILKILKPKCFLIKLLDSKV

>BBA23

MYLKMFIEKILQSNAELFKDVQKSGCYFLSLHYWIFVLTGFDFTAKDVNLNYQRFLELGYIRKDCYILNPCKILSCYKIFSKVRYESPLYLPKAGREFEITEIKVKDQVFVHFLVMDNNKVLYDSLDLKSKGKKFQITSKRIFNYFV

>BBA24

MIKCNNKTFNNLLKLTILVNLLISCGLTGATKIRLERSAKDITDEIDAIKKDAALKGVNFDAFKDKKTGSGVSENPFILEAKVRATTVAEKFVIAIEEEATKLKETGSSGEFSAMYDLMFEVSKPLQKLGIQEMTKTVSDAAEENPPTTAQGVLEIAKKMREKLQRVHTKNYCTLKKKENSTFTDEKCKNN

>BBA25

MKIGKLNSIVIALFFKLLVACSIGLVERTNAALESSSKDLKNKILKIKKEATGKGVLFEAFTGLKTGSKVTSGGLALREAKVQAIVETGKFLKIIEEEALKLKETGNSGQFLAMFDLMLEVVESLEDVGIIGLKARVLEESKNNPINTAERLLAAKAQIENQLKVVKEKQNIENGGEKKNNKSKKKK

>BBA26

MNLFYANIAVTLFGITSLLCNLACDFKTCFQFAKIFQIGYFAN

>BBA27

MLPQFIGFSFKYFDYFDIALFFLIRSIRIGRLKRHKNTL

>BBA28

MPAITLLCNMYSEVFTQEQETKIKKIVVNEQNERLKRLIKAYGKIHLVKV

>BBA29

MFFTVSNLIKEIYFLNIIKLIKISGKRRREYLKQNIFCCQQ

>BBA30

MIFKNRKEEYIFLFKKGLKDLDIAQILGVSESFVAKARNKYFKSGDSVCKKNSFSSDLAEESTTKVSFNEDNFNNLVLLATKKACELENAKNEAERLFYEIVCSFIDSHHRCKNLSLAAIKKEVLILDLKISKLQSEISANKKRGLKSQESLERELADRIKKREEIEKKLITICMREDFDTLVKLKSVLSSKNLKLE

>BBA31

MKFLRSLAFLNLQKKFKNKFNINILDYIKPKPTKICFKDFENKYLTAKQKEVLFDIESNNYSKVIFSGGIASGKTFLASYLLVKKLIENKSFYEQDTNNFIIGNSIGLLMTNTVKQIEKICSLLGIDYEKKKSGQSFCKIAGLKLNIYGGKNRDAFSKIRGGNSAIIYVNEATVIHRETLLEVIKRLRKGKEIIIFDTNPESPAHYFKTDYIENTDVFKTYNFTTYDNPLNSADFIQTQEKLYRRFPAYRARVLYGEWILNESTLFNEMIFNQDYEFKSPIMYIDPAFSVGGDNTAICVLERTFEKFYAYIYQDQKPVSDSLMLASIQVLIENFNVNTVYIEERDSTKGDGILTKTILFLRNKSSHYFKVAPIKPLSNKFKRICALIPLFESRKIEFLKIISKNVISDIYSYKGDGKTKDDALDSLANAYLLLTLNYKEKLFHFGRFKYL

>BBA32

MRITGLLFFLICLLSCSSFNKSSNKSLLAKNKQKASDYNREYYQKNREKLKLRARERYRRNRKL

>BBA33

MKRYIYVYIISVAVISCYLNDFSGMKENNCNKYDLSFFELSLAERENAILKIQRKFKSLTDKISSRISNYSEIKVGNFFSESSEQKINLLNKILEILKIQHGLVEKSSNTLSKLKMLSVGNYDVLDPQPELKLLNQKYSDIDEKLREICSCILSNSIDFNKVLNDLIYLKESALALIQK

>BBA34

MIIKKRGLLILGIATVISCSAMSKPKDDIVFGVGIGNEPTSLDPQFCSDRLGNLIINELFVGLLRGDPKTGGYRPGLAKNWDISYDNTCYTFHLRDDIYWSDGIKITASTIRDSYIMALENELDVPHINLLTSKIKNAQEFYETKLNADEVGVKVINEQTLEITLSRPARYFLDMLTHPIFIPIPTHIVKKFGNKWTSSENMVTSGPFKLKRRILNEEISLEKNEKFYDAKNVAINELIFVTINDTRRIYSMYEHNEIDAIFNNIPLSLINELILREDFYSADINQIGFFSLNTNVKPLNNVKVREALALAVDRETLTYRVLDNNFKATRKISPNINNYNYGKKLKPYNPRKAEKLLAEAGYPDGKNFPTLTIKYNKNDLEKEVASFIQSQWKKVLNIDVEIEPETWVNHISNILKGQYEISVRSWQGDYLDPMAFFNIFETKNSHFASYGYSNPELDELIIKSDLEEDEKLRLEILKKIEEIIIENDYPIIPIYSVAGNYLFKNDKWLGWNTNNSERFALSEIKPIEE

>BBA35

MRLFKPFALNLLLMKNNKPFGIPSSRNKILYKNIAI

>BBA36

MMQRISILLMLLAVFSCKQFGDVKSLTEIDSGNGIPLVVSDVVKDLIPKEISLTPEEAEKLESLKVFLKDAMSVNGREEALKAEYEKSYKEFFDWLSKDVNRQKEFISSFDNISSIVSKAVDASKKRRPTEQQSLGFKEYVCYKIKNSKGEALSLFFQKVVDAFGADPYKKDNDESVQKPVKCNEEIFKVIKKVLTESESNNELKNLKNYGNV

>BBA37

MSEVNNAKSNLQDFKFNNVKFAKELSTQVINSALEVETNLNKVLNANNLNDAHLKVQKSKSKLVSTINLAKKLNNHLLLEFDKISDFDIPITFRIVDKILKVFYWTIVNFDSHTVSEIDSVGLKEIDFLHKDEEGIKSAEEEINSIENLKTREFLLGLLLVIKSTFQADRALIKAIRASLLATSFIAQRGIEGKKTLFFYF

>BBA38

MIFKKMINEFKMEIKNNKSKINPIDVYRYSIFFRNYIESTAEDALKNGINLSLLEKSCLKESSKSLLGLKVQLKEALLEAMISYRFNGAGYILVKPKSEDEDLSKKVNSELPTGFKYLDFQKIINKRDSSYVEYLSNSKDPDDFERARVVKIDKSRVIIYENYDYVLGEQEPAYTQSLLLNICLLEQIYLEIEKRIRNYNFLFYKDEHLVGLVESLEIAKEEINVLANSKGKIFSTFFKAQEPNKSFQALSSVSDELSRELSKIKNTLNNDGIFYTASENARLEVIKYDLEFLKDAFELVKAKIGADTKEPLTRSFNEQVKGLGSSGKGDKSNYYDYLKGVQESVANACNLKLNKYYRLNMKFNELEALSYEQRLQKDNLLLDVYFKYLELIKNENLSDKAKENLKEQLSLVI

>BBA39

MEKMASGTDKNQEDLKESKSKNNEVLSDSLVREFLEYKNLKSASNNLTVNYSHNDLRESVEINKLANDNLSFEYNTENLLAKGYSFKEVVKGQAEELIRKYVKSAQIFAVAGTYNLEEIDPSSRAILIRLAKTNIDQNKNSENSYKVINFQRIKSDQKNNLRDRNAFFNTYHDLRKAMLNQWEEIKNEFYCNKLA

>BBA40

MSDSIDFQKEIEKLKASKVELESQLESLKKNQAQKIVLDKLQSVNASSYPVFESHKFQDEGLYFAQKGGLKSSSADKFENYQALDFCYKCGVKLIVNGSNLQIAKGGGSDLYGVCVDFDDFSRTGTVVPITCSFECVLITKDKTIKAEDKLIINSEGVLEKSSKNASVIHALALGPALEFKDRRDVYGVRVLFLVKQIKDSI

>BBA41

MDESILNNDEYVNTVRDVLVKECPIPEYYHFLDSQQIQSSNISLGSDRIIKWYSNLTDIPTLKVNDFNTVSTIKFQRQIVKINYLPFQYAFTYYAPDGKVSVEANTNINMREGLLGAIIEIQKLMSAHYLRGGLTLSRGSKRTLLVDESNNETMYGLLNLPNQIDKTVKQTNILDQIKSINDDLSKINLEDERRVPFKILTTSKIKGRLLERLPNNNYSYKDMLFDFISAINNDADIELETTNLLDDEILIYPRSSKLLLLKDGHQPILNSYTEVSSSNFRTSFLDFSIGTILATKNSILRIKLS

>BBA42

MNDSKLDTNQALSANLKTLKSENLESLQRVYEQILKLLMLDFKDLSIKEFFLYLNLLENILILKRIRIESLNDSTMFVLIYYFIGCELKRRNRLKGFNLNNIKSEKFKEISLEYFPTNLDSSSCGGDFCKCLDDLIKDLRAKGSLIGVVK

>BBA43

MKSLEMINISLSNIISIYSQELFFCKFRVIKDPINASYETRFKSSDTVVFKGMFLLINPEEVVEIEGVNIFDQNSYAKVYTLENLEFEYGDLVKIFDDVYSILGVQKSYKEGLNYNTLVLRSSC

>BBA44

MLSVKIKFKDISFNAENSINIKSEEIKKELNFKLAKAFYKEFYSNIFSNKEIKTAFRKSIQKGLIEIKDQFRVFCKNYSLIMQKDLSPKRAFKAKEANKSIEKPRI

>BBA45

MIIGLNESVQFLIKILTNFKKYLYLKEIELEILNTYNHPYLEKFATNTSNLLVLKSESFEGLTPRNLRGRNSCKEFNEFRLRFSLYFLSFVLFKAYKDSYENICKVYEHFLEFLHENRFKFEFTKELEGDSYLLLTYYLCSISNLNNDGLLGVSNMHANMCFSFNQIFVANIQVLKQER

>BBA46

MPKDTISVSFVQNRLAFNNVNYYNPLLIYKSNVLASKHLALSVTNLQDLLEKLEMQKAQESDSSKKKIAEEQLSALKKSMSDFFGQDGLKSVDFYVYNQIKEIKDFLKSNLHPFVVFVNQAEDVISSDFEEIRKICNFIVISTKDANLPDFLKGKDKSELKNIIAVYAGKQNLHLKFTAAYLHQASIFHAVNPYGMILNAVPVYDDSLIDSLRKTNINFYSLLNETGNDGILAFKEGVSLSGDPIDETFTLFYIKNEAIKELIRIWNKNNRANSKLGSLNLDGNLPNEYTAGLECFFHELKQKGLIVSYKEIKLKINSSEGLSLSLEVALKYNDSFNSVNLIITTQEINEYLRRAS

>BBA47

MREYYSLDLIFFSFNDNLIDTGTLEYSTEPNVMAKASTEDRNFPIPSFRDPRTVVHIFDLEVSKGSLDYKLLTKLSNEQFYENVPKSKKLKRLVFNDQMGLKIISNSAFFAEIPTRKYSADNDTVKFTIHAINCDVEKAS

>BBA48

MRYKLKILTRAKTHTYVLKDIPMYDWDSVLGFDVERDELISKLNDLRTLKEITKLMISRGFLDEFYEILNKERRYSELYKYALPTILFSVQYSLFETIEGFKKPGLVYIESFQDKNGDYIKYDYINERWSYDLITNSKPSDLNSEDSLEPGFESLLQEGSNE

>BBA49

MNKQEIATSYFKYIDYLTRETNKYYFPVVMGICTYKDVKKMGYKELVEVNRVANLKLNKEIYERFLSFSSVF

>BBA50

MYEENNNENKFTITLEGVLDRNATKSNLKKEFLSLKRENFFSQGFGGLGGKGSKDFLSLSLEKLESLKRPKSDNSKKSASFKSLNVLGKIDSFKDFLGPDFQKNNPKSVLKDLDLDLDLKDKIALPDGHLNKNKSSLSSYLKPEVDKLDLGSQEHSYFKTENIKNTFKQNFVNNSGEAQTNLPKDFRLDSNFNKTFPFGDLQEPLGLKNANSQIVWKNLMSFRDLFKDSSLVDFFNIKNGFNDLNLPLEEFKNLKDKKTALSLENLVFKDDQKESANKILKRKRSFETELERNDFLRKLYILQSSQNSNPDSNLNSNSNDFSFMVELAQKLKNEGHAKNDSKAISLVSDFLRGENNLEKVLSFRMPTMSLKSPGQPEVLNSKIINTAFEPGLDSILEKTLELLEWAKNYDFTSSVLDPLRNTFSNLGSILAQAFESLPLVEHMTNLLNSASELNSRGIDDDSRMP

>BBA51

MIKEQASKLIKEIVNQISSLASISNFVLLFPRLDFKGLGYIPQLFFIFVKHDLIEENLSSVSSARAVIDFTNTKSEYVNFNITPRPEIVTINKGILSSIYDQTLIRALRETPFMNSALEFNSNFIKMQFRQRFNLGVYYSMYSPSVGFHEVVSISSLKLKDTVYLEEVEISLQVKICKTFNILTYKG

>BBA52

MIKFKLILIFFLFIVSTTYASVARPFDFRKWNFKKDIDLAYVLMHDLDNGILIKSQDKAGSIKSQEVLTKLNALNAYCNNLQRIIKAKLVRGRFQKEVELPLLKIIRKYKYLTRNYKNKSLIENPEYTKLIAERIIKKALFLENYFQSNRLKNVKSGENIKKRISDNQSKLKSLRSKPNKSVGSKFSKNSRPSKSPQGVKKCNKRRILDKYDLNGAESEFLDDPSQESDELEREYQDDELESEDPDDGEREYQDDRESRDDTFNEDQSEDEFFDSLEDQFI

>BBA53

MRQLILISFLFLSFNLYSYDLQDDEEIAVKFLYEEVKISGNLNEDHSVSSAEGLIQNVINKIGPENILNIEHSITFNGLSVMVIYKAKKQR

>BBA54

MVAFVRKVCTIFILFFCLSFNLHSYAVENGVVIKVKIFNFKLNQQRSFEELERDLRLFIQKIGSKNVLDINHKILFTGLEVVVMVIYKSNKE

>BBA55

MLIFQYDFKIEFYNTVNSKNSIGGRLSGLRPRVVITTQNGAPDLNIFIQNTYSENNLITSKKAKLQIFNVPLDFSDFKTADIVKIYYKKFSDQQDYQFIMAGYLGAPVERIGGAENFSFECELYLLSRATFLERKFEYKNFKGSTIADAINYAFKDKAIFFMNELEKTKVIKESFACNSPKGLIEYLRRQGYVDAVIVDIGNPGQDVDLKFIFMNFEQFGAAEYKRLEDYGLLFVPQKDALGFKSGLSLYQAQVMFTHNIKIADNLSFKDRHGNTLDCKVKNTSARLSSTRECVLNLELYSKGEMYYAK

>BBA56

MQNNDFRTGSGSLKGSSTGVLKQFLFENVFICRIGVIKSFDFETQKGVVTIKEYEGLEISTCSISNFNFDLTAEDEVILLQSNFNIFQESDNNHFDKNYFYILSVLNPKKIGIRLDQFELSVQELGAQSENIKFKAKKLIIDVDNIEIKGNLKINGTKFENHMHSSGTLTYVNSSGVPTTTTGKTGPIA

>BBA57

MNGKLRKALKIAIFTTLLLVISCNANMDTNDKNKALNEYKLKNISEVIKNSLQLESDPKLKKEPESNINQSTPPILEIEKIEPGKQEMSLKSEFGSESLMPLEEPEEANMAKSEEEIAKIQEKLLLIGASDEITDQELGENMQKFLNPTTVEFKISTTTNETILTTIEEEEINNNKDKIFDHKEENVTLGNNSLENATLNKNTITLAQNQKYTTHLKNDDKFITKEYLKQVRDSLDKALNAIKNLETSKEFRELENLPKDQENSPSAKKESTESNINNTNTENIEIIKNRLLEELNKSELIFEDTKDPLGTSTIKKVIDAAKKWQEKENSSQIDWDLGFKFHPNPKFYNKLTAQEYKVLAEKFTKVKNEYKNTKEQLKAESKLTTNSISKIINATKEFANQVINLILLVEKNYQ

>BBA58

MVLFLNFLNFSKTLSTILLFYIDTKDLLCTKCTAYLEFFRFINKGEHRMKIDVPLNILRYLNVGVRF

>BBA59

MVKKIIFISFSIFIVSCSAIGRGILIDSILNNVHKELEQEKKDEKKKNPQSKASIEENADNNPEEEDDDDQNEESEQSN

>BBA60

MSKKVILILLEILILSCDLSINKEQKTKEKTSEKQESEKQNIEKQEPEKQKQNAAKIIPTVSIQTVEIRESNQIPKSIEKYYKQAYPIQTFTLDFSITREKEFLKPEDKILPTQGKVESLSILINKKLLDFKAPENPKSSTLKNFKEIKNIENFFQNQDLLFVLTLKDKNNNNTINIMLNPPNDIQKPKDYILKDLKDTIKKGTGEKYLNPIYRFQIKNKKDYHSIDYNKVTISEKTIELDLLPHEQVFQMNKNFTKILDTITDLNNLKLVIQKELV

>BBA61

MSAIKNNLIYKNEHAKPLNPILCAQFYIRTYSIDSKAAIEIKSEANYLGQYDKITLTKGKLKSISILAHKTSMDKKGLKNLLQLKNHKDFNHFYENNYIRCCLNFEDKQKKELNLMPLFHYHSLLSINKAILSNDKEGNLQFGSSFYVSTNHSWKYLNFAKFQKSLNKIKLIYSNYSNKKYYIKVSQSIYDALKILTNASRLKEFIK

>BBA62

MTKLMYAIFLSAILFVACETTRISDEMENTSDEDSKVTAPMTDKDMMKSMPDKNTKSMKQPMTKSMKK

>BBA63

MLQFSNTGFAFKRGERGLKTSFPFFIFNFNINLIFLNQNNK

>BBA64

MKDNILKNNKLIAIFLLHVLTVLILISCSLEVKDSNESKKHKKEKRKGKVENLLVAINNLKNPTKPAAGKNKANSKASKQKNNPNANANNAPKKILDPEVAKLIQKILDRSENIIQISEMDSSRGEPNDQFGMRAEIFSKIFFNANSTVHFDSHEYTEERRMLYTSLNFNEGKIFNLGQILSKLSQDSNYRGLVKETLINRGFSIQLAMEEISAKILNVKDKLQQLNKPNLETLYNDFEKLTSLKEKWLKDTDDLIDEYNTNPDLQTDVSKLNDTLRSKNSRAQFANIHDIILDLVNTTTNILAPIQ

>BBA65

MNKIKLSILITLGITTFFSCDLNNKDNKDKVASFTETKYNELSPQKGTKTQDQRSTKNLKVSNKGEADLIDKLFEILAREMTIIKKEKLQTEIPSQFGLKNSMFELLNVYKIDSTNGTRLQEKMNSSLAESQKMRRQFYSSLSYNTTDIFNLAEIVNKLYKDPKAHDTIKKISGGIRIQQGFEVALEDLAINMDKLKANDFNKNTLEEIYNLIVDLTLIKKEWLSTIETLIKSSNATLELQYNTEKLNDHIEQTYKDTMISLCLKSEQTLLHLDTLFKFNNN

>BBA66

MKIKPLIQLKLLGLFLFSCTIDANLNEDYKNKVKGILNKAADDQETTSADTNSNAAKNIPIADNDKVAAELKKQSQAAKTVAAAPNKGSQNQPQTTPNKGSQNQQAAPSPQLQSLSFSADLSNLPKTTAARAASLTKQRIPIQAVTTVPGNTRTFNSRNSGLPTFALNYSFSQPTRQQTNSSSAVQTTTSSGSKLQTLKNELIRAISEEKNKTQNNFGFRETYDQFKMKDSAFELLDVISSAKVYDRSYAPQLNSNTPEAENERNKFYALMDFDQYKIEQFGSIMEALYNENQNHSLIRELMISGLGTQISFELALEEINKKIEIFNQDYLNAKINSFDFTMKLKELKSKLNQILDKRKEWSRQADGLIANASSNSSLSDSKSLAEYIKKRYLDNMQNARQSVLEAYISIM

>BBA67

MLFFIYSTTGPIISLFLRQVLVLSQSKHEHINEHKSNVFPSLVNANLYFFKIYSPFVKM

>BBA68

MKKAKLNIIKINIIAMILTLICTSCAPFSKIDPKANANTKPKKITNPGENTQNFEDKSGDLSTSDEKIMETIASELKAIGKELEDQKKEENIQIAKIAKEKFDFLSTFKVGPYDLIDEDIQMKIKRTLYSSLDYKKENIEKLKEILEILKKNSEHYNIIGRLIYHISWGIQFQIEQNLELIQNGVENLSQEESKSLLMQIKSNLEIKQRLKKTLNETLKVYNQNTQDNEKILAEHFNKYYKDFDTLKPAFY

>BBA69

MKKAKLNIIKINIITMILTLICISCAPFNKINPKANENTKLKKNTRLKKPANPGENIQNFKDKSGDLGASDEKFMGTTASELKAIGKELEDRKNQYDIQIAKITNEESNLLDTYIRAYELANENEKMLLKRFLLSSLDYKKENIETLKEILEKLINNYENDPKIAANFLYRIALDIQLKLEKHLKSINEKLDTLSKENSKEDLEALLEQVKSALQLQEKFKKTLNKTLEDYRKNTNNIQENKVLAEHFNKYYKDSDSLQSAFY

>BBA70

MAPEVNSYTNTKEDTENLKNASGDINSLSQKSLKEVTIAKLKEFGNKLTAQKNEETTKIEKITAEKESDLLETLDSKIQPVYFTKPETTEETKNNVKMQIKRIIYSSLDYDKGEIKKLKEIIEKVKGKDGGEYMIIDLLYGKALDIQTQIDKHLESTKEDNLNTLSEENLKELLIHVEFDLILKEKFKKALKKTVGEVPQEIQKIEKETNIK

>BBA71

MNKLKEILETLKGSPDYENIIIGLLYHKALGIQEQLDSHLELIQKKEELNDLLIHAEFDLMLKEKFKETLEKTVKEVYPEIQKIKEEYSVKKITEGLDTEILEKNEDAYKKYYIAYYINENYQIFDYSTYSVEFKQN

>BBA72

MHKESVLTKNKLNIIATILTLIGTSCAVNPIGPKVKSRTDIKESNQKSGNPESLNQKYQEETKVSKLEAPTKKLKDQKNE

>BBA73

MKRNKIWKTLKLFQITLLFSCSFYSKSNNTEAISELQSSPIKLGKIKVLQKTEKIVSTQNLQNLQQSQFFKNEKEKIIKKIAQEFDENEKLINKIGPNIEMFAQTINTDIQKIEPNDQFGINKTLFTEKKDNNIDFMLKDNRLRRLFYSSLNYDENKIKKLATILAQTSSSNDYHYTLIGLIFWTGFKIQEAFESAVNILTKDEQKRLIFNFRTKTVKEIQENFEKLMQERNSWIKIVDNIIGEYDKNTGGCKADGKILGEVIRVGYEHELDSNKSMQILNNIETPLKTCCDHIHY

>BBA74

MTKIFSNLIINGLLFGFVSLNVFADSNNANILKPQSNVLEHSDQKDNKKLDQKDQVNQALDTINKVTEDVSSKLEGVRESSLELVESNDAGVVKKFVGSMSLMSDVAKGTVVASQEATIVAKCSGMVAEGANKVVEMSKKAVQETQKAVSVAGEATFLIEKQIMLNKSPNNKELELTKEEFAKVEQVKETLMASERALDETVQEAQKVLNMVNGLNPSNKDQVLAKKDVAKAISNVVKVAQGARDLTKVMAISLYMR

>BBA75

MQVNIENVNIHNENILYHKNSLNREINIDLIK

>BBA76

MNKEYKILDNGFLKLIDFMGDDRRIVKAARISYREESVKRKDAELIDYLIRNGHTSPLEQVVFTFHVKAPIFVARQWMRHRTARINEVSGCYSLAREEFYVPLEEDLKCQTSSNSSEKEFKSLEKLSDKIKHHQKHSYELYQDMINANIPKELSRIVLPLSLYTEWYWQIDLNNLFHFIKLRLALDSPKEIKENSPKEMREYAKALISIVREIVPIAFNSFENHFLRGKRFSHEEIIAIINALDLNKLSMDAEKLNLLKDKLGID

>BBB01

MDRFYTKKVIMYKQQYFISGKVQGVGFRFFTEQIANNMKLKGFVKNLNDGRVEIVAFFNTKEQMKKFEKLLNGNKYSNIKNIEKIVLDENYPFQFNDFKIYY

>BBB02

MKIGPHYFFKKILKSNDNRTIYISYLYDRLASVKPAGEWLRIYFKDSKRGKKYFILFNRNSSNGSFISCSFLKTSCNCGLDIKFSDGNLNIFCRNRKSLEFLKFKVEHFFRTSVSCYKNNNSYVHNIKPKNKVKVLVKREASPNNKF

>BBB03

MPPKVKIKNDFEIFRKELEILYKKYLNNELSYLKLKEKLKILAENHKAILFRKDKFTNRSIILNLSKTRKIIKEYINLSVIERIRRDNTFLFFWKSRRIKELKNIGIKDRKKIEELIFSNQMNDEKSYFQYFIDLFVTPKWLNDYAHKYKIEKINSYRKEQIFVKINLNTYIEIIKLLLNQSRDIRLKFYGVLMAIGRRPVEVMKLSQFYIADKNHIRMEFIAKKRENNIVNEVVFPVFADPELIINSIKEIRYMEQTENLTKEIISSNLAYSYNRLFRQIFNNIFAPEESVYFCRAIYCKFSYLAFAPKNMEMNYWITKVLGHEPNDITTAFHYNRYVLDNLDDKADNSLLTLLNQRIYTYVRRKATYSTLTMDRLESLIKEHHIFDDNYIKTLIVIKNLMLKDNLETLAMVRGLNVKIRKAFKATYGYNYNYIKLTEYLSIIFNYKL

>BBB04

MVFMNFQDFIETTLVPIASKIGSNRYLIALRDGFTFSMPFLIVGSFILLLVNLPFTDSQTLLYQQWYVDLMAKYKGNLVQPFYVSMGIMSIFVVFGIGYNLSNHYKLSGITGGFLSLYTFLILAGQSDWIPYGGDAAKWGIQPNSWFPVIDARYFSAQGVFTAIIAAIFSVEVYKFLVQKNMAIKLPESVPPAVLKSFEALIPVVALSIVAQSVNIAIQSSLGSLFPEIIMSMFRPVLQISDTLVGTLTISFIVHILWFCGLHGTNVIIALLNPIILSNLDSNIRALSDNLPLPHILAGGFLDSFVYIGGAGATLGLAIAMMLSKSQHLKAIGRLSFAPGLFNINEPIMFGAPIVLNPILGIPFLLIPIFNIIVAYTLTNFGIIERVRTLVPWTTPAPIAAFFSTGLDIKSFVLVLLLLIISVFMYLPFIKAYDKALLLQEKE

>BBB05

MNKKIYSIEELIDKISMPVVAYSGEAKSFLREALEYAKNKEYDKAELTIQESKKSIAKAHEAHREIIHQSATNPNSVKTPFILIHAEDHLMSAISELSIFEELINVYKIINEIKK

>BBB06

MNILLVCGAGMSTSMLVQRIEKYAKSKNINATIEAIAETRLSEVVDRFDVVLLAPQSRFNKKRLEEITKPKGIPIEIINTIDYGTMNGEKVLQLAINAFNNKSSV

>BBB07

MKEIGISIYPNVSPKNKIIKYLEKSAHFGFTQVFTSLLYINGNEFDIFKELLSIANKNGMKPIIDVSPEIFKELGIDLSNLRNCPKLDYFKKLGAWAIRLDNTFTGIEESLMTFNDSDLKIQLNISNINKHIDTIMYFKPNIKNLLGCHNFYPHKYTGLSRNFFKETTKIFKHYSIPTAAFISSNNAEECARGKEKEGVPTLESHRSKDIETQAKDLFKEGIDTVLISNCFPSETELKKVSKVNRNILELKADLNPDANSVEKEIILENLHFNRGDINSYRIRSTMPRVYYNNKKFPVHSPNEIKKGDILIDSSEYLGYTGELQIALKDTPNNGLVNVVGKIINDEIYLLEKIEPWEKFKIIENK

>BBB08

MKKKFNFIFPFIIFLFSCNISVSSIFIRPLDEVIKSEIALYESLGDGKFKTGIHAKNYFDSIKDISYYSYFFILDKFSNNITMKLTLSSKKANLLTYDFGIFFDRKFKLEIVNLNSNEPEFSGIDSFDKKISFKNRINGNIQNFATIIFNLDDIRAINREFELKNNIEDLNSSTNEFIYFLDSSKNLDLRESYITVYYYVLKAIEKFLQ

>BBB09

MKYLKNISLFLLILGCKSIPNGNFNLHDTNHKLGKLKFQEDSIISRNYDNKISIVGVYNPLTEKENFKVNIFIKKKGLQIDPENILINEEKINYSKYKAELKVKSSFNKSIISISLTNSRDLLTYIYDKSTGKYINIDFKDNWNVSHSIKFNKEYILAYITDFDKEIKISKNILQKRIDNRKIEIEKTELKTEYNEIEDYYIYSMKIPKLFEKSDAPSETYETFVIANYYPCENLNILFLNLSLYSDKLRFLNSIYDENDRKLKMEPPVRALKNSKTIKETLNIVLSPQKIIELAKNIEKDITLKLKSYGEKGEFTFEIYKPLLLKFLKEVDHCIKNLQSSRHKF

>BBB10

MYQIKTNKMPFNKVVDRRLKIFWVIQKLSANYFISKKKYSLSNVVAMTNSILEKKGFKRVTKRTIQNDIKIFETLGLIKSHFNPLGKNNGSFTYYTINKALEKLAKKIISTAYFIDKKTKHEKSKNKQLKKIKIIEESQKYKISHQITSHVLSNNISKKYKNSKYSFRRKNQNIKKTINFLEKEIKKKSKSINLEEIKKITENDITYKNSLWNLKDFMEELKEYEEKKIIKFYKKNLEKKKQKIWFMAKKFKNTDFDKLIKKFKIKNKMEREKNYENENQIHTSNNIKNAIVLMKTLIKKQKYDKKIKK

>BBB11

MKNKETKKNFFNKIEKLENKIIYHTKIFSMINNFEAKPKKGKFWLCLRNIFNNKKYESFHLFSVKENDKFLGIFYGFKNLPRPFVINYSEKGTKKTIRLKKIFYMEFKFKKGSVFCYLRSLYIFTKIKNKNKLFYKSLLERTLKIEEEIHKFYGKKYESNKGIVNWIKKTQK

>BBB12

MDKKNTKIITIASIKGGVGKSTTSLMFTNILSKKNNKILLIDLDPQASSTSFYINILRKKNLSPKDINIYKVLKKEIDIENSTIKIDNNTDFIASHINLSRFNEESISLKENLLKIFLSFIQNRYDFIIMDTAPTLGSLLNNSLIISDYLIIPLPTDQWAIESLDLIINRLDDLFRKDLPIFYLITKFIERQNIDKELKKFIECEYKGKFLGSVPKRDNLRKTIFYREEFNSNEDYYKAYENILENFLSIISN

>BBB13

MKLNKKIEIVKRIELSGNEIKKSRESRYLKLKEKLKILIKEESYNKIETARILKEINDNKYYVIDKYKSFGHFIKDYNMAKTTVYRYIKLAIGIDSGKINYELILKKGIYYAMQFLENNETIVNSKRILNRSLRLKIEDEKSLNFYKSNTNFVSFLLKELYYDNQKLLINIKNKYDNLKNKK

>BBB14

MILYQNQLKFLKLLVFFLLISCTSLNVEHDQFGKTFRIYQSLNKNAELKGIFNYKTGITKIVLYTRFRNHSITEQNPLLLLDGTKIEGKVSYKRDNNHFFGNWINYSSFVLTKSLLERMIKEEDASYKNKEVKIRIGLEDLSLKKYKILDFLVMVESIENKDYKS

>BBB15

MYRTFIATKEVLNMKFSLEFNSNFLKFNINLFFY

>BBB16

MKILIKKLKVVLFLNLILLISCVNESNRNKLVFKLNIGSEPATLDAQLINDTVGSGIVSQMFLGILDGDPRTGGYRPGLAKSWDISDDGVVYTFHLRDNLVWSDGVSITAEGIRKSYLRILDKETGSSFVNMIKSVIKNAEEYFDGKANESELGIKALDEKTLEITLKSPKPYFLDMLVHQTFIPVPMHVIEKYGQRWTDPENMVVSGPFKLKSRVLNEKVVLEKNNKYYNSKDVVLDSIIFFVTDNSITAYNMYLNDELDAIFKNVPPDLLKDLKLRDDYYSMGINSTSFYSLNMKVKPLDNVKVRKALSFAIDRKTLTESVLNDSSIPTRRATPDYIDYSYKSNLSLFDAEMAKKLLADAGYPNGNNFPLLKVKYNTSDSQRKIAEFIQNQWKKNLNINVQLENEEWSTYINSRVNGNYEIIRSGWSGDYADPMTFLSIFQTENTSFSSYGYSNSEYDELLIKSDNERDIFKRQEILKKAEAIIIERDFPAVFLNITSSSYLFRNDKWKGWEPNISERFNLSEIKPIK

>BBB17

MPNKITKEALTFDDVSLIPRKSSVLPSEVSLKTQLTKNISLNIPFLSSAMDTVTESQMAIAIAKEGGIGIIHKNMSIEAQRKEIEKVKTYKFQKTINTNGDTNEQKPEIFTAKQHLEKSDAYKNAEHKEDFPNACKDLNNKLRVGAAVSIDIDTIERVEELVKAHVDILVIDSAHGHSTRIIELIKKIKTKYPNLDLIAGNIVTKEAALDLISVGADCLKVGIGPGSICTTRIVAGVGVPQITAICDVYEACNNTNICIIADGGIRFSGDVVKAIAAGADSVMIGNLFAGTKESPSEEIIYNGKKFKSYVGMGSISAMKRGSKSRYFQLENNEPKKLVPEGIEGMVPYSGKLKDILTQLKGGLMSGMGYLGAATISDLKINSKFVKISHSSLKESHPHDVFSIT

>BBB18

MKYTLIKKVLIYLRTYIMNTQAILVLDFGSQYSQLIARRIREIGVYTKVIPYYTPLKEIKNMNISGIILSGSPASVYSKEAPTLNMEIFNLKIPILGICYGMQIIVKLFGGLVSKDSKQEYGSSEIFLRDEKSLLFSELPNKFQIIMSHGDSIEKIPDNFKQLAFTKNCIASISNETQKIYGLQFHPEVTHSEFGDQIIKNFVFKICQAQINWSLEGNLETIVKKIKLKVGSKKVILGLSGGTDSLVCALLIKKAINENLICVFVNTGLLRKNEDKKILELKHQYDLNIKYIDASTKFLNRLKNISDPEEKRKIIGKEFVDVFEKITLEDQNIEYLAQGTIYSDVIESKSKDSSSSKIKSHHNVGGLPDKMSLKLLEPLNEFFKDEIIQIGINLGIKKESLYRHPFPGPGLAIRIIGEVTQEKINILQEADNILTEELFINDLYYQIRQAFVVLLPVKSVGVMGDQRTYEYTAVIRCVNTQDFMTAEWTELPYSFLKKVSSRIINEVRGINRVCYDISSKPPSTIEWE

>BBB19

MKKNTLSAILMTLFLFISCNNSGKDGNTSANSADESVKGPNLTEISKKITDSNAVLLAVKEVEALLSSIDEIAAKAIGKKIHQNNGLDTENNHNGSLLAGAYAISTLIKQKLDGLKNEGLKEKIDAAKKCSETFTNKLKEKHTDLGKEGVTDADAKEAILKTNGTKTKGAEELGKLFESVEVLSKAAKEMLANSVKELTSPVVAESPKKP

>BBB20

MLKFNLLTAFVISFYSLREELKVKMNFKKFFEKIKK

>BBB21

MGARNLILKTLSRLKRFWQIFKDNSSFFGFM

>BBB22

MNQSKETLLFQFKNKTIDYKKEIIGGITTFLSMAYIIAVNPAILSSTGMPIGALVTATCLTSAFSSILMGLYTNTPISLAPGMGLNAFFAFSVVIGMNIPWQVALAAVFIEGLIFIVLSLSRARESIANSIPVNLKYSITVGIGLFIAFIGFVNGGIIVKNDATLVGIGSFIDLKVLFTFLGLFFIVIFEQLNIRGSILWAICSVTAIAWIYAIFSPESAVAAGIRFPDGILRFESIGPIFNQLDFSYILSKHFWSFITIVLVLLFNDLFDTLGTLIAVAAKGNMLDKNGKIPNVGKIFLIDAISTTVGAIMGVSTVTAYIESCTGIEEGGKTGLTTIVTGIMFFIAIFLSPLFIAVPASATAAALIYVGFSMCREILKINFSNIRENIPSFLILFLIPLTYNISSGISIGIIFYVLINIILNLLENKKNKISPVMIILCLVFIIKFIYIY

>BBB23

MKIFLNNKKESFMGKYVKGLFFQFKNSDINYKKEILAGITTFLSMSYIIAVNPAILSNTGMPIGALVTATCLTAAFSTILMGLYTNTPLALASGMSLNAFFAFSVVIGMNIPWQVALAAVFIEGLIFILLSFLRVREQIINSIPINLKYSISVGIGLFIAFIGFVSGGIIIKNDATLVGIGSFVDLKVLFTFLGLFFIVIFEQLNVRGSILWAICSVTAIAWIYAIFNLEGAQAIGIQLPSRILKFESIGPIFNQLDFSYVLNEHFWTFISIVFILLFNDLFDTVGILISVTTKGGMLDKNGKIPNAKKILLVDGIATTFGAIMGVSTVTTYIESFTGIAEGGKTGLTSIVTGTLFLFAVFFAPLFIAVPASATAAALIYVGFSMCREIIKIDFFNIRENISSFLIFFLIPLAYSISSGFFVGAAFYILVNVSFNFFSKEKIKISPVLLILCLIFIIKFIYGY

>BBB24

MHLKTKFYKKTYILWTFLKIFKKYLLLFYLLFLTLSCSTIYFDGIPELKKDSKYIKLIQENNKISLRHYFTVSNAWNLRYKEPLFLKVGNDIIALFLFNRHKLIDNKYLQTFFSVGRDISLKAYLKLIKARKFVITNSSEKIIKTIVFSNLPDSEDILFQNNMLNKAQ

>BBB25

MKYCFSLILMVFICSSCKILNIAEDLEKNFEKIERADYFLYFYPDSQIYIKKDKSSNKFSVFLNVMLDSNLNFTKGHLKLIQDNKYIGSIAISKVVSIGNFKFLYINLDKDNFTLMSKALTPYKKLVFLFNEDSFQVWTKDTLQYDPRFIDVNFKNTKNTLEYAFKNKIL

>BBB26

MNENKFSSCIENSKAYSDYITSKHKILLIPVPIVKIAMGEDLKIFEISFQDKNKDFPGYIQLNKKSLYINENMSLENKRFTIAKYLGHYLMHQDQIKNLSKNENYYNNIQDSQMVTEANIFAANILIPTTTLKLKLSQYKSKEYPQKTIAKEFQVTENIIYLKLSIINDLVKIDKIKKSKKFLKIKNTKEKIEANIYLHNTDKIKESIALDLEKYELEKKERIKKIFEDLE

>BBB27

MKKFLISVYFLLFYGCSTISLVKIPEKDKINLTVLSSLMNYPDLKISNFKIKDYEHLHYSSDFESLSDTKNSAYIYVDESSFNNNINFIKDLFIYNKKLYRILIAYSLTQGASFKAEVLSYLEKQKIMKNFSLKINFPTAKKFMDNKYWIVIAKNHLDSLVKSKNYLVLANVKMEYILKKFLT

>BBB28

MSYYVLSKIFLYSGYLVIGFLSFTIFNKNLRNKIRDKLKNLYFLYYLTFFTLFIISSNLSYYFTEKQLLEDFNIFEKEFFEIHKINEQFFQKYLLNFPVPIRMELMSKFDPLYTVFNASFEKYAKNIGKSSYEIQTNYKNYIRTTNSEIKEKLEQIKENITPIYNKYKLPILNGENTEISIDENGNIIPVIKNTNGQITELLFYDQNYNLIPFKKFESYKVRFDLIPENKNINFKELINVYYLDEKNIITPIEYYKNNIDMSPYYIDLQENKDDFLKAIKIKKEYGLYIEKKKQLQNLTENDKLDDFKEFLLKNNNIFSLNTIFSNGNPIFTYAINVKAKSIINYLITKEFNINLTNQNSQTALHSAIIQKYDLNFIKSLIEKGANPNIRDGDNKLPIDYSDKTSEIYKYLIGI

>BBB29

MSTSSASISIFTILQKIGKAFMLPIALLPAAGILLGIGGAFTNETMIQAYGLEEVLGKGTVANSILYLMKYTGEVIFANLPLMFAAAIPIGLAKVEKGTAALAGVVGFLVMHQTINGILYIQGITPESASLKALLELGMPETAATAKSQEYTSVLGIFSLQMSVMGGLIAGFVAVFLHNRFHNIQLPTFLAFFGGTRFVPIVTTMAMFVVGIFLTFIWPFIQGAMTSFGRIVEQSGLFGTFAYGAIKRSLIPFGLHHIFYLPFWQTAVGGTLEINNELISGAQNIFFKQLADPNTVHFEVAKGTRFFSGEFVVMIFGLPGAALAMYHTSKPENKKNVASLLLSASFTSMLTGITEPLEFAFLFAAPALYYFIYVPLFGLAYLLTHLLNVGVGLTFSGGFIDMFLFGILQGNSKTNWIAIPILGIFYFIGFYFIFKFAIMKFNLKTIGREDEEMEKTMMSSEKTSLSETASKVLEGLGGKDNITYIDACASRLRVNLKQIEVIKSDAYFKNLGASGILKKGNSVQIVFGGLSDNIKMEIDKLM

>BBC01

MENSKKNTLCQNKTQHKSIVLISTLEYINKTHNKYTQKNILYYFNENLKRNGQLPVKIKTLQNYLYKLEKEIKVTTNYHKHLGVNCGTEIYYQLNFSKKECYQKIYKYFQEKKDLRFQNRATRGLKDRFTKNGSVDLKECLNNKNNIKEERKINEIEKYQVRNYFNKCNFLCKKILSIFLTILFNLDIDKDNIIKILKIIKIIEIKLLKNKNIHFTKSCMKEKQEKLKKILCNTQKEFEKNEYNPKQLEISFQKIYENYKFKPHFIIESHKYSDLNNIKRKLEKSIERKKENSQQNYQDLKTNIFNILIEQLKKEVNIELLKPIIKEYLNNQKKIEYNKVFCTYYCELLELIKNQKSLLNLKELDRKAI

>BBC02

MENSLKVGQTYKEIIDIKRKKRFIKIEKKNNKTVYHTKIMMDIHKLGIVNVKKNQFRVSFRELYNQMEIQEIRLYPIRKKDKFLGIFYGYRKPVKNVFVRYTMDGVKKVYSFSKTYYIEFRFKAGSVFCYLKGMRRLTKKEKIDTPYNKALFDKLIDLEKHVYEFYNKKYPEQGLILKWILKNLK

>BBC03

MEKKRVVKVLTKKIDTYVEQNLMINESKISYYKTLKEKLNDNFKKEIFHRVENIKILKEIKDNQYYKFDGYKTFLDFIKDFDVAKTQAYKYLRLATALQEGLIKEDYLIENGIKNSYNFIKDKESPALKKSRQNPIKPLRFQLKTQESYDFYKKNAKFTAFILEELLKNQKDFLKKLLRKYEELKI

>BBC04

MLNSLLKELSKALIFLRSNIQVGNNEKLFPTKLYLV

>BBC05

MKNRKNNNPQEINQAEIDFLRDMKTLRMNLPGIDKNLKGYGYKYQNFNEIAREIKKVIDKHNLCLDFKQFPTFTVVGEQQVLHVVRTTFYSTNTGYKDSFDTPILTENLKWNNENGSKNVVNTVPQLVGSSITYFKRYALVAYLNIESEVDTDAAPIYNNHENENSMPSKQAGVNQNQVKNFDKKLKTGKYYCYELFRIALFNIKNWVNDEKEKNNINALIRALCFENEADLDEIFNDNPGFKSIQYWANILLEYFKKTNKLDELNKFEDFITNNHDVYETSVLKFFCMLKKERQFDYIFAV

>BBC06

MRKISLLLFLLFMLSIDLSAFMSQDIKKNYEKAKKAFSKEDYDLLNKRLDNYDFESEYDKSFFFAKAPEIRGSLRKIGIKENSVLLDALDVVGFIKSKITTDFLSFIIMNINSLIKGYPNSIFDYLIQLDSDKIDYAEKYGEKARENFEESYKKDKITAVKQILKQILADLPKD

>BBC07

MVDNNKFKINNDENLSQKNFSNLNRKIAGLETKIFNLEKDIKDIQKNLYKTKAFCLQKFNAYHRKSVFLFTIITPFISIIVNGLIIWLIIKFSK

>BBC08

MIKSFYNEHYHFTSFIYKGGFIMTQYFNDDIPCNSCNRLIRKYDQTCVACGAKNKQNKKSYYGLIAFLFCLFFGYLGFSNLYLGKNPKIGFTFLFISIVFLLLAVLLHKSNKTNYLLVLFVLLVYFFFVNRFKIYKFFKKVTRKIISL

>BBC10

MQKINIAKLIFILIFSLFVISCELFIIKRRATITETTTIEKKRINWLIMSVSGLNDEADEVAFKHCREKISLLKEDLKYATNAKEFEEKFLNLQKLFQEKLTSKLNALKAVRVDIQRFNANDNDDLEKNKLKIRSIALSAGVNTSPIALHAINIKELSEDVVAHIDSIIKYLEED

>BBC11

MEIDNFLDLQKITAEVLLKIHEDNQKILQIIDKNKTLKNKIKKLTENKKENKQENSKTTAKLYLNPKTNQLIIKCVKTLKQIDPIAGWFVHLLVISGCRGAELQKVKMQDISTFLSKTGKTLYNIKVNVAKKKFTTCTREFVITEKEFNAIQKVHEIYFKKKNLNTSRTYFFQKTKHRFKDNRISIDCIAKKFKKLLRKWGFEARKSLHLCRNLFIFNLKSNGYNSFQIKELMKYSSTYEIDNIYGLSHASKIQAYECIKNSIAL

>BBC12

MRSKKMKNLNNNPQKINQINKQTNFIGFENFIELDYQVNQTKEKSKLSKIGKKLPGISSQECFRFNRNIDFSVQRNKLNKYGASEVGNILTGGVGLKDLMMNRLLKYFGISMPYEENLYMLKGKELENLGFREFIKAHGDNIDILYKNKYANGVDKYNYFKKMGSSQTLVGSTIDGWFINNNGDLELLEIKSSDSNYMSSAIAEYNKNGNFLSSKYFFKYYVQAQVQLACTGLEYCNLFFLIGNKPINCRIKRNNLLITKVFEFVNKCEFEVSNLRNKIFKNEAVNLLISHNGNNDTFINLVQDLVINSDFYKNGIEFDWINEFVEYVDCVDLEIRTDEAAINLECSIFEIENLKLELNKIQIENKKKENPIKELLKIKINEIMHKYPLINNVNYKFREFVFNYDPNKRAISDRFTGFLPISSKYSFLAI

>BBD001

MNKLLIFIILLVFSCNLSNSDQNNPLNMSNKEKISEYQINESSNKYSIFKRNSSVKRYTFNHYY

>BBD01

MSRQTNIQFSNEIQALKDTRSTIITNQNDNINSTINYPPYIQTILKIEKQVDGNIIINGMTKESGTETKKLLEIPNGNISRLKDAIQYGGSFRAKDVRENQTQKENNKDSHIHVDNFKEYIHLIMPSINNNADSSSSYYYTNYIINGDNLLRIISNL

>BBD02

MKKNQKNKCSEIEKTQLEIINNQSEIEKQLHQLEIEFTGVCLLYVTIHY

>BBD04

MEKFLKEILSMNSKNRLSSHLIILIYTLNNIDLNSKNIGYYSRGFIRRAFTFNIDRYCNTSKDIEIDIDLLIKYLDFLENNLKIITNKYKVEKNIFKLYYIINYPLKICYTKIMNYYK

>BBD05

MNKKLFHSANKNYAYSLIRSKFNKALAKTNQHEVDSKTLLEYLEILEKIQK

>BBD06

MQKYIYRLQKEIKVTTNYYQHMGVNSGTEIYYKLNYPKKDCYHKINQHFKEKKEKRFQNRVANYFNKNSDTKMGSVQLENCNNNIKEERKINEIEKYQVIKHFNKCDFLCKEIISILLTLNIDKENMIKIIKILKITEIKSKNKNIRFTKSCIA

>BBD07

MSIKYSPFLKLKEFIINIYFIPYILLNKPLIFKGFSFY

>BBD08

MPIFMANYKNIAIENYKLKLYKKECLERVLMI

>BBD09

MKNKTFIFLIFLIKNLAIYAQNINYEFKQAKIKNLKGIFINYKVYLAENLAINNVKTLNHISTFKINLVIDKKIATSIKNEQDVIRAGNECGIFLEFQINNRIYYTKFSSIKYILQAIESFAKIKNTINNLEIKNLEGNGIFLYKNGHSYNLKTDFQETAIFVNFLGFKDNTGRPYFIFYYDNIDDKDKNLKTILISFEEFHNGIREGLFLLRNEKAILEFINFSKD

>BBD10

MNSKFILKYFILAFFLVSCQTYQIAYDRFSQVLDSQYDIGVNYSRDGIFKSVISIKYDKLKNKREYFILVRVESRNSSQIKPEKIITDTRFEAKGELVSEDSKRVVYYNDFYDSYFPYDYTTVITEKNIKVEIYKFIISESEFIRFVALGNDNIAAFRIYAFRNDVIVSFNKIPFKKFLDDFNSKVKLLGGS

>BBD11

MYTDPRSIINTYFVKNKKIFIINPIAFKFELNFEKIIQTNSKENIALKTFKGGIISLQLRSNELSKLPQDILKGKLEFYINYVSEEKLKIVYDMMVVKVYTIDLKAINKDEIYLIELKILGSIYRKENIENAFIPIIKNNNTYLFENKANNQKVNLLLKGIDKTIELPFLTKISYSNIKTLNTADIKTNENLNTNTKTTNRMLLNLSTKIYEELVLTNSNQIKTINNKQKILKTLRSFIENENGLGGKIKLIFLERTNFLIKNLNLNDLDFILNDINIIQENSCIRIDITLLEDKIEKKYLNQASNVTPFLKNITLL

>BBD12

MLVSRMLGYMLNTFVRVFVKSLLDYVAWADCSNLSFQKKITIM

>BBD13

MLSINGVRLYSLKEFQNILEDSYNLSISKNTISKKSKILKCAIHVDNRPYLLEDFCTYFLMDFRRPKPITNSMKETIQLRIEQAKKIMSRKSTKHEIQIASKKMGHIL

>BBD14

MIIKIKNNVNTNFNNLITLEEIIKYNQKNASSNLIELKRSRLKSYLTKKRAIYQRILKVCWAIDLKNKQYYKSNKLKTYSTIEIHNIVNKCLAKDNKKISIRTLEYDISFLNQILLIKTKLKHLGKDNGSFAFYIQNKNLWKHRFIIIQEAINKEIKEYLKDKKIVSDFFKEINNTINKNNIRNIKPKSSIADESIADVIPKGIKGINKIENSIEKNNGKINKISYKEYIANKLVEVHKIEKMQITKILKISNNEKTYINALRNLKLAIEKYKEEYKIEDISNHFIKEFKNKYSKKIWMMNGKTDRTNDFYEIWEKRFKKTFLNKNLKKQYRSNYEKENKKIINNEKRVSIIFSNSKGFKRISKIKINQN

>BBD15

MNRKFVISLLFIILTFLLILGCDLSINNDRNKIDGASHFKKKYMDNLNYQCLSKKESEAKNSQIKLDENNNKNHFYSSRVSNVSNYYDRTHISCKKND

>BBD16

MDLNLDFYHLELQLPKGQLVSLNFRVVFLIP

>BBD17

MVNTVLLNSLESCHEINRGFVSIIFDLEIVI

>BBD18

MQKEITINYNEYTIGGIKGTFFGNSQYEANYRAKINGFIIDFFKIPISLKKKYELNIKALSDPNFSSTNIAMNCINTFKLIVDIVNMQTGENYDYDTFITKTDTEKMLKYGTKIIAALARHFDEQNKTNFNESYYEWEKGWIDKKWINYEPTAEEIKEIQIMNQKLNPLKLKHRKKNLNNGQIRLLQAINKIEDQSQQQATKSNSKTKKLKGNHGEKTKI

>BBD19

MINEFYFYHNLNFFNKSSFFYKEHKISIIWQREGWHL

>BBD21

MKKIAFHIQKGGVGKTTLSGNIASYLSKTKKVILVDCDIQQASSSTWFLNHEILKLDIKDFLLKKMDVDQVVRQIQKNFYILPCVPSGTFRRDVQHELQDFPYLIDDFCLELEKLGFEFAIFDLSPSFELWERRIILAMCEVITPLTPEFLSLEGINIFKEEFESLLKSYRKKVKHEKIICNMLNKSFKRHNLHLRQFKTFGYDLYEVGQDAKIAESQLYKKSIFDYYPESRSVLELSRLGDALCL

>BBD22

MPISKEVNLEEIIKQNVSKSKFAFRDNDVISNNIPNVKPIRSKMTIKQISVGLKYEYWIEFYSILDKKGLTASGFIRTLIMEYIEASKK

>BBD24

MTAIIVYSCLTMCVIYFHLQLKTFFTKLIRFCKKCFDIFLLLIEMLKLIFYLLIINNKFYIFIIISIALITINTMI

>BBD25

MHVIILIFESVFKCLFNYVIFLKNFHTKNFFVSSFLLILLHLMGILFFSSRL

>BBE01

MLKVFKIDNLDKRVVFEFETKDLVALVMNLKPD

>BBE02

MKTNDIVKTNNPNISLYKQLSKDFIKKENINKLKDFFILIKNKLFSIDDNSTEANIESLLKYIFEELNYSVEQQKAGQIEGVESRVDILLFENDKDKASFNNKLKEAKKNNEPIPIEDILIIAEVKRPTFSFDAKDKLKESEDQLYRYLNQYQKHYGILSNGKVWRLYDKSKVLYGEKRYIEFNFXKIEEKEEYKEQEWFVLFIYLIRKERYLKTSNVIEVEKEQIAKEKEIIQKTLKEILYERPDDSIVFKIAKNIYDKEFKLSGKEITQHILASILEESIIFILRIFFIAYIEDNDIFKKILQENKLYRSSISFRYFFYDENTKKKLEYKKIITIFNLLDKGSDAIKFPVFNGGLFSEDKVKYLNNEGLLSISEIEEILVKMLFFEEKNIKDEKFVKYSRLDPKSFGELYETLLEYDLRIADTTVHRIIEDGVYLIRTEEELENKKVNKIATYLKGNIYLTSRSLDRKKSGAYYTPDDLTDFMVISSIEEQLKTKSPLDIKIIDNSCGSGHFLISCLDYLTEKVWYELDKFEDVKKELDEEYRVIIEESEEYDVQDSISKELVLKRMLLKXCIYGVDINPISVEITMLSLWINTFIFGTPLSFIEHHIKAGNALLGYTKDEFFDIVKKKFESGFSLFKKRIKEIITILEDIYQKIKGINDTTKEDIEKSKKIYKEYEESKDIDNLRIIFSLIKLYSLSFDKSLNMEFSDIASVISLIENILGNKTSSEDKEKIEKIRKLSSYYKFFHYGIEFPDIQEGFDIVIGNPPWEKTKFNETEFFSKHIPNYRKLGIKEQNIIKQEILSKDNHPLSIEYNEEKNSIIAINNIYKFDFKCFTSGGDPNLFRYFVTFNLKLIKEKGNLTYLVPSAIWNESSSRILRKHIFARYKLNYIYQFENKKRFKDVHSSFKFAIFQLSNIKESTSSFKAKFMIQSSDNILKEITRDLKDSKDDAYKGIELNINQIKKLSPIQESIIEFKDNEEFTLINKMFSKFSALGEGYIDFKKGLDPSIKNRKSLLKECNNKNLIFLYSGANIHQFNSRFFEDKDAKESSKLLWIDKEDLEKVLTKDNQYQTERVFYRAIASNTNERTMISTLSPGNCYCVNSIYINDEKTPISLYKKLFIISIFNSFVFDFLLRRFVDSNVLKSCLYQCPMPQPEEKEILSNPLYLNLAKNTSLLIAKNDPENFKYLLYLEYFKFDKEKVNKILKLDKEDEFFKEKENENNFIIASLYSLAKEDFITLLGDFKALKNKKKGEDYISSLIKGYDNYLLNNKIFYHK

>BBE03

MPKNNKEFSIYNFYEILVDMNLPINRFVLFLNILFDDINRIISSKEKTIISRPNKASGNTCLNK

>BBE04

MKNPKSNKSKLNIITAILASIYISCAPIGKVNTKPNSDTNPENNQN

>BBE05

MGKEVPIVKIIAFKSTKGVEEKYKVKSPKLISEVLNIDFYQYKISIALIR

>BBE06

MRFLNIIKSLEFFVMSCNDIFTKKGTLSNLKLSAVERCILDDMEIVIMN

>BBE08

MQKNVYCFIIFVLISSCNNYANDKGLKRVKEYLEKEAKVFLCLSNFVL

>BBE09

MQKDIYISNIFLYIPLFYSCFLTPPKSLKINSIKTEVFDFKIIEEGDITKYNKNPIKESNNNICLTFKEPELNEIKEGEVFEILANGYVTWAKSGDLRDIKDKNNNLIEDLRELKYSYIFSPIRFKTYSLLTFSYTNYSINDNNYKIFGQEVPIAKIIAFESTEEFEKKYEIKSLKLNSEESNIDFEQNRTGFAKINLKETSREPQYIYSYNFGVFDNSLADYFKLFYKKSKCNYMPAYLTIKDKQTNKDKTYEIILNLKLFNDAIRLIFDKYSNLSKEKLKLFIDE

>BBE10

MLKKLLKIFVLISTKRKKGEDNLLWFFQYQYF

>BBE11

MGILMCEFFKKEKDLIGKIIEKQKNLNVSRDNLKNMHKLVSKSL

>BBE12

MCFLIIINKEIFKFEIIIVTHNKNNMVRGRYIVALKKVLAI

>BBE13

MSIIEGHLFYKVSEAQKSLKTSLIIKSQKAI

>BBE14

MQFKKTYPLILKTENFLLYATEIKFLTTIIFIISAFFLKFLLSQKGNNKTNNLEEVANLLFKNFKIFCNAF

>BBE15

MISGLAEYNFLRNILVIGLDFHLRKEKFIYLCKSNLEFKMHCKKF

>BBE16

MGKILFFGLLLICIFLGFFFYKQKENNVIYNKIVEKFDDNVFVDETYTYLFKDSNLKELVFIKSQLIIPELKHKKMIKATGYRADAYKALSTVYRFDFKVHDNKILGFKSVIFEGFEDAKVSKHENNLPSEKWQQLKDFNIGDPNINEKFFHLEFPFVVKNTLCVTISKGFFKKIKKLKRLKIMLISNEDREYKIDIENFLPKYNL

>BBE17

MKVIILLISFLLIPSRFIFPSEISEEVVILNDSNRYDFGLILKLKTKFGSFTLRYDHDGYMDLGFNIQVINNTEIVFKKVYINGVSVIDHPINVHSRFIDRVNYFNFDMSFFDYSEKMNKIRKLAEENGIDVYVECFDEINNEKKKYSFRVSRENSSHFYSAFDMIFHK

>BBE18

MSVKLKHMNIKIKDRINTGKNQKQIEINCDEDKMERFLFLKERLIINFQKEIHNKIETMKILKEIKDKEYYKLDGYQNFEMFTRNYKIAKSQAYEYLRMANAIEEGLVQEKYIIENGIQNSLFFLKDKEGGKVKKSNRNFIRPLRFQLKTEDAYIYYKSKARFTSFLLEKLLKDKEELLNEIMKEYKECKKYN

>BBE19

MDRENTKIVAICSIKGGVGKSTSAIIFSTLLSKKYKVLLIDADPQASTTSYFSDLLEEQGVDVSKQNIYEVLADKKNINSSTFRLNNNLYILPSYIYLYLFYDDNIPFKETRLKDSLKLLKHKYDYIIIDTSPSLGIILTNVLVVSNYIIIPMTAQKWSVESMQLLEFALKRLKLKIPIFPMVTNFKKNNTYKHLLELISRDDNFLGVIHEREDLNKRIAENDTFDLNKDYIKEYEITLEKFFQLSKKFLIS

>BBE20

MKSVLEKLKNKKKEIIKKSRKPEIFIKKEILNERAIYHTKMLMDLYKFEINRYKKNKFLILFRKLFNQGKLEGLNLFSTKENDKFIGIFYGYRKPIKNIVIKYKINGTLKSYTFSKVYYIEFKFKKGSVFCYLRSLARLIKKEKINKKYFQTFIDMLNRLEKKVYEFYCKELPDGGIINKWIEKTLK

>BBE21

MLYYVRVYKKPSEVEEAEVKVNKSLQIQSKYQHKLIALIATLEYINKNKKKYNQSDILYCFNSNLRRNGQKEVSIKTLRNYFYKLEKLNITINYYRHLGINMGTEIYYALRHSKKDCYNLLNQHFRNKKTERFQRRVNVYIKINYDKKDNVKNGECLNNKYKKEERETERKKRINKLKLKKYAKKCNFDNEISSFIINLNLKKETTIKLFKFIIKEKYYFKKENKCNLQKTLQNKKRDLISILRKTQKILIKEGCDKKKIKTQIQNTYQKYKNKPHFILESNKYKDFDQIIKKIKDDTNKTEPQKHKDNIETNIYNILLDQLHRKTNTTNLRSKIKEYLNKQNKLEYKKIFNNQYYNEIIKLIESQNIYKNSYIN

>BBE22

MPVSNSNEIISLINQLQNYFKNIIATKDWHCKNHVSFSNNKNGGIWPEHCVKNTWGSEFPNDLNTKRIKKVFFKGTDQYYDSYSGFYDDCIKKKQTGLQLYLKNNSINTLFITGLALDFCVKETILDAINLGFRVYLITDATRSITSTPELIIQELKKLNVLTCFSKDIFDSQSKLNI

>BBE23

MFTILCGINRVKILDMLFVFSVKLIYDVPYIRRIWTLLKMFNLNWRIFIIGNINFNKKSKI

>BBE25

MQTIKIQDIPTLFNKVGIIFCNINFESIIKINIY

>BBE26

MYFYCLHLIVFIVICFGDFGICALGGVVFLGFIFLLYSVQCN

>BBE27

MKKNTKSKRNLKKKNNQKIKKSYKDKLKCLEDGLKEERKMLERKILF

>BBE28

MIFKEIKMMPQKLLIIKNCYSCQKLLKKNSKICCVVYRTRNKYPKTLITS

>BBE30

MPEVNNRKMSIRILIKNKGFYEFCKEDTKRAYFIFEILFFIKKRSLII

>BBE31

MKYHIIVSIFIFLFLNACNPDSNTNQNNSKKGLLKIEKIPNKQIKNKLLDDLKNLIETANEDRKKYEKKLEEEPSNQYGISIFKEIYWVASYETVADNTDRSKNYRKFTYATLNPINTNKLANLSKILIQSKQKTLLFGTFCNLGRTFDTAINHLYPKKDALDKLEISNLEKLKNSFEKLLSMKSIVSDMLNQLLLDYQDDKDSIKTDIAKLESHLTELYKQIEKKSSQATKLKNNILSISNL

>BBF001

SSNELTSTITNLISNFFNENESCKNLYNLKLYINANLKNWESIKILVNCKNKLY

>BBF01

MKLLKIFMCAFLLLNLVNCKFDSLNLSTKSVDDKNNSIAKLLQHLSKSEDQANKTSTSEDQKELEITENKEQEHEKLSQVAQHAPNSKIEKVKSDGKPVPGDKILSSNKDIYNSYIPEVKEEIVYEILEEVIIPETKIPEITEEVIMPIPQTIDFYIEPRPISSFLTQGTSPSITSTIKSYKELAKEKINNGLNIVQKITQNIDNITENLNSKETPKEISGKEVEEKITHPIFDHITGSGNNPGQDSISNTWGEGLEIGGDSNFFTNLEEVRSSIRTKIKVSDGTEQTKDKVEIDEIIEDLQKLKEFLEKLKKYLKDTNNLSAIEESVKGLS

>BBF02

MITRAKETLHEIRYNSHSKNFFLAKTPCILNLYQKLKYIKSFAPLKLNQNNLNYYRNSSNELTSTITNLISNFFNENESCKNLYNLTLYINANLKKLGIYKNTCKLQKQIISKIFILD

>BBF03

MSMEQLIAQDLSKRYYYNELTYRDLENLEKQFGIKFDNLVTKIDNVEKNLNLKIDNLDTKIDTVKSELTTKIDTVKSELTTKIDNLEKNLQKDMFNLEQRLEAKLEANNKVLLEKLESNNKVLLEKLESNNKVLLEKLSVKNRVSVVIASVVSPIVLSILSSLIMTLIGNYFK

>BBF04

MKKNQKNKCSEIEKTQLEIINTQSEIEKQLHQLEIEFTGVCLLYVAIHY

>BBF05

MPALCGNTLLNLELNNYSQKKLLKFYNEILKKDNKNSCDLPTMSKYLDILENTKTIIKLSFKNHPKYIIYYKINYPLKVFCSTIQDYYQTIANKLKLRL

>BBF06

MEKFLKEILSMNSKNRLSSHLIILIYTLNNIDLNSKNIGYKEFEELNKAHEAALSSRES

>BBF07

MNYFTRELKIFILEIMELFYMCKKARLFLLKSKSFLIYK

>BBF08

MLESETKVSELKKSLDFSEESLSLKSLDIEQLSIRDIRYIYIGKNKFVKLYKHLL

>BBF10

MQTTSDLTNLVKMAGLEAYSISHKLKDLEKGIENYEDNNNSTKDTLNQSLKDVIYEITKLSSLIEAKDKIDQRKKLGYQTEQEFDAKFINLKNIKDKLKTLCGKAKGHLGSNLSSVTIDGITKEKVAQAYLIIKLIHKTLIYMNDDSKGSLATILNDLEKDAKSI

>BBF11

MVFYNRNIIFFSLCLVIPLIILIKILKLSIDHISD

>BBF13

MDIKKPDIIALTSVKGGVGKSTLSILFSYLLKELGKKILLIDLDPQNSLTSYFTKYIPDAETYNVYSMLKGDFYFKKYLNKINDYMYIIPSHPMLEKFNTETDQETFLEYYLNRNIINCDFDYILLDTSPGSNLLLKSALNTSNYIIIPVQSEIWSIESFNILINIINGITKHREKKYNISIVENQFIKNRNILKEVENLIHKEYKEYIKGKIHFYNSIKVLITKRLEPSSREIYYQEIKETLKNIFSL

>BBF14

MNSIFRKLKQKKALMNIDENPIKNIFNKIEEKNGKKIYYTKIFYHLVNFRNNCKKQRLKLEFKKFNSKDKYSFNLFPIEGKNKFLGIRYGYDRLEKPFLHKIGKNRNYAIKKLYYIEFIFKTGSIKCYLLSLRTLLRKRQKEDTKYYKYSLKHLKKMERKVYKFYNKKLTNGGILDKWILKNQIL

>BBF14.1

FIPILISFYQIKLRLESNETKKVNKNSSKEIRKYVKGLLNIVKNIVPVTTKRLKNYI

>BBF17

MGKVKKPLSYIKYGRDNQPNVESKDRNHIDVKEYHRDKGGFANVFDNYFIILMILAIEGNFLMNSIKNGMFLLILIKIKIQFIKI

>BBF20

MNKKFSISLLSTILAFLLVLGCDLSSNNAENKMDDIFNLEKKYMDNSNYKCLSKNEAIVKNSKIKLGVNNTRSRSYSSRETNVSDSYNKTYSYCKSN

>BBF21

MTFKMYARDLEIHINEYYYFLVLLLFDYTLEKGI

>BBF22

MISSKKLRECKDKYRDKEGKIAEINGFLNIGSIIKNNKKNIKEDNNNTCYVDEESRLNEIKEGEVWKLFVGGYVT

>BBF23

MSKKERKEIILNDRKTSINQLKNNCDKDDEIEYESYKNQIRRIATSEIDNRIELMKILYKIRTKKLYKFDGYKKFDDFLKKFVIARSQAFLYLRLYKHVLSGDLKIDEIKQLGFAETYSRIKRFNIDKGIAKEKSIRILRLQLENQESYDFYGKNAKFTGYFLDRVFIEKKDLLEKFMEEFKS

>BBF24

MDRKKTEIITIASVKGGVGKSALAIIFSYILKNFNKKVLLVDLDPQNSLTSYFIRHIKSIEGINVYYMFKDYQDFDPNKYLNEINNNMYIVPSHPILCKFEQEDKRYKEQLLEYCVKKILINNNFDYILIDTPPSLGPLLYNALNITNKVIIPVQLERWSVEAFPMLMDAIEEVNLFKDKKIDISIVENQFIKNRNTFIDVEKQVLKKYSILIKGKIHSFNSVKVLINELKEPDVSAVYYKEAQEALEKIVKVR

>BBF25

MESLLKRLKIKKSEIKKTRKKLIFAKVEDKNNRKIYHTRIMSDLYVFGVNKNQQNKFFVSFRGLFNKEKISEFNLFPLKENDEFLGIYYGYRRPVQNIIVKYQENNTTKSYAFSKIHYIEFRFKRGSVYCYIRGMSRFIKKEKAETQYNQFLLKLIIKLEREIYKFYNKKLPNGGFIKKWIEKKQK

>BBF26

MKSIKTSTNKYQHKLIILISTLNYVNSNLEQYTQNDILYYFNNNIRRNCQKEVKLKTLQNYLYKLEKVFKVTSNYHRHLGINMGTEVHYKLKYPKKVCYHLINKHFKEIKKKKYKSRVDSYFNKNCIENSSVKNRECFYNISNNKEEKRNSRKSIEKLQIRKYIEKCNFKSNIFSLILNLGLKKDATIEVCKMIKKAENLIEKNIFEKLNVVKVIEVNKLKNKQQKLKRILKEVKIKLENENYKSEQLEIEIKDIYEQYKNKPHFIIEKNKYEDLEKITEKLKNKFKQEKINIKENDTNIRNNIFNILIEQLRHKIKIEILIPILKDYLDKQKRLEYSKVFSNYYYYEILETVEPNKWCSQLEACK

>BBF27

MKKTQKILDKILKRIVLVKSARSTEEIKLSSSDARFVSKNPIFHRDLKILKIIIFG

>BBF28

MALDQSFVEVHKSMQDKITDMCRDFSHGGVGVDYFEGPCNSQT

>BBF30

MDRKRTKIITITSIKGDVGKTTLTNRKSFGFNPSHLTLYSLNRYFYYLNKHKAIDSELKIEITKLKVNCDYIVLRYSLNATH

>BBG01

MRKSLFLYTLLMGGLMSCNLDSKLSSNKEQKNNNNVKEVSNSVQEDGLNDLYSNQEKQKSFTKNFGEWKYEDLINPIEPIIPSESPKNKANIPNISIVHTQKKEIKEEDLIPSTNEEKEADEAIKYLEENILQNSKFSELIREVRVLKDEYALINSDFYDVIEKIHNKKTSLMENYKNNRDKINKLTLLQNNLKINIELEQLINMIDIAENEIRSAAFFFDTAQKRLKESIIKRLESKNNRSYYALELSRQALSDARSALSSLESFAFKRAEPMVRKKKIKELIKHAKTVLESLNKK

>BBG02

MEINLQSKLNNKNNNKLIFFISCSLVLVSTRPFDNRFTYYSKNRGVIIRPGYKIMKHILEIQNNIALITTRLSKTDRFSHAFVTSKISELSIIPLGYVFPIYIQEDSETPERVKKENFKNKFRHFLDVKYNKKFTAEEILGYIYAILYSNIYRDRFYEHLQIDFPKIIFVDNSDIFVTLGKLGTDLINSHLVKVVPTININIGKCFSFLDETLKQNSIIEKVFYKEETNELYYNQTSRFINVSKEVYNYTIGSWQTLKSYLTYRKGREMPSKEVEHLEKVIKTIHYTIGIQKK

>BBG04

MKQEAISIIFDLEIAVHIKTLDINLNLIYNINGVV

>BBG06

MKKVFTFLKKLCIIYNINPIRSSTMINNSKKPNCHNKLQQKLIVLLSTLAYVNSKYNKYTQKNILYCFNENLKRNGQPTTTLRTMQNYLYKLEKVFKVTTNYYKHLGINFGTEIYYKLNYSKKECYLKINQHFREKKDYRFKARVDNYLNDKFNKNGSVDLVECLNNKNNNIKEERKIIQIEKYQVIKYFNKCNFSLLKEILPILNLDINKDELIKILKIIKRIEINLTKNKNTYLNVSYFKEKQNKLKKILSNTQQQLEKNGYNPEQLEISFQKIYENYKTKPHFIIENHKYKDLSHIKRKLEKSIERKKENLQKDCENMRTNIFNILIEQLKKEVKIDVLKPILKIYLNSKNKLEYNKVFNNNYYYELLEIIKKEKNLQLKEVV

>BBG07

MQNMAKSIQLVKPIVRCSNKKDLFIKIEKDNDKTIYHTKIMMDIYKFGLNKKKNKYRISLRGLFNQSKVEEFNLFTLRADDKFLGIYYGYKKRIKKIFVKYQVGGIEKSYSLSKTYYMEVRFKKGSIFCYFKSLPRILKKENVNTTYNKALFSMFTTLERQVYDFYDKKYPQKGPFIKWIEKSWLKNHIL

>BBG08

MDRKKLAKKPHIIAIASIKGGVGKSTSSIMFSTILSKTNKVLLVDLDPQNAVTSYFITQDHPRMELINIYNSYSLIKKHKTFKDVVISISKNLDFIPSYLELAKFSKEGNQFKELMLRNAVYNYLEDYDYVIIDTPPSLSSELDNALVIADKVIIPVPLERWAVENLPLLINQIKELENNFMGKEAKIIHIFASKVEIGRVTSTEIMSLLKEKYLNKFIGEVHKSEALKKIIDYAIGPKENENYYKEYLRILEKI

>BBG09

MVKNRKVIINDRIVRNATYINTEERDKKEYELLKNELKNRIEDDIRNKINTMKILLEIRNRKLYILDGYKKFEDFIFDFKIARTQAYKYIKIAKLIFEGKLEEIDIIENGIDKTLFNLMKDKKINSKANLITPLRVRLETQEACDFYKMNPKFANYILEDFYQKNKEQLIKKLEEYKNKQKYS

>BBG10

MKLDEIIIPLSMSISNNQKLDAIAETLKKIAEQKFSSLDDLKSKLEKSAKSGSNLEKALNKSSQNAIKNFKSLANSVNSVNSKAGSMKSIGKVLKSVGKGLGSVKNLANKTGEAFNQMLAAFAPIIMAVKAIQAIGSTISGIFDGAMDALDEFNEEVSTFSDMLGNEDLGKSLAESMRAFGDETLFTRDAIANATKTMLSYGATASEVEERIRMFGEAAGGSSEGLEKLAEVYSRVESSNQVNLEDLYALRDAGVDITDILAEEAGLAGEALYKAASDGKIGFDALNKALSKATSEGGKFYGNTAKEAKTLAQAQQQTAKMSEKLFLDIGKALEPMMIGFEKVKQFLMVAIMVPLTKVTTATIYLTTKLGELVAYLAGKWVQGMKMLFKAITTPFVKLYEGIKYVIGKLKELATYVSSGFLDRFKGAFEPIIKWVQKLIDMISKAYTKLKNLVTFWKKAEKEKDTSGSEPERDKKFDPNAKTNINKKMAEDYQKLQDEIFNRQRDIYNKTGKAREQALRNLEKTINEKNQKFKDEYSKIFDQLTDENKKILVGVEKSVNEFNNSNYDFVNEYQNLLKEKESREREIIKTLPHTDQVSALQKLNDEINEKNKAFVEKYGKSFETLNESNRQVVVALEKQVNEYEKTALDRSFVEAQKALQKEITDLEWETMLLPAKERASAEKKMASKIQAMYKKFVDEHKSQFKKLNETNRNTIKQYAEKAQDTTKSLYDSMIDGLNVFKNAFMKDIAGKFLNKDTGESIGEEFHNLINGKDVNWGEGLEKMTTQMYESWKTGLKTAAGAVFGPWGEAVAELINGLTDFVWGILKGQEKARIKAIEKKRDEDLEELEKRSEVELKKLEDRFDEEIKMRKEKLSELDDEYTKEIEFLKQAQSKGQISGEEFQKRLHDVQTEYKTKKDIETTQLTKTEEAKKLEVERKNKLSKLEPERIKAQAEVDKVNAEDWWNLGKPDRLRKTQKILDEILKRIAKVKSAGSIEEIKLAHGGARFVSNKPTYMPNSGVMSSEFGQPELVRITPAPIDENLRKLEAKIIAEEITKLQKTQSSTVVNNFYYNFNGDVLDAEKLVRMLKSKEHLMGFRMAE

>BBG11

MNFADRVNSEFIVNMKKELPWIKYNEDAILHLLNQALLSKSIGSLPNRGGLFEQNYWFVLVLNELNLYIKNLESESRSR

>BBG12

MVINVNLTGRVMLPYIPDYIRNGKEKIKEEEKAYVVLKDINYGFVENLKARQIELFKKLNGENGKTNSNAMIESTSAQIQFVKKIWDENVVGFVGLENQQGEVITKEMVEGDAILFQDMLSSLAIEINFLADTLRVERVSKK

>BBG13

MALITLIVVEVKMAIEKLRMPTGAVLVTVNIEKFKWNFKGSDIKNNNEPSGTDPTNLVVKDLGSNITKPTKWKSISECIFRVKKIDSKSKLTSDLDLKEGSIFYYNKDLLTKISTACDNADEIDVLLFKTYCLGYSYTISSTKATETLKTTCGSISAIGKIPEQTVEFSGYSVRETATNKEEILDTYIEKSHFITQDISKNNDQWQIGKRSLPTNYEFTVLFVDQIADQDQRTKFMVGEGQIATYNPSQDLNNQKIDLKCQLTLTKPLVSLSCDYIKDARFFKI

>BBG14

MKHIEEFVINLKKNLKTYLATCKQTTTKVYYKSEMFACSNLDLPSIVFAVKSTGEILNHCKNYSMLLCPKFIIYTECSMRPTLGLEIANIIVAFLMLNYSLKYFSIDDSQVEDENSDARMVTLVDSTLGIRIDGADYINCRGGKNGN

>BBG15

MFTSSQVSFQILFQINDKFFYVLHLSNFADSFTKSLVQFVYWFLGFLFFKDSQMGTAEDSIPLYAAQLLIFVRLGAGKLLLYACPESRNSERGEPTFTFKLIPKEVSSKSIFVTFDNRPGICDFKESDFCRILKPTKLFALSNIDFLIFSPISICYPFGQPI

>BBG16

MSELDDLIMWINLTKIESLRIECTNEDGNISIPDQTKVQLFEVLRYAKSILALYQMGVAYNNWLVILLDVLYLEVFNIRCKGDQKECKFKYLLSQLDFLFPRIDSCPFLYIG

>BBG17

MSRSIFAEASGSYSADIIQLAKGGLSELVPYKMISRNDLRQGYYIVKKATVDHNVTATFGDHSNEIGKSSIFFKEMAYKMHVFDTVQRISLKDLMYGTITEDEVKANLELGLMKDAYHSVIFGKKNINMEGIANLKGRSKVTVETLTNGYTLYEKVALAKREAEKHMEKLDEGYHLLVPHNFSHLLLELYSEPQYVTVKEALFRDHKVVTSVFKGLKNPILYQPNPEVMFVPMLSEIFFRKFASSDGDYIHASMESAGIIHFQPQEVIEIEVTKPNG

>BBG18

MADFDFTKLCKNFVLGVEHKACVHQTETAIVDVESPIIKPGDPVYSSGSSEMGEVLVKAATATAGVGPIRGFALKKADIALLESENYSPGELIPIRRAGEITVMLDNTFATPKIGDFVFLKGGKLVKDGKGGVQVGRIKDVSLDANSKVVLLDVNIGPEFESNGNRKFA

>BBG19

MQEQINEETVAISESLPKNDKELVTISSEEYERLVADAKKLPDMISREDFEKRLAEAESNFIKARKQAERQAEANAFKDSKILSNLEKACEQYEIAPPFANVLSVKDAKLAFLDAMKKKYNIKFKIDEEGDLDSQIDNISLLVQELTAYKQMVNARNRFTGQIINETKLQKYKDRFALGRA

>BBG20

MFRMKFFKKPKETKLFPVSEYTPHQDQLRLAHQIAEIYAGFASSRDIEHKVDDGLSKLFDNNFRAVIKKMVYTAILSGESHFYIVVPDSDDPHKPLKKGFPCLCYNFGEVVDGGSYFLKNIHESRIITMKSSFLNFESLKKSSNIMNTLLNETVGFLRVNNFTFLKSATLPSVKDMTAYDLAEVKKNIEGVLDSNHKMMILGREDDIANVTRSVSPLKDAFEIIVSDITLHSGIPKEILYPISPSGEGSVGNYDIFYLNIEQICKLMVTPFINAVLSKFGLSSNWCYKPVKPISQKEQAEIDEKHAKTLATYVELLSKAKEMGNDSLYLKIQDEMNQYLQI

>BBG21

MRLRRLPVYVDAYKEKPNAEIFIYYSSRGTGKTYDIATVNLERKFSADGGDTLAIRKKKNKTTQSIHKEILELLSIYNLRKFFNISKAKIESKSLIFGKKRAFVFEGGHDTRDLKSYAHFKDLWLEEANQFSADDIEMLVPTMREQGGRIYMSSNPVPKSHWLYKRYLSNQDNPAVCIIKSTYRDNPFLNGGDVQAWLEKQRLAYHGNDIGFRIEVLGEEFDFGTARLIKKFNVCGPEILSRANGSYYTGIHVKGNRICFLEILVGRISYLPVVIITNACSKVLLSKTDYQSEINKFKGVFVLPTAREELKYVFSRFGRGTLLAKKRNLYSLSDYLIPSNLNVVNKPETTDVISEFNETEYYYDESSAEDSEVTNFVMQKDLVYIPAFLNAISVFS

>BBG22

MITQQDYTEIKKKLENTKTRIQFRNGNKIDSLGYQGSLGEPILLKDKLTFSICDGKNIDNRKEYEITKNAPSLDSLIEYLEHMILFFLEKTPVGTLTAKFAMEGSILTRSKLIQAFTNTNKFCIPDGRSLPSNCYAYKVLGISSAPKLSGRFLRHYDSGGSTDSDGTRSLGHTQEDSYKNHDHDLDFSRINFKGKLVKRMTMIYRSADTWYTWYWAEEIMSPFITGYSYEEIDPEYLLPPFTSQSGSKETKPKNTCYISFYRYDL

>BBG23

MLSDDDFENIKKRLQADNIKIQFGVGTMEEAKNYVGKLGEPIVVKDKELFAICNGKDTTNRKYYPINKNTKPPIGENIDDYLKDLVNWCLENTYPGFLTAEFVEQGSISRSKLVQAFEDTKKFCIPDGRPLPDNCFVKEKFGISLAPKLSGRFLRHYDSGGSTDSDGTRSLGHTQEDSYKSHDHDLDLSVLDSLRGRLVTDYSSIRRDSNWSTGSTSFVTHIEYGEPIQSWRYPSYTKYSGDDETRPKNTCYISFYRYDW

>BBG24

MYLGVTKNTAEDKDCIKLKDQDNSSQESEALNQETEKGAETEEISNPKEDTSENCTSLGLDIVFYTDEGQIFELTPFVDTTSIVLEEKIVDPSLKTAASTFSFSVSGLSEEFLNFLFFRNEDIFVKVNDKNNPVFRGILEKFFSRDLFNSTKSVSFTVNDYSSLLKIAFENPVQFPINFLPDWLFVYNPLAKELSLVHLIIEKTKLKDLIDDDASEAILDKVPAVIIDSGEDVETILQALLYEFGYAYTFSSVGKLQILPIWKSEVITKEIEICTVDAESYVMSKSSSSSYDSTKVIWREGKFQSKEEAMSKKRPLYSAPINVAGTDGALYVAVLQKGVVYPDFADKVGSSVFQEYDPSWLDTVYKWDFKRREVWHDHYAINEHLAIISTHNLEVRFSADSSIKLENKEYFPTKAKLWFRNTSSSQGSKYIYHFDIYGDVFYTIAQNVLQTDNADDFYSKKFEYTTRFIFSEDSALRLFEFLTNLRVKGHTIVNFRSMQNLNITDFVKLRLDNIGIDHFFLILSKKITNFDLDIKLYEYEGITWGDYTHYEYLTTSTKIGISDYLSGAHKVVIAPFNYDGAETYQFKASGFKDENTLNGSIEFAKQAGLNKIKLLKGDFYIYDQVKLNNLEIEGDDEVFIRSTGFSKHIFTSEKSFRLSGVNICQQPMSELYINGGDLNQQELAPYLEDKSFTQPAVVVLCSSYSLQEEARSSVYVTDASFVYIKNVTFTCALNKALHFKKTKKILLEDVNFDSTNQSFDIENVTNLTLINVNAQGSKTASVANGLNAIIRESFFTNNTNALKLSNFSSLKITDTQFIKNSGTALHLQDITSARLSNNTFTENKVGLENHAFDLIVRDTFVKNTLALNLARKSNAGVRTLDLSTYMENTKDKQEVA

>BBG25

MKNLKTKINFLGIFWLLLLFLSCESIPSLPQKPTLTNKEDIENLMLDEAELFRYSTALNVWLLTVKSYVIKYYPNDKFPVFENFDPVFGDENGTKETNILKNRITYYNRYIEKTEPIVFGCYKKYSRR

>BBG26

MNAIKNINELLDAVDVKNALLKGLESSFGSEKLDIVNEGMTFTSSLLKFILYIKDKIEKNNEDQAAVEQIDKRLKDTIELSIQAYKAYKDSGGDFSEYKKLLKLRDEVTSKMLKDLQNQVQGGK

>BBG27

MNNKMFLCIYNFFYKLLKDYFIKKYKSELLESAACFKNSYKETVKEVEIHRIAVPLQMQFKEQNEVISKFGCYFLCILFIGLVVKEIKNSVEKCFDCFEIDLLFKGLVSKGCLRGDNAFVNSPNAIFANLGIDEDIFFEEKHHPTSYIPSESDILIGKYKDTSSNFYHFVILNSDLKTVIWDSLGNSKTVSNGHLESLRAFKIQNKAILERVKDRLEFYSAKFRNNLEVA

>BBG28

MTRVKKQINIIGSIVAMLVISISGLGTYAFKGVMADLKTSVLKAKHEIFKELEDYYNAKIKSEFEEMKNSIKEELKEELKRTTEFINAVNKENLILEVRNIFSKDRIKIQELLKEEIEKNFRKLGESK

>BBG29

MNKILLNNARLSKVLLHELLTKLVALNSKKEHCPNTIKVSQVESLIKKMRSNQYDRLLKVYWVIDVKNQNYKNSCGVDRYSACDIYRLVADLLKKDGKKVVSVRTVQRDLKLLNEIGLIKTKLRKFGNKDNKGKGSIAHYIQNTELVAYHKEIIWEHLVQLLYEKLENKKIVGDFDEDIKNAVFNVSKTAKFYNANNPLKDLSDTSNGASNFSNNFSDKFSRHSERLSENIFLKSSCDTVLTNQDVDSRTTMSRHSPPAVFNKANISYSNYKNSKNSLCNSKIQKNNINFEKKDIETKLIERNIPKDFLSRIKDLSNNPTTYKNALYNLDKALDEHNESNLKYVLEHFLDQFSIYRYKVWMMMKRRDGVISDYEVIWKERFGEFVKKKVELNDYVKKVLSMEAREREQRSRERLERINGQSQAQVQTQTGELSNNQEQDSVNTPPERIYLGENRNNIYGRSNIVKDSLGFKTIKGITLESLGIDKKAI

>BBG30

MALGGKMRIRMKHLVRRLYLRRDKIWHVYRSTEIQNKAKDKSITNFPKLEPEDFDYEYIYKFVDEWIQKKYNDKLGFTIQKVDGLEYICKAKRYASLKKILARIVKDYKDIFLGRLQKNVAGAQAGSGGSGGKGSKPAGTGG

>BBG31

MMNIYKGCRAYKHKFCAYFINTFSKERRFIMLYPIKEGDAFLGIFYGYNKVKNNPFYRDYTSVCSFSKKIFKSFNKSYFIEFRFKKGSVFLYLHTIAYLLRDRDSYNREQKKLHMRLMELEKGVFKFYGRDLNPQGEGIITKWIDKINQKKLGKEDNPSLLRSLLRSRLRRF

>BBG32

MKVASLIRSTCENENLILRSGFRDLDAIIQGFRESNFVVIGARPSVGKTAFALNIAHNICLEQNLSVGWFTYEMTSKTVTRRLLSMNSGIEHNKLLDNISSLNKSELDAYHKSVSEVSNFSFWINSVWGTDIHELEDKARQMKLNHDVKIIFIDYINLIPVSQNNIPRFEQVAFLSRNIRSLALELGIPIIVVSQVSRSAEVVEPSLATLGESAALQWHADIVIFLHQERKKRKGRNTSKGNNTTKVKVIVAKNRNGYIGIANLGFTPKTIKFSN

>BBG33

MKSSVVTTSITEEQIYKEFLRLGMEQLIAQDLSKRYYHNELTYRDLENLEKQFGIKFDNLVTKIDTVKSELTTKIDNVEKNLQKDISNLDVKIDTVKSELTTKIDNVEKNLQKDISNLDVKIDTVKSELTTKIDNVEKNLDTKIDNVEKNLDTKIDNVEKNLDTKIDNVEKNLQKDMFSLEQRLEIKLEANNKLLLEKLEANNKLLLEKLEANSKVLLEKLEANNKVSSEKLKVSNRIVIIAVVVVPTAISILTPFITSLISNYFK

>BBG34

MFLCNFFLKGKFAKQKKIYKINPNEFILISENLINSSSTKHHLLGIIMAAGIPLTHLKNQNIKTPYNFQSDTISYTLDSGLQIQTHSLICSNKISRCIENLDKNRLISINTTRINYVAKKIFGFDITTKQLRIVYSLIAKSKETPNEVRHNSNSQSIFLVNTPCILNLSQKLNYIKSFAPLKLNQNNLNYYKNSSNELKSTITNLISNFIAEKEPCKNLHTLTLYINANLKKLGIYKNTCKLQKRIISKIFFLD

>BBH01

MNKLLIFIILLVFSCNLSNSDQNNPLNMSNKEKISEYQINESSNKYSIFKRNSSVKRYTFNHYY

>BBH02

MSRQTNIQFSNEIQALKDTRSTIITNQNDNINSTINYPPYIQTILKIEKQVDGNINGMTKESGTETKKLLEILNGNISRFKDAIQYGGSFRAKDVRENQTQKENNKDSHIHVDDFKEYIHLIMPSINNNADSSSSYYYTNYIINGDNLLRIISNL

>BBH03

MKKNQKNKCSEIEKTQLEIINNQSEIEKQLHQLEIEFTGVCLLYVTIHY

>BBH04

MPALCDNTLLNLELNNYSQKKLLKFYNEILKKDNKNSCDLPTMNKYLDILEKTKTIVKLSFKNQSKYMIYYKINYPLKVFRSTIQDYYQTITDKLKLRLELNYPTTI

>BBH05

MNSKNRLSSHLIILIYTLNNIDLNSKNIGYYSRGFIRRAFTFNIDKYSSKLNYFYLFFIK

>BBH06

MKKSFLSIYMLISISLLSCDVSRLNQRNINELKIFVEKAKYYSIKLDAIYNECTGAYNDIMTYSEGTFSDQSKVNQAISIFKKDNKIVNKFKELEKIIEEYKPMFLSKLIDDFAIELDQAVDNDVSNARHVADSYKKLRKSVVLAYIESFDVISSKFVDSKFVEASKKFVNKAKEFVEENDLIALECIVKTIGDMVNDREINSRSRYNNFYKKEADFLGAAVELEGAYKAIKQTLL

>BBH08

MVGVFIKAKTLEIKSFTSLHKRSSGCHIGSILLTYIAKEDDLAINM

>BBH09

MVVNMNNESRFIIKTNDPNVSLYKELSKGFIKKENIVKSKNFFIFLKNKIQAIDDNSTEANIESLLKSIFEELAYSVEQQKGGQIEGVKSRVDILLFENDKDKVAFNKKLEEAKKNNESIPTEDILLIAEVKRPSFSFDAKDKVKEAEDQLYRYLNQYQKHYGILSNGKVWRLYDKSKVLYGEKRYIEFDFSKIKEKEEYKEQEWFILFSYLIRKERYLKTSNIISVEKEQISKEKEIIQKTLREILYERPDDSIVFKIAKNIYDKEFKVSDKEITRHILASILEESIIFILRIFFIAYIEDNDIFKKILEENKLYRSSVSFRYFFYDENTKKKLGYKKIITIFNLLDKGSDAIKFPIFNGGLFAQDKVKYLNNESLLSISEIEEILVKILFFEEKNIKDKKFVKYSRLDPKSFGELYETLLEYDLRIADTTVHRIVEDGIYLIRTEEELENNKVNKIATYLKGNIYLTSRSLDRKKSGAYYTPDDLTDFMVISSIEEQLKTKSPLDIKIIDNSCGSGHFLISCLDYLTEKVWYELDKFEDVKKELDKEYGIILKESEEYDIQDSISKELVLKRMLLKRCIYGVDINPISVEITMLSLWINTFIFGTPLSFIEHHIKTGNALLGYTKDEFFDIAKKKFESGFSLFKKRIKEITTILEDGYQKIKGINDTTKEDIERSKKIYKEYEESKYIDNLRIIFSLIKLYSLSFDKSLNIEFSDIAVVISLIENILGNKISSEDNEKMEKIRKLSSHYKFFHYGIEFPDIQEGFDIVIGNPPWEKTKFNEAEFFSKHIPSYRKLSIKEQNKIKQEILGRDNHPLNIEYNEEKNSMGTINNLYKSDFKNFASGGDPNLFRYFVAFNLKLIKENGNLTYLVPSALWSESSARILRKYIFTNYKLNYIYQFQNQKRFKDVATLFKFAIFQISNTKTPTSNFKAKFMIQSNDNILKEITSNLENNKDDPYKGIKLDIEQIKKLSPIQESIIEFKDSKELILINKMFSKFSTLSEEYINFGVGLNLTKYKTLCKEYNNENFIFLYSGANIHQFNSRFFEDKDAKESSKLLWIDKDDFQKVSTKDNQYQIEKILYRRIARNTDIRTMISTLSPRNCYCVSTIYINYEKTPISIYKKLFIISIFNSFVFDYLIRRFALSTDIVKSCLYQCPMPQPEEEEILANPIYLTLVKNTSLLIAKNDPLNFSNLLYLEHFKFSKEKVNKILKLDTKDEFFKEKENENNFIVASLYSLTKEDFEVLLNDFEVLKNKKGEEYILFLIKGYENYLKTNKLN

>BBH10

MNKNWVIICVVFDLISSFKNFLHLCCLHDSEQDVFKEEINKRLYNCNFENEKDKNIFLFMLHKLGNV

>BBH10.1

SLIYNFLLSSEGGKTNCPKYLTK

>BBH11

MPKINFLILKKRNLKVDFLYLKRELKKLQLF

>BBH12

MKIKLFRYLDMEKAPKGASLSAMINPRRKNCLYPKLTIVLKYSTT

>BBH13

MKAVLATTNITEDQIYREFLRLGMEQLIAQDLSKRYYHNELTYRDLENLEKQFGIRFENLISEISFLEKNLQKDIFNLDAKIDSVEKNLQKDIFNLDAKIDSVEKNLQKDIFNLDAKIDSVEKNLQKDIFNLDAKIDSVEKNLQKDIFNLDAKIDSVEKNLQKDIFNLAQALKKEVQINSQFLLEKLKVSNRIIIIITVIIVPIAISSITNIVMLLIAKFFK

>BBH14

MQGYFDCLKSLPSIDIESFKRINFIRYKALRSLSAYLF

>BBH15

MSQVNGNEGNKVVFVYDSGANNIMCKVILIV

>BBH16

MPSLTFFVVTFFDLSLHFLQVLKRYLLAISYLFDNHLQNF

>BBH17

MICHHYNTCKKSSKIDHNHSSTKANISGNYKSNKMQAIFYYYKQRKVALLNFKKSFLLITKDK

>BBH18

MKMKEKRVGNKIFYISVVLILIVGCDWGTIKDKSTEISKLLRTDKDKTKNQDRIELGEDNFVSKNNMSTTDTGITSLGSLNNLDLINRSQRVSEPPIISNEKAIATQAKVDLMNNINVTIINPKPAQNLGNSLNNTTTEDSVKFLSIENQEWLISKKILPSKLENLESFLKTQHEKEAFKTAKTIQSLISNSNMGKEIIKFKEEYYKLYNLFEGIQQKFHSQRNSFIKDTKFGENRQKNAVIFKSFSSIEKEIRDLNYKLXEIQSNFQIADVSWNNANSLLKESIEKLIQAIEKRYDNESRKQGQIGGPANRWDKNQADNFAKDAKYKAEHSANDLENAANYFRYSCSNEKEAKKLLEEIKKRFVRIGISL

>BBH19

MNKEYKILDNGVLKLIDFKKRGKSLLKINLSTFSEYKYYL

>BBH22

MSFRWGESFSLLKIVSVNLEIVHWFLICRNFNKLE

>BBH23

MSKFSSLKITKSWFSKNKGDELHLVGITSARPSNNI

>BBH24

MQDQAIISRENKVELKNRAFSFLIEDTFLTNILILPLTKKSNVKVLKLYFGTYVENTKNKEEGTWVIND

>BBH25

MNEANLADSLTLKIKIAIVNIMSIFLQNNYQEDFYYLECKILVFQKAFTRALLVSVSFLVNSVVKNSGQVFSKHQFTKFLR

>BBH26

MKPAISNHNHQTNKNKLLGKICRLKKIISVINYLNKEFKKKYNTSINKEHFTSKKVKELRVHHQGDILRVLNSNIHRENKKETTINTLRLDLKFLVKLKALEKRILTFSNSFGEFKGKLCIYKVSPIAYKLINAYFNNTKIDLLKKVKEEKESFKPKNITENITVYNKQYINIYNKNSIENSFFKRIKSIIFNAKEPTKSLKNTLLNYKDFKNYLKYDYETKDIKEFFLSKLSLYKHKIHFMRKTAPYKTDFYTLAGEFKDTYTTKWKVNKITSFSGHARIIANNILVNTLKKGLKFE

>BBH27

MSKLLEKLKQKKTLMKIDNILIKKDIFSKIEEIDGKKVYYTKIFKHLIDFKVTNKEQRLRLVFQEFNNNNKDYYFFNLFSLGKNDKFLGIKYGWDYLEKPFFLKKEDNKIYAIKKLYYIEFRFKKGSVKSYILSLRTLLRKNEKESTEYYQFTLNHLEKMESKVYKFYNKKSPDGGILKKWILKNQIL

>BBH28

MDIKKSDIITMASIKGGVGKSVLSILFSYVLKELGKKVLLIDLDPQNSLTSYFNRYISNIEKYNTYSMLKGDFHFNECIKKIDDYISIIPSHPILGKFNSEAIDYKEVILEHHLNENMQNYNFDYVLLDTPPSLDFLLKNALNVADYIVIPVQVEIWSIESFTILINAVNDITKFRKKIYNISIVENQFIKNRNTIKEVEDLLYKEYREYIKGKIHFSNSIKVLINGRLEPSKKEMYYREIKDTLKNIFSL

>BBH29

MKKKDNKKQVTLYKRVEISTGKELSLGNNQDKELRNYNELKEQLKLNLKSDINNKIQRMKILYEIKQKELYKYDGFKSFKQFIESYIIARSQAYMYLKIYEKVLEGIISIEKVKEMGFVATYKNILKNSLSEIYKENMVKENPEEGVGTQNKSIRILMKDEKVYDFCKKDIKRIYFILEKLIKDKKNILSDLIIEYENYKKDKKIKVSS

>BBH31

MSLRMDCFYYSFVTSKISTADVILNSYIFAPCEKQM

>BBH32

MKYNTIISIFVCLFLTACNPDFNTNKKRTLSKGIISNQDADSDKIIKNKLLDDLINLIEKANADREKYVKKMEEEPSDQYGMLAVFGGMYWAESPRELISDTGSERSIRYRRRVYSILLNAIETNELKKFSEIRILSIKVLEIFSLFNLFGSTLDDVVVHLYSKKDTLGKLDISNLKRLKNLFEKLLSIKTIVSKMSKRLLLDYQNNENFIKTDNAKLGSYVVALSNQIQEKYNEAERLKSEIILIYTL

>BBH33

MNLFKIEANYIDILNKEIYLASITIANGHIVSMTKINAILDEYILPGFIDAHIHIERSFFIPSNFTHLVVQHSTVATISDPHEIVNVFFRI

>BBH34

MKLVVFHKEIIWEYLVALLKEKLSNKKIVGDFDEEIRNAVLASKYFNKLIFLNQKLIEITSYFI

>BBH35

MHSAHTSSPFAIFFKSMSGPSYSVNIASLITHNPTCFL

>BBH36

MKIVGGGYVIWTKPGNLSVIKDKYNNLIQDLAGLKYYLIIFYRPSISMKL

>BBH37

MKKKMFLYTLLTIGLMSCNLNSKLSGNKEEQKNNNDIKEALNGVQENAINNLYGNKKEKKDFIKNSEKLKDKGLDVTTLPLEPVVAPSVESAVSLGESNNRIGIPTISIEHNQKKEIKEEDFFPSTEEEKQADKAIKDIENLIGESGFPELIENVCSLKHEYTLIRSDFYDVITKIQNKKISLMKNSHNNRNKIRELVQLQNNLKIGDELDKIMGCIDTAEQEIRSAAFFFDEAKESLKEGIIKRLEKSKNRAASQLSKKALNRAEDALRCLENYSSKKGEAIGRRSFIKEVVEQAKNALSKS

>BBH38

MKLSKKIYKYENFSSFKQFINFFLKQNSSSEIIIYSPND

>BBH39

MNILDLANDYKKIKNELIKKKSLTMLNFIYILTH

>BBH40

MNANKAYKCRIYPNTNQKKYFSKVFGCVRFLYNKMLSDKKDYYKNNRQNLITYPSKYXEEFPFLKEVDSLALCSAWIDLNFAYSNFFREIKKGNRVQGFPKYKSKKNRQTYRTNNQKNSIRIENGYIKLPKIGFVKEYNLLTLELFSSASRKDYY

>BBH41

MKKIFTLILIFSLTMQIFALNFTSKYKIQKYAEREKEFIQNQKLEKILKDPEKTKKALLQYEKEQLIDLWIPVMLNLFLPFGVGSFVQGDYIGGGCTLGFNLLGLTLLTTGVIQMKNLKKEPASISSMILLLSGMLTFGSSYLISIYLPVLFEDRYYKNLMNRIIDELAGFEPNLDIGMNGFQLSFKKSY

>BBI01

MENYQYFFNLFFIFKIIFIYLYIMYKSVKEQQEKGIDHACRILILTETIFEINLILENYSQKTLLKKYNENLKNKNLPPSNISTMKKYLKQLEKEIKIIAKFYFKNDQSLIYYKLNYTLEKIWLKLIELFYKELKQFIQKNTTT

>BBI02

MDGVINDTLVARMKKQIKFNKNKLIILVKTLDHMNKELLYSANKTYNYVLIQNNFNEALAKTYQLRVNYKTLLEYLEILEKNPKVILKRPTNKENESFIGLYTLLSPLEVCCTKIYNLHPNI

>BBI03

MVYVLLDFNSLYFGGLALCVWDFYYMVWISILLSEIVSSFL

>BBI04

MGITIQKFLIKHLGLMRALKPIGESKYFIFY

>BBI05

MPYYLNVNSSNVQKETILKALLKFFQDRKSIGNNNPKIFN

>BBI06

MKIKNIANILIFFLSIVLNSWGNESKINTPNENSQSNILIISATKAEIEEINKIIQNKKYISIEEHRRKKKIAIGKLMDHNIITIATGVGKINTALWTSYIISKYKISHIINAGVASGIYSDKNKFIKIGDVVISTETTSYDFDLHRFGYEIGHVPEHPKKFKANTALIRKTSKIKINNITSYMGLIITGDQFIDHQTFQEIPEEFENAIAIDMESAAMAQVAYGFKIPFIIIRGISDIVNNENNYDDYKKFLKKASSSSAKIVENLIKLM

>BBI07

MQLLKGAIIKLKEDYEKIKKIQNLIKNLIKLH

>BBI08

MIISFFDYNPSASNIFIKITTPKCLKAKLLIPLIQKAQFNNLFSFYKNIKYSRSLNIGK

>BBI09

MASEAKIDAEKSNKEVNSQKKSKNNSKNIEVKDTLGLVKAIKKSL

>BBI10

MGRAMTPHQQLKVNLENGLKMINLLDELLKIAAIDGNDNNISKYNDLKKVVDNFNNQNSLIKVYLKNSSNEDKIEAKKCIKTLMHNVETYFESVCDELKDKNKNEHNSILTTLNEAIGKIKNSAIAIHVCFNID

>BBI11

MSKLQGYSTVNYVFPKIQKIKLIYNVKGSVLF

>BBI12

MIKFPKNHISKIHIIKEYEDVTIKWDREYSLFRKLHGKNKTLEDWLEYTQKEENQKIKEFANKFIKKRKPKI

>BBI13

MFIYKKPYKRKYLIWHKGLKRYLKNKEFFIRE

>BBI14

MKNKIILCMCVFSLLNSCNFDNDAEAATKKHADKIKN

>BBI15

MEKIKNSLKQLFSIRKFFSTSIKQILLDYQKNTNSIKTEDSKLEEYLDTILNQFNEKNKEVGNLKNTILSIPIPTL

>BBI16

MKYHIITTIFVFLFLACRPDFNIDQKDIKYPPTEKSRPKTESSKQKESKPKTEEELKKKQQEEELKKKQQEEELKKKQQEEELKKKQQEEELKKKQQEEELKKKQQEEELKKKQQEEELKKKQQEEELKKKQQEEELKKKQQEEELKKKQQEEELKKKQQEEELKKKQQEEELKKKQQEEELKKKQQEEELKKKQQEEELKKKQQEEELKKKQQEEELKKKQQEEELKKKQQEEELKKKQQEEEKEELRKQQLKNTLSNDLKKQIESAYNFKEKYVKSMEKEPEDHYGMTSFRGLNWGPGTEDISDNTERSIRYRRHTYTVLSPLDPHELKEFANIIQDINKLASVASIFNSFSAIGGALDIVSDHLYFKKDNLDKLDIADLEILKNSFEQILYIKGSVAGKAKKLLLDYKNLKTDINKLKSYSNELVNGIKQQALEAENLEELIVSKYKL

>BBI17

MAINYVQETLDCLETLPYDQKRYKSAAEESIYKEQINKLETYRKSSLL

>BBI18

MIYTTISVEKYFHINYLFIFDHFMRGKQGLYRFFGQRTYISPELLQKFFV

>BBI19

MLLFKYCAINVFIKIKITRSINMQNAFTNRKNTPCQNKLQHKLIVFISTLKYINSKYKKYTQSNILYYFNENLKRNGQPTVKLKTMQNYLYKLEKEIKVTTNYHKHLGVNFGTEIYYKLNYPKKECYLKINQHFKEKKDIRFQARVNNYLKDKFNKKGNLNLEECNNNNNNKEEEEEDIRNNKIEKCQIKKYFNKCNFLSEEAKSILELNISKNKTIEIIKIIKKIETDLTKNKNKVCFKKKQKMLKEILSKTKKQLEKKGYDTKQLKLKIENIYKSYKTKPHFIIENKKYKDLDKIRLKLEKSIEIKKESITKKYIHIKVNIFNILIEQLKKELEIKTLKPIIKNYLNSKKTLEYDKVFNTYYYELLETIKKTKNSLYKDCQTKMLYKDNV

>BBI20

MKSIIKSIKIEKPRIKCKNKDRFIKIEKENDKTMYHTKIMMDIYKLGIDNKRNECRISLRTLFNQMKVEEVRLYSIKEGDKFLGIYYGYRKPIKNIFVKYEINGTIKSYGLSKAHYIEFRFKKGSVFCYFKGLFRLLKKEKENTPYNMACIDMFTKLEKHVYEFYGKKYPEKGIIIRWIEKNQK

>BBI21

MDRKKSKIITIASLKGGVGKSTTSIILANLLSKKHKVLLIDTDDQAATTSYYYNELETKNFDISKMNIGNVIKDGTDINKSIINVENNIALIPSYITVDELNGEYYYDNRHLPIEFSLKTKLNSIADNYDYIIIDTNPKRNFTLKLSLISSNYVISPMTAEKWAVEGFETLRRYIKEVAGIPIFIVITRFKKNVTHKQLMEIVSMKNGFLGYISEREDLNKRIGCNEKFDFSKDYIIEYKKILDVFLGKL

>BBI22

MNKKNINLKINKRISENNLNYILDQSNENQRKEEFERLITQLKNNIKSEIYNIIDTMKILKKINDKRLYLEGGYKSFKDFLSDFKLAKTQSYEYIKLAAAIEAGILEENFITNNGIRASIRYIKNQANGTIKKSKQNPIKPLRFQLKNQESYDFYKSNSRFVSFMMDEIFKNQKDFLNKLLKRYKESKGQ

>BBI23

MVKVFEKKLNIIKEKGKLISIDNKLSVISNEECF

>BBI24

MGKLETLAGVVIYKDGVLMTILYRLKGQQGLLLII

>BBI25

MLLILFFTLTMNMKKFFILNKEIGIGNCNLLFYLYFLKNINKI

>BBI26

MVESKHQKYYFYSLFLSELARTLPHAVLTIILINKGLSLKDIAMVQICYMVAIIIFEFPSGVISDIFDRKIVYLVSIFLLMTSYFIVFKTSSFVFICVSWFIYGMSAAISTGTIDISFTKIYQNNSKKLKAFISFVKIILSIGAILGGYIGSVLYLYIDIKIYLISLLIYLVASLITIFFIPNDKNLDYNHGKEDLSLYLIKFKRIVITLLKSKELLELFILIGSIQFFYQPFYLYWQAIFIDKTISVSIFGIIYVLFRLSDIIGAWAFRKIKHLKYDIYIILTIISLLSVLIKIVSHIYIFIAVITFLVILIAIYSNNLEYFLRKNIDSKVLGTITSINSIISRIFSFLTLAICSVLTNFISAINTFVLLILIFCTLSIIVVYKFRNNRRS

>BBI27

MSAKEKVASGVMQLVRDYKNLKTDINKLKSYLNDLYNESEEQATKAENLEEFIVSKYKL

>BBI28

MKCHIIATIFVFLFLACSTDFNTDQKGIKYPPTEKSKPKTEDSKQKELKPKTEKELKKKQQLKNKLLNDLKNSIETANKHKEKYKKRMKEEPEDQYGVQAFKGSNWGPGTEDVSANTERSIRFRRHTYTILSTLSLHELKEFSNIVTNENKLVPVVDMFNFFSSIGTALDITTDSLYPKKTIWTNQICRI

>BBI29

MKNNIILCMCVFLLLNSCTANHEAEAKIKKHVDKTKNEYINEIKNLIATTKEIIEKRKLLQAKPVDQNPVDDTNNKKVFEIDKRAFDFINSFLTDDEFNKFVTIFHKPTLKSPGKVLNSIAILELNIEQVINHLDSKNETLNKASSLDLEKIKNSLEQLFSIRNFFSTIIKRVLLDHQNNENSIKPDDSKSGTYFDTIYDQFNEKNKEVRNLKKTILSLPN

>BBI30

MLGLNLYYFDLFILINVNTVYLLFMMSFSRKSSNL

>BBI31

MGGNINMKKILTLILIFSLTIQIFATQDKLEKSVGSIETIMKYKSEKATILAPFLLNLFLTLGIGSFVQGDYIGGGAVLGSQLLGGILCIAGNILGHTDDETRATTGHIITTIGVGTIIASHIASLIIPFTFANKHNANLKKRLGIDIAGFEPNFDIGISGFQLSFKKRY

>BBI32

MSLNFRVIFLISHTQYMYSPILKSCEFINNLKTVSSRLIKNILFIWRGINENFIFGIEVIALSLIEDLY

>BBI33

MWICSGCITLYDRDINATLNPKAYSYKEIKTKARIV

>BBI34

MKHYIIVHIFVFLFLNACYPVASNKIELKPKTETSLNQEEVPNQEANYKEEKEAKEEGINKKTENTLLNDLRNLIETAKKDNDKYTQKLKEESSSQYGILAFKDLFWLDGTNEQLSANTERSKAYRKRAYSILNTINDASLKNFSEIVMASGQTQGIFNTLNSLGGNFEKIVNCLYPKKDNLEKLETSVLKKLKDSLENFLEIKKIASEMMHKLLLDYQNNTNRIQTDKNELKSYADTLFNQMTKKPEEALKLKNTICSIEDL

>BBI35

MHVFSVDLDCTNKKREELTSLLKNIKCNLLIFV

>BBI36

MKNFKLNTIKLNVITAILTLICISCAPFGNVNPNKLKNPITSKNLKKTKRSNHSRNLKKTNSHTNSENSAENNQNLENESQNSKSSNQNPQEETAISKLEKIGKDLEAQKKEKDTQIEKISSDAQYDFLENFKLHNYDYFMHNTKMTLKKIIYSSLNYEKEKILTLKEILEKLDTEDNNRRIAGQFLETSRDIQLQQEDLILKKIQDTLQTLSKEKAEELLQHAERDLKIKQNFVKALNATIEAYNKNSDNIKTDVEALANHMEKKYSHPLYLLDQAD

>BBI37

MHVFSVDLDCTNKKREELTSLLKNIKCNLLIFV

>BBI38

MKNFKLNTIKLNVITAILTLICISCAPFGNVNPNKLKNPITSKNLKKPKRSNHSRNLKKTNSHTNSENSAENNQNLENESQNSKSSNQNPQEETAISKLEKIGKDLEAQKKEKDTQIEKISSDAQYDFLENFKLHNYDYFMHNTKMTLKKIIYSSLNYEKEKILTLKEILEKLDTEDNNRRIAGQFLETSRDIQLQQEDLILKKIQDTLQTLSKEKAEELLQHAERDLKIKQNFVKALNATIEAYNKNSDNIKIDNKALANHMEKKYSHPLYLLDQAD

>BBI39

MKNFKLNIIKLNVITAILTSICISCAPFGNVNPNEPKNPTTSKSLKKTKRSNNSRNLKNTSNHTNSENLTGNSTKNPSENNQNLENESQNSKSSNQNSQEETTISKLKNIGKDLEAQKKKEDTGITKMSKIDNAKYDFLETFKLKQDDVFMFHAKMKLKRIIYPSLNYDTKKILVLKEILEKLDTEDNNRRIAGQFLETSRDIQLHLEDTYLKKIQDTLQTLSEKEAEKLLQGVKLDLKKKQNFAKSLNATIDAYNKNVDNIKIDNKALAKHIKDKYSHPLYLLNQAD

>BBI41

MNANKAYKCRIYPNTNQKKYFSKVFGCIRFLYNKMLSDKKDYYKNNRQNLITYSSRHKKPLWENILLIKIQKEKFSNLIQ

>BBI42

MRILVGVCIIALALLGCYLPDNQEQAVQTFFENSESSDMGSDEIVTEGIFSSLKLYASEHRLLVEIKKTLISLKDPNYRGVVLPVSDYNEEYFNKFFLDLGSEQSKDLIKLFIMVKNEQNNNKFMRIVRWLYSCIEELYSPDIKYSGEEGSPEYYRNMPRPTAYQQYLKVKRYDYNRPVPILPT

>BBI43

MTEYIAILVARFKKDAEICISCGVRNKQTENYNKLIVFLLCLLFGYLGVHRFYVGKIGTGLL

>BBJ01

MKYHIIVSIFVFLFLNACNPDSNTNQNNSKKELKTGRIPNKQIKNALLDDLKNLIETASAG

>BBJ02

MINHLLCLKKETLDTLTVSDLKKLKNSFEKLLSIKTDISKMLEQLLLDYKDYINSTKTDIAKLESHLTELYKQIVKKSFQTTELKNNILSISNL

>BBJ03

MKAKKHPYYYYNFLNVSLTLGIGSFFWPRGLYWQHGELLRSQVLGEIYLR

>BBJ04

MLLLYKKTFSMIGFCFRALSENEKHFLMLLFSAGTIF

>BBJ06

MIISSKSFIIFLLSYLENYCVLFPFLIYLKNYYMQSLSQAGHYKELNY

>BBJ07

MEMNLLINRFIFILNIFFDDINRGVPLLYRDKAIASRPKIRFSAILI

>BBJ08

MFLYTLLTIGLISCNLDSKLPNKEQKNNNDIKETLGSSVQENALNNLYGNQEEKKDFKNFEELKDESLIALAKSLASTRPTTVGNIESAVLPVGHVVSLETSANKVSIPTISIKHNQKKEIKKEDLSPSTKEEKKADKAIKDIENLIRDSGFPELIESMYSLKHEYTLIRNNFYDVITKIRNKKTSLIKNGRNNRDKIKELTQLQNNLKIVDELDEIMVHIDIAEQEIRSAAFFFNEAKEILKEGIIKRLESENKVASQLARQALNKVEDALKSLEASSSKRGLAMGRRRIIKELIENAKTVLSKS

>BBJ09

MKKLIKILLLSLFLLLSISCVHDKQELSSKSNLNNQKGYLDNEGANSNYESKKQSILSELNQLLKQTTNSLKEAKNTTDNLNASNEANKVVEAVINAVNLISSAADQVKSATKNMHDLAQMAEIDLEKIKNSSDKAIFASNLAKEAYSLTKAAEQNMQKLYKEQQKISESESESDYSDSAEIKQAKEAVEIAWKATVEAKDKLIDVENTVKETLDKIKTETTNNTKLADIKEAAELVLQIAKNAKEIVQEVVALLNT

>BBJ10

MGARDEFKNGIRKLDEKIERARIELSTKITDVRSELSKQVKGLIFPFYWILGIFIPAVIGLFLYLLQK

>BBJ11

MFLSFCNLCITKNIHNIGSLRRVYTNFVYDYAFWLSKIAEDYFPDAKDIVCIRGIKKKPYI

>BBJ12

MVLGIWKKAENYVDKFDELIIVKNKELFVI

>BBJ13

MLHINHANEAFKEISSAKDKIDSSDIGKGIVDVQKTHNRLHDLLRDIKTEFYSQKNSFLNGVRAEKSKKKNQILFRSTSSINGKIRNANYIL

>BBJ14

MLHLHDLYATNFVIFQLSIYNLFVTFFKFSSNAEPDPLLVPFDLLLFKDSSKP

>BBJ15

MSISWLFIIFKFISQTIDNVQKININKTGVFVALIKLLKLNI

>BBJ16

MKIKAEKDKEALFSNRFGDCNEETNLNDDQDKELANYNNLKEQLKYNLKDDINNKIQRMKILYEIKQKELYKYDGFARFNDFIKSFEVAKSQAYRYLKIYQKVLEGKVSIDKIKEVGFKAILRDIKAKDSLNEDNHSESEGANESIPIRILVKDKELYNFCKQDTKRLYFIIEKIYKEKRDVLSELIIEYEKNKK

>BBJ17

MDRKKSNIITIANLKGGVGKSTLSILFSYVLKDLGKKVLLIDMDSQNALTSYFRKYVFNFDKNNIYNLLIGNVYFDQCISKINDNIFIIPSHPFLDEFNDKNLDNKENLLSFCLDKNVLGHDFDYIFLDTPPSFSFILKNALNTTNHIIIPVQPETWSIESLEILMKKITDKSYNISIVVNQFIKNRNILKEVEDALYKRYSNYIKGKIHYYNSIKVFIINRLEPDIKSKYYKEAKDVLKNILDL

>BBJ18

MNDLLEKLKARKKEIISKKEAEYNNNINKGTKERTAFFRIEEIDNKKIYYTKIFKYLVKFRIANKDNKLSLTFQKLNNKKNYYLFNLFPLKEDNKFLGIKYGWDKLEKPFFLRQNNKSYVIKKLYYLEFKFSKGSIKCYVQSLRTLLRKKDKESTKYYKFNLEHIKRMENTVYKFYSKKLKNKGVIYKWIEKNQIL

>BBJ19

MALNLLNHNHNKTNTNKLLSKDSRLKKIISVINYLNKSFEKKYDISIYRIHFNSEKLKELYPHHQIDILRVLNSNISKEGYKPTVIRTLREDLRFLIHIKAIEKKILTFSNNLGKFKGKLCIYKVSPIAYKLISAYFEAYKADLYRKIKKSKDGLDTQNVTKNVTVYINYHKNIYNKNSIETVFKKSYTKKKTKKKNKKEFTKNNLEKRLKLPEEITKEIISIAKKTKNPDKTYKNTLFNYKDFLNYLSYDYKKEDISYFFLSKLKEYKNKIHFMRKYAPYKTDFYLLAGEFKDSYHSKWKTNKKTNFSGHVKEIANNILSKILEKELKFE

>BBJ20

MQKAKHTDRTNLENLLNSFNKMNKNSNIHVQNKTTRNRKEIGSPNYITKTIKVY

>BBJ21

MARAKIYLHISFKYVLLKPILVLIKPRKLSPMFLFILKKKQKACLYIF

>BBJ22

MELLKMKKVEYVLYSKDKKHTILLDANILQGKS

>BBJ23

MNGVIMREISCCFLLLTFSVVCVYSFDVSSRKFYGILEGYYSGKIEELSKKNDEDVYIYRFGKFKETLSEMSSGIKSYFFNLVDYQIARLLQNKEGRRNSSKSYSVLKSTQKSLLELIASTDFKGLEKTIQSDICRILGDVNLMLLRYAGGAALSKLANEARKYFEKSLKINSKNSFANTSLASWYLYAPRIAGGDPNKTLSFAQLGFKYGQTDVEKYFANIWISQAHFLLKNEKESLKYILKAGEIFPNGAFHKIVLEQNKAGNLFMDFPIKN

>BBJ24

MLRALLIFLVNISLFSFEKEVKVYIDKIESVHTKYCSGNFEFDFFSPDKIFTNELQNIENVILMKYRRESIQYNYLNLLMSLVLCDVSYLINDPHKYNDLIQKLIRNYNCALKISLEDDNVPADYFRALGELAINLIPHNRKGLYSYFVNAKRHLETALKIDGDNVKAFIPLSILYTVRVSNRDFYKILFAKSYIDRAEDSNLNDRQKYLKELVKSSFLIRTNRRLEAIECLKKATAIFPNGNMAVLAIEKLKEGNSFYY

>BBJ25

MKVFMKKFLFLILPCFGVFANELNDELGDFVIRGVDFEFRLDYLSVPNNFENNFDFILNIKENDSKISPFFRLGTDYSKMFLFGTGLAYDFRKFFSKVFYEIRVPFIFDSKNIEHIGNFEVGYNFDYLRLENRFRSGLMNHLIKETEANVGGSYHNALTVENTVAILLPIYYSEFQRADIRTSFLYKYLSDNNEQFYRVHWNLKYLVSIPFGELGFKADLGVAGDFKKSSSSIFETGFDYNALNFYALTIPKMGQDSLYFNVVSNFGLEYRLFFLESLKNLASDLFLVLSADIGYGIKEDLLLDKGKFLYILGFGMGYKLFKEVPFVFKVGINQDKKLSFGFLLSSIIFE

>BBJ26

MGNVNLDLKLVNKKYKIGQEIIHANKDISLNLKSRDMVWISGPTGSGKTTLMNLLSGIDSLDTGEIRFNSTLLSSMNEKDRTLFRRYNVGLIFQHFELIPSLTGFDNISLPLRFSRESAKRLKSKAEELIEFFKLSKFVNKKPRYMSGGQRQRIGIARAFVYDPKLIIGDEITSHLDKETAIFVYTSIQKYLKEKNAIGIFVSHDYNLKNLANKLYRIEDGVLSLVGGECV

>BBJ27

MSVFKLAFYNIFRDLRRTIILSLLLASSVVFLLVFVGYMNFSREGMEKSFVSSSGHIQIAKENYFNPKFSNLKNGLLLEEKDINLIRNEIDSYDELQSTNLIVNFDGLLGNSSTSNPVFAFAYEDPDIITSSLSLLEGEPIFHDSNAGEFLLGSNLASSFGIEKITETNSDLTLMTNLLGRGLNFQNIKVAGIIKFPFSTADNIFAITTIKTLKDLFAFEGGAHVIQVFLKDSSTLETFKKKLDNFKKNKGISFDYNDWFEINPYFKSVLGMTRTTFMFILVLISLLIFIAFFQIMTALSIERTRELGTLRAIGLTKLELFYSLFLEIVIISVVNIVVGVILAYFAKLFIQFQKISFTPPGYSETYYINIFYYASDIIYVSIFMLILAIFSSILPFSKASKKSVVEVMNDA

>BBJ28

MMLKIFVIVFNFCVLNLLNAGDGKSLIKEFENLYYPQLKNGIYAFKMNFKINVKNNLEESVGLRIINVDNKDVRLIYMSGSKTDFAFLSIRNKGHFMLGRQAKIPIKVSSSYKVKGASELKDILGLSFNTDFVLLKSEDNRVEFQSKEKSIYPFVDLLKINKNDFKTLHKDKKLKILKEVIYRKGNIKGIDAFVYFEIEDKAFNDSSTKIYVENIISTNLNNSIFSLKGFNRIFDLYSRYIN

>BBJ29

MVFFKKFCLILFLALPGFLFAESSLFLKEHLGFKTKFSLLLPDEDKKDFFGTGALQFDNEAYLGFLLNYKILEFGIAPSFIVQNNDQYFSFNKLFFNLSFNDFIFKLGRQNYYLGNGLIENIVLKRTTIEPEWFFEFYYFISNYSVSLGSMLDKESLDKFSSPKYLSPWLYFQASFNEVDLLAMVEFPFSIENKTFDITVIFDFLFEIYSGIFFYSTLRQDLLWSKNYKFDDDDNRFLLGLRYYISFENDVFNDLSIVFESYSKNNNYFLGAGIKLAWIYELLQTTVSLRTNLNTHSLQFYFENNFLILKECSLKVSNILEFNKKINLKDTPFYNMFSIELKIEL

>BBJ30

MVYYIFSCYIQDECIMKLGADKIIRQKDRYCLKT

>BBJ31

MEKGGGHSNPKVVGVKGMFESALEIKALSKEDNPKDMVEKASISAKESKDKVLSSKKGNASIALGEVPSLVRDIRESAKKIDESLKLLIASGYDASYPLSDNMKIGIGRICLLDKILEAVMPKINDSDNDNFDDNSCEKIKKVVDEFNKNEKDEYSCSIMSLNSYPKTKGKDLVKKCINELMKDVEKYLGDVKGNGNGVCGELLQGAKSASGQFGESLKLLSEAASSIAEACKRLAYDIL

>BBJ32

MLNSNSLKADINIIVRRESTILILLKGLDYSISALFVLKRFMV

>BBJ33

MLLCVNVILNNFSLVILKEQLFNKKSNVNVYSESSGC

>BBJ34

MIKGNTFILILVTTMFVSCKFYGSDDTNKKNTSLNGDTREIDNIGSVILEQDGNKKGDTTASKVALDQVTEHANSELMLNDDPDSSISKYNQENTTGKLTEEDMDKLKAFFVKTITYQGILNSIYNKYTRSYNTIATYSGCANYNSIGCFSEGPSARRSQALNDLEKNKLDEEYTKLNQMLKETTQDYCPKALDNAIEEYKRAITIAKEAEDKIKKITSFTIDEGNNNEERKENVDNLKKVNNILSISEKTIETASVAYANAFAVIVSRLSSAEFITAVNEFKDATEKYANGNKGDHAVDVVVGAIAGIAFDNENRFERAKMFANKEKGAEVDKMIAAIEKLRATYTAVKPKNKDK

>BBJ35

MKVCERREEFYKINVLFKDSSIIDKENYIEYYRT

>BBJ36

MKRKSNICISLLVTILFVSCKFFGNKSASKEKEETSFSDTASKISKSGTAASSDKQEKNTSDVTGDAKKHTSSPYMLADALIVSDTTNRDRDKQENKDKLNEEDKKKLNAFFSTTKTYQSSLDSIYNKYTGYYNTIDTYGSCDTYRIECFSVGPSEKRKQALADLEKLKLDEKYTQLSTMLKSAVPSYYKKNLDDSIAQYKEAIKQAIEAESKIETVKDYATAQSAADDEKKRNIDNLKIVRDVLLIIKKTIEKASRSYADAFAIATSSLSCSEFKQAVKEFNDAAKQYANGNKGDNAVNVIVGTISSMPYVKFKDEFARAKMFARNYRGDEVDKMIRAIDKLCDVYKKVAL

>BBJ37

MILLLLLPVYLVVNLGKLLKILVFAAKEYANGKGKIMILMLLGAISSMAYNEFE

>BBJ38

MALLVNFSKMLKDDVPGYKDNQQYFRECNCKV

>BBJ39

MKISGIVVLGMITFSVISEIISPRQFYSLQEFCSQLYNIIKKLKK

>BBJ39.1

IIKLNFITAILNSIFISFLPIGKVDPK

>BBJ40

MYEHKKEKLILLFLKYKVQHIIFLFRLISLV

>BBJ41

MKNLKLNIIKLNVITAILTSICISCAPFGNVNPNEPKNPTTSKSLKKTKRSNNSRNLKNTSNHTNSENLTGNSTKNPSENNQNLENESQNSKSSNQNSQEETTISKLKNIGKDLEAQKKKEDTGITKMSKIDNAKYDFLETFKLKQDDVFMFXAKMKLKRIIYPSLNYDTKKILVLKEILEKLDTEDNNRRIAGQFLETSRDIQLHLEDTYLKKIQDTLQTLSEKEAEKLLQGVKLDLKKKQNFAKSLNATIDAYNKNVDNIKIDNKALAKHIKDKYSHPLYLLNQAD

>BBJ42

MRCAKTLTANNIESYNQNFGDIKTNIKHFEDHFMKEYFDFILRIKSIKSIQIVVLDFLKREEL

>BBJ43

MLPDEDKKDFFGTGALQFANEAYLGFLLNYKILEFGIAPSFIVQNNDQYFSFNKLFFNLSFNDFIFKLVRQNYYLGNGLIENIVLKRTTIEPEWFFEFYYFISNYSVSLGSMLDKESLDKFLSPKYLSPWLYFQASFNEVDLLAMVEFPFSIENKTFDIAVIFDFLFEIYSGIFFYSTLRQDLLWSKNYKFDDDDNRFLLGLRYYISFENDVFNDLSIVFESYSKNNNYFLGAGIKLAWIYELLQTTVSLRTNLNTHSLQFYFENNFLILKECSLKVSNILEFNKKINLKDTPFYNMFSIELKIEL

>BBJ44

MAYYIFSCYIQDECIMKLGADKIIGQKDRYCLKT

>BBJ45

MEKGGGHSNPKVVGVKGMFESALEIKALSKEDNPKDMVEKASISAKESKDKVLSSKKGNASIALGEVPSLVRDIRESAKKIDESLKLLIASGYDASYPLSDNMKIGIGRICLLDKILEAVMPKINDSDNDNFDDNICEKIKKVVDEFNKNEKDEYSCSIMSLNSYPKTKGKDLVKKCINELMKDVEKYLGDVKGNGNGVCGELLQGAKSASGQFGESLKLLSEAASAIAEACKRLAYGIL

>BBJ46

MDKFLTSNHPPIIIFTIGALCATVLICLIIIFIIHGIINPILIKKFKSINNSLQKITKEFEEMKKRVGQLESISKKLELNNKPAKKPISLYGLKKSQI

>BBJ47

MRNISNCIKYIILTMLIGLLIFCCATFVWLIGIFYSNNFKEERNYSISPIDSVIMRKCYFKEFKSGLIKSVFFKKLDVNVNSKNFKELNKVDKQNLLNSYPSYHMEFVVVDNGFLMNFKNVIFNGIDDAKLYDQRDMVYGGFRYSKEAYFQIIGNYDVKLNKMKQYTPAIVVNVFKININDALFNSLLKQKTLKVTLISHNNKEYILQTNNFLSKYNFQTPEKENSSY

>BBJ48

MLYLFTTKMKIKFLTISLAILLANLIIILLNLVLFIVNTSTSSPYIVPSEKIDILHQSNTGAVKFKISLINHLGSVAIVYDYNSASERFYLDFEIVTNKKPFNLLDVSLNDVVIKPEVLLASNSKLRFEEGQYVLNFDDSIEKTGFFVDLDLRNEYLNLAEIARISGINFRVKCIERETGVLRNVLFKLSVEKGKKFFDLIERYNNNIGKVS

>BBJ49

MLLILHLLLMNLFELAFIFASNKKGSEVDTMITAIDKLITIYKKVKS

>BBK01

MRKSLFLYALLMGGLMSCNLDSKLSSNKEQKNNNNVKEVSDSVQEDGLNDLYNNQEKQKSFTKNFGERKYEDLINPIEPIIPSESPKNKANIPNISIAHTEKKETKKENLIPSTNEEKEADAAIKYLEENILKNSKFSELIREVRVIKDEYALIKADLYDVIGKINNKKTSLMENPKNNRDKINKLTQLLQNNLKIDSELEQLINMIDMAENEISSAAFFFDNAQKRLKESIIKRLESKNNRSYALKLSRQALSDARSALSNLESFASKRIEPMVRKEEIKELIKHAKTVLESLNKK

>BBK02

MKLVKPGGNLTYLTPSSLWSESGSKALRQHIFSNYKLNYIYQFENQKGFRAMTPGFKFAIFQISNSKEPTTKFRVKFVIQSSDNIMKEITSDLKEGNENAYKGIELDIAQIKRLSPIQESIIEFRDSAEFTLVNKMFSRFDTLIQEYIDFREGLNLTKYKALYKEYNNEKFIFLYSGANIHQFNSRFFEDRAAKESSKLLWIDKKDLEKVLMKDSQYQAERVFYRVIASNTNERTMISTLSPKNCYCVNSIYINYEEIPISLYKKLFIISIFNSFVFDFIIRRFVNSNVLKSCLYQCPMPQPEEDEILNNSLYLTLAKNTSLLIVKNDPDNFKYLLYLEYFEFGKEEVDKMLNLDPKDEFFKEKENENNFIVASLYSLTKEDFVTLLNDFKVCKNKKGEDYISSLIKGYENYLRRMDKHNAA

>BBK03

MIKHHIKVGNALLGYTKDEFLNILDNEFRGNCLSVVKKINEIMTILEDIHQKIKGINYTIKEDLEKSKKIYKEYQENENINNLRIIFSLIKLYSLSFDKSLNIKFSDITTVINLIGNILDSKISSEDKEKIEKN

>BBK04

MTEFMVVSSIEERLKTKSPLDIKIIDNSCGSGNFLISCLDYLTEKVWYELDKFEDVKKN

>BBK05

MNNQKFQKPPIVNNIKNLASLFANKTRVFFFLMTNRTNTNFRRAQTIIYTIFLMHLNSESKIKI

>BBK06

MIIFNGFYKNPKIPLKKISRGLRVFFLNRKLLWDFS

>BBK07

MSKLILAISILLIISCKWHVDNPIDEATAESKSALTSVDQVLDEISEATGLSSEKITKLTPEELENLAKEAQDDSEKSKKEIEDQKNTKESKNIEVKDTPRLIKLIKNSSEKIDSVFQTLINIGYNATYAAKSNLKNGLKMVKLLDELLKISVSSNGDKSTQKYNELKTVVNRFNAENSAIKVPLENGSKIEAKKCIKTLMTNVETYFKGVSTELKDKKDDKYTKILAALSEAANKIENAAMAIHLCFNN

>BBK08

MKKIKKFLEKLKKYLVNPKNYKKIKEGVMPLRKN

>BBK09

MKFMNNKIGNYQVLKSYLKYTIQKQMEIDEIISNLREFGSPYIYESNVGKNIFFVIKQFMGLFLVIDFGTMIGILGIYFSIFAPFYLNFLDIFN

>BBK10

MELVQMYNPKMILKIFLILLYLEHFKLSKAKINKMLNLNSKDEFFKEKENNFIVAGLIF

>BBK11

MDYTFVPIPQTVSAGNNKLSHFYKFLSLYIWIATN

>BBK12

MSKLILAISILLIISCKWYVDNTIDEATVESKSALTSIDQVLDEISEATGLSSEKITKLTPEELENLAKEAQDDSEKSKKEIEDQKNTKESKNIEVKDTPRLIKLIKNSSEKIDSVFQTLINIGYNATYAAKSNLKNGLKMVKLLDELLKISVSSNGDKSTQKYNELKTVVNKFNAENSVSVSFKEHSNSKIETKKCIQTLMKNVETYFEGVCSELKNKNDGEYEKTLTTLS

>BBK13

MLLGGQSMFRGKEIYFLLFSLLLFISSIIISHGIKNIGTKNENYITVKGLSEREILSTSSSWGLRYSLTGNTINDINKANNLSLSKIKSFFLKHGFSEDHIKMGFMEFNEETYKESLYKYRAYISLTVHTKNIEKMEAAEKNIAELYNQGILISNSGGPRYYFDNINDIKPEMLADSIRNAKLAALEFAKHSSSKLGKIKNANQGYFEFLPIDRSLGDQERYPKKILRIVTTVSYYLD

>BBK14

MLNINKSEYILVDHNFMTLLKTMFYKKEKPR

>BBK15

MRGEKNELLSWINNFVEVNNKAIDNSFEKFKSEPSNQYNLPFKNVSWYTLRKTLADNVEESKKARGCLYAVLDYNESELKELGLILNSNLHSIKKIANKIMQNAGIEFQFRFEAIMRLLLDKKNNLMLLNIPDLKRIKICLENFLSLRTTFRELVKQLLNDYNSNKESIKSENIKLGDYLNKAFSDIVLSMDKNPINLEKEIRNIIVI

>BBK16

MPVYLIATVFRKNKNRRYLLYTIKIEDNFLGKINRKNLNKK

>BBK17

MDLFKIEANYIDIFNKEIYPASIAIANGHIASIEKINATLDEYVLPGFIDAHIHIESSFLVPSNFAHLVVAHGTVATISDPHEIANVNGIDGINFMINNSKKTEFKFFFGAPSCVPALSQEFETSGYVLNDKDIDELMKLDDIYYLAEVMDFKGVINKDIEIINKINSALKRNKVVDGHAPGLSPNLTLKYASSGISTDHECLTIEDARYKLSLGMKILIREGSAAKNFESLHPLISECSKKYCDSLMFCFDDAHPNDILNGHINLIVARAIKHGHDFFDVLKIACINPVLHYKIPVGLLRIGDPADFIITKDIKTFKINKTYINGKLVFNDGISLIPLINEIPINNFNCSKKSISDFKFSTKNKMIPVIKCISNQIITHKTMIDSNLLAPDFQSNIAEDILKIAIINRYKDNSKISIGFIKNFGIRNGAIGSTVAHDSHNIILVGSNDEYLCKAANTIIQNKGGLCALNNEKTIIMELPISGLMSTLSAERVASQYIKLNDFCKNVLGSRLDDPLMTLSFMSLTVVPHLKINDKGLFDVDSFCFVDY

>BBK18

MCLQTAIKNYFLLKDLMHKIFKIKNCQTHN

>BBK19

MKKYIINLSLCLLLLSCNLFSKDSRSRQKYNFKVPAKSVSNPINKENIDTEKGTNTTLCIKEKDSRIIIKDCINNQELFKVKSKRRYDFKKAMLLGIQTALKVINIGNNNKKLTSIKKHNDHILLEFKDNKIYIIRLSELKKHLLKSKKKPLLGSPIPGGGDAEFVDDPDGRIEAELEAEQEQEMLDREDFGDEEDEELEEEIFGKEKPNN

>BBK20

MEKKNLTIETKILHFNKIKKPLKIGASLFY

>BBK21

MDQKKPIVITLASLKGGVGKSSLSILFSYVLKELGKKVLLIDLDPQNSLTSYFNKYISSIKKYNVYEFLKGNTYFDKCENKINEFISIIPSHPILEKFNTDDIDYKEIILEFRLNKSTKSFDFDYIIIDTSPSRNFLLKNALNVTDHIIIPVQVERWSIESFSILTETINNIQIIKNKRYNISIIENQFIKNRNTLKEVEEVLYEKYGKYIKGKIHFSNSIKVFINDLLEPSLKEIYYREAESALKNIL

>BBK22

MSNLLEKLRNKKSDIEKRIIFNRIEEIDSRKIYCTKIFKHLVSFKITNKGKRLRLTFQEFNNNEDFLFFNLFPLRENDKFLEIKYKHDKLDRPFFLKKENNKTYAIKKLYYIEFVFKNGSIKAYVQSLRTLLRKNKETTEYYQFNLSHLKKMEKKVYEFYNKKLKDGGVINKWIKKNQL

>BBK23

MKAVIPSYSHQINTNKSNKLLSKDCKLKKIISVIIYLNKEFEKKYNESIHRIHFDPEKLKEIRVHHQGDILRVLNSNIHRENKKETTINTLRIDLRFLVKLKALEKRMLTFSNNFGEFRGKLCIYKASPIAYKLIDTYFSNTKSDLIKKVKKEKDVLREKKEHCKPQNITENITVYNKQYINIYNKNSIENSFLKKIKSIVSNTKNPIKTLKNTLLNYKDFKNYLKYDYEVKDIKEFFLSKLNIYKHKIHFMRKIAPYKTDFYTLAGEFKDIYTTKWKADKITSFSGHAGTIANNILSKILSKGLKFE

>BBK24

MIGKESKKKNKKEIILNDRFEDFIDKSQNLNNNQDENLIIYNDLKDQLKLNLKDDIDNKIQRMKILYEIKQKKLYKYDGFKSFEQFIKSFIIAKTQAYTYLKVYEKVLEGVISIDKIKEAGFNSIYHAIQKQGLSEINQEDINTNNKENIPIRILIKDNELYDFCRKDTKRVYFVLKEIFKNKKDILSEIIIKYDNSKKKRNK

>BBK24.1

MNKNRVITCVVFALISSFKNFSQLCCLYSSEQDAFKEEINKRLYNCNFKNEKDKNIFLFMLHKLESV

>BBK26

MEYFQMERYGAYMINLRLYGEKRYIEFDFSKIEDKKEYK

>BBK27

MGSNLEYSTNFSSLIFFSSKKSILTSISSSSLILSKLSLFKYLTLSSTNNPPLNTGNFIESLPLSSKLKIVIIFYILISFLYFNHKKISKRYRRSV

>BBK28

MLLTYKEYEESEYIDNLRIIFSLIKLYLLSFDKSLNIEN

>BBK29

MGNKPSSGDKEKMKKIRKLSSYYKIFPLWN

>BBK30

MVALFKFAIFQLSNTKTCTSSFKAKFMIQGNDN

>BBK31

MIIDKEYKGLITVRILRMKSAYDKMVATFKLFSILFRSYFLRSVYKI

>BBK32

MKKVKSKYLALGLLFGFISCDLFIRYEMKEESPGLFDKGNSILETSEESIKKPMNKKGKGKIARKKGKSKVSRKEPYIHSLKRDSANKSNFLQKNVILEEESLKTELLKEQSETRKEKIQKQQDEYKGMTQGSLNSLSGESGELEEPIESNEIDLTIDSDLRPKSSLQGIAGSNSISYTDEIEEEDYDQYYLDEYDEEDEEEIRLSNRYQSYLEGVKYNVDSAIQTITKIYNTYTLFSTKLTQMYSTRLDNFAKAKAKEEAAKFTKEDLEKNFKTLLNYIQVSVKTAANFVYINDTHAKRKLENIEAEIKTLIAKIKEQSNLYEAYKAIVTSILLMRDSLKEVQGIIDKNGVWY

>BBK33

MIPILISFYQLKLRLESNETKKVNKNSSKEIRKYVKGLLNIVKNIVPVTTKRLKNYI

>BBK34

MKNNGPLILWISLLYYLIREKFIYHSILSLFFPLFNILLSNLNLLDIYLYKTIEFWILYAERLKLVKLMKVLI

>BBK35

MGKVKKPLSYIKYGRDNQLNVEGKDRNHIDVKEHHRDKGGFANVFDNYFMFSNPPSL

>BBK36

MTFKMYARDLEIHINEYYYFLVLLLFDYTLEKSI

>BBK37

MQAVCKDMIKDMQTNIQNNNSSPTPQQVNNQGSEARDIKREVDSYVEEFIRLDTELDEIKVSLSNMECLLSTAASYLKEARTTPRSNKVKYSLLYNLHKAISKVKSSYASLNVCYVDATYSLEKACVIFRDTNNKADDALAEALKESKDIRYNMFSALLLDKSQPNTNKKANIVDNNEIENFLFINLFSLDFNN

>BBK38

MLLPPFVMLSSTLTLVSLATSFTSCAIFSSPSLPNALLSYLDYLPTPFSLTTARSKAGSALLVFYASAGPVPTFE

>BBK39

MLTIKILEMAKESGLKHEDDDYGLRDKVNKVIEEFRRGKEGGLVAFSLKVEGAKKNGEVVKECVTGLMGKVESLFGDIKGNGDGVAQELMQEGKSEEKRFSKPLSLIREVVCDITEACKRLIYDL

>BBK40

MSNFACEAKPKYEYVKQVFLDKDFPEDVVDYVLLRSSNYVYENLESSMSMLEKEMNKARDEFRSGIGKLDERIGKLDEKVEKVRSELSAEIKTVRSELKGEIVKLDERIEKVRSELKGEIVKLDERIGKLDEKINTNHKELIGLFKEIRSENNSHIKSLIYPFYWILGIFIPSVVGMFLYLLQK

>BBK41

MIRLKHNMRKRGEIEKKARLQKFMQTTSDLTNLVKMAGLEAYSISHKLKDLEKGIENYEDNNNSTKDTLNQSLKDVIYEITKLSSLIEAKDKIDQRKKLGYQTEQEFDAKFINLKNIKDKLKTLCGKAKGHLGSNLSSVTIDGITKEKVAQAYLIIKLIHKTLIYMNDDSKGSLATILNDLEKDAKSI

>BBK42

MYEINQISSEDIPNIDDKITSLEALKKQLEDKLEIKLSNQTHIKQDDSFNKQAQLQQLNPGVSQKQEIDKKT

>BBK43

MSELKKSLDFSEESLSLKSLDIEQLSIRDIRYIYW

>BBK44

MNYFTRELKIFILEIMELFYMCKKARLFLLKSKSFLIYK

>BBK45

MITNNKCNIMILYYNNTLFLHKVSTMNLMIKVLIFSLFLSFISCKLYEAVDKSLIKDNKRSGRKARSISYKEVNNQEQNNEKNLKEAKESKKNNNLGIQKDGIVNTNPSVASDASEKHTNRQPQQVNNNSRETSEARNIIQEIYTSLEEVNKITTDLETIKSRLNNIKSKVDNASSFLNNARKSNKANPTLLPKLDQAIRKVSSSHAYANSNYSDAVSALKSSKHDFEYANRKAEDALQEALNNSNTQGYQYARYHYYMNDAKEAMGRAKVSLKTAKQKQEKLKDKMDQANKEFEELNKAHEAALSSRES

>BBK47

MRLCLIKIFIIPNLVFSSLFLFESCSGFLSKKSIEQFALALKDHQENKNTTNTSVDKNSKEIESPKDVTSSNKKTYDPILQVGSNQHMSDDPGANNKESLPNSSPAIIQNDSHAQNNVKMEENKSATPQHDPIEQSNFKNSLTTTSKTPAIPSEEEIKANLDEFAQEEYEQTSLSEIKNATQIVNHANPENKLNNTLLEFEKDYETLSNLLFSNLDASPLNRKIKTIMPKLQEMRSFMEQATNSWVSAKGMLDEAKDKLAESIYKRLYNGNSYRFGGSFNGRDMQHAKNLAYRAIDFASACIEYTQKAIDYLQQGNSCKKEIENIFKL

>BBK48

MNLINKLFILTILFSSVISCKLYKKITYNADQVIDKLKSNNGSFNTLKSNDDSKRSGRKPRSVDNTYMDQDTGKKPLMADMQPDMQNDNSSSNHTLQVNIQDNEASEARNIMTEIESSKEEYNRINEDLAKVKASLDKIKSLLSTAKSYLEQTRRGVGSSKANLALLPSLEEAIAKVKSNHASADTHCNDAIAALKRAKNDFEYAQRKADRALEEALSNSNASRHESYYYAGYHQFMADAKASMSSTKSLLEVAKNKQKELNENMTKTNKDFQELNDIYKKLQDMDSR

>BBK49

MRLCLIKIFIIPNLVFSSLFLFESCSGFLSKKSIEQFALALKDHQENKNTTNTSVDKNSKEIESPKDVTSSNKKTYDPILQVGSNQHMSDDPGANNKESLPNSSPAIMQNDSHAQNNVKMEENKSATPQHDPIEQSNFKNSLTTTSKTPAIPSEEEIKAKLDEFAQEEYEQTSLSEIKNAEQFINRANSENNLNNTLLEFKEFHQKMSDLLFSNLSTSPLNRKIKSVKATLWVKLEEMRSFMEQATNSWGSAKDMLDVARDKLADSIYKRLNNENGNSYWLGSNFNKRNIQDLAKRAIDLATECIKYMENAISFLQYGNSCRKEIENILKL

>BBK50

MNLIIKVMLISSLFSSFISCKLYEKLTNKSQQALAKAFVYDKDIADNKSTNSTSKLDNSSLDSIKDNNRSGRTSRALDDAEEIGVKESNQNRNDQQQNNESKVKESEKNNSSGIQADDSVLDTAHSDASEVENKKHDTSRQPQLLNKDSSEAREASKIIQKASTSLEEAEKVNAALKETRSKLDKIKRLADSAKSYLNNARKNSRTNGSILEILPNLDKAIEKAISSYASLNVCYTDAIAALAKAKNDFEHAKRKANDALEEALKDIPHFRGYNYLYHYRINNANDAMESAKSLLEVAKNKQKELNENMTKTNKDFQELNDIYKKLQDMDSR

>BBK51

MNLRINKFILILNSILELCIAESISKIFILEK

>BBK52

MKKNIYILNIFLYIPLFYSCFLTPPKSSKINSIKTEVLDFKIIEEGNIIKYDKKPIEERNENTCLSFKEPELNEIKEGDVLELLAGGYVTWAKSGDLRVLKDKNNNLIEDLRELRYSYIFSPIRFKTFFSYNYSINDNNYKILGKKAPIVKIIAFESTKEFEKKYEINSLKLNSEESNIDFEQNRTGLAKINLKETSKEPNYIYSYNFGVFDNSLADYFKLFYKKNNCNYMPAYLTIKDKETDKYKTYEIILNLKLFNDTIKLLINKYSNLSKEKLKLFTDE

>BBK53

MRILVGVCIIAALALLGCYLPDNQEQAVQTFFENSESSDMGSDEIVTEGIFSSLKLYASEHRLLVEIKKTLISLKDPNYRDVVRPVSDYNEEYFNKFFLDLGSEQSKDLIKLFIMVKNEQNNNKFMRIVRWLYSCIEELYSLDIKYSGEGSHEYNRNMPRPTAYEQYLKVKRYDYNSPVSILPT

>BBK54

MTKYIAILVARFKKDAEICISCGVRNKQTENYNKLIVFLLCLLFGYLGVHRFYVGKIETGLL

>BBL01

MCDLRKTKLIDKISSLELYKYSIFFRNYIENVAEDCLKNGLILESAAHNVSEVELARLKVQLKNALLNCIISYRFHGIGYVLVKTKDTLIDLEQPVNIELPIGFEYLDYEYVRDLGVDFDHITYKVKSNNKNNSLDAVKIHKSRLIIYENFDYILKRYVPCYTESFLLDIYLFEKIYVEIERRIENHNFLFYKDESLVQLQDALSSATTSLSALTQSNNDRGSGILSSFLRKQNSNNHSKDISNLRNLNDSLSQELARLKSNLNNEGMFYTATPSASLEVIKYDLSYLKEALALIKAKIGADTKEPLTRSFNEQAKGLGNDGKGDRSNYYDFLKGVQEQVENSCNLKLTKYFGLDMKFNSLIMLSEEQKVERDIKLIELYSKYNQLIQSSSFNNEELAMLKEKLFSF

>BBL02

MTEKEEKEDLQAQDKEEQQIKADTKVISVQEFEEYMRFKEQANSKSKETSRDLSINERITKELAEVEERERIEKQLLLEAERINEIDTLAKAHLSNHFNKEVLLAKGYTLKDIMQAQRRELVRKFVPIEQIKAIAKVSDISHIDGEILEQLVSLAKVNIKLRKNASSSSSSVDSIKGNIAIKSEERASLLDSNFVPINFTEFVQAISNTYKQRRIQFYENLKRHKRTSIA

>BBL03

MSDITKIKQEFDKKVAEIQALMKNPQQDSGLLSNSIDFRDQNLIFSNSGGVCTSSKDKIENYPAKGYPYKRGVKLSFGDGTTELEVEAGGGDDLYGVCSDIDEFSGMATVIPITNNFTGYLTLKKDGQNGVNPGDKLNFNQHGELEKVTGAQKSVNAIALSKAHKLTEDLFIVLASVFGNRAIKG

>BBL04

MALKGNMQVENLEAVEDPQVDLGAQVSAAPRAKRQARQAEDVQGEDPYLESISELDDVLLKFKKYSKSMSSIENKVFSSSSGCFKSKNERVDAYSFACSSYTDKIEEYLYDPANSFPYKRGVKLVPKENSIYVEVGADTDMYGICVDVCEFSCTAYVLPITNNFEGYLVTRNPSIKIGEILDINNNGVIIKAGGGPPTAINIYALSDSFTINFAPEDGNQDQNRYPRQEYSINLIKVAIFGNRGLEKTVNPDGG

>BBL05

MGDTTQLVKEYQEKRSKLEKFMKNPQHDASLLSNSNEFRDKNVEFFASGGTRTSKFDKLENHPFLGYPYKRGVKRVIQEAQDNQSHYEPHVEAGGGEDLYGICIDIDEFSKTATIVPITNNFEGYLVAKDSTVKVKDKLIFNKDGALEKVTGAPNKATINATALTDAKQISNEVYLVKVAVFGNKAMSRN

>BBL06

MGGFNMELFDENYYAKAVANIIGEVKDPIMYKWFSPDQIEDVDLQMGYQKTVKWDAFLNANPTTIANEVNTISTIGFSSEVVRLNYLKLQYKFRHLKQTSEKFYTSDSYIGDINNNLLPFAQAYKLASSEIIKLINHFVLTGTVSIQKDGKNQKRLLPNMYGLLNMPEQIKEEVASGDKDKMDKIFEKIEAGLSKLELGDEFSTPMMVIVDPATSLKLVKPYAAAQGAASSCEKWEDVLIQTIKAINNREDVYIETSNLLKHKILIYPLNSELIKFKPSKYMLPTPNEQVDKDSTDVAHSYIDFVLGGLLATRKTILQVNIKQS

>BBL07

MKMSEQESLQAQVAGEEELLVTKLHSEVLLLLGIDKFALSRQNFLLHLSLLQAILVTRGIDASSLTYEQIFLLTFYHMGCQLRKQGVVREFEFDRIKKEKFNELELDYYPSSSGGEEGGEGSCGSNKNFCSQLDAFLEKLKRETSTPSCVGVV

>BBL08

MCGGCLMNGVRKRLSDMSFRMINVFKDPKPLKFYKGTVVKLENDSSYQRVFDKTKYIEFAGVIIDIKPQELAILYDSDMSDIQGYSKLYTYQDLNYEPKDRISIADLVYFEIFSIDSSIGYFTLVLKEFIWTN

>BBL09

MDKLEFKMELEIGWFGGRAGIAKMHEKGSSNLPARKHLTKIASSSEFREYINNSYINSKFNLDPKSGMEAIGQAFIRYYENYLLSAQVTPALKANTIKSKFKRGSNTAAIPLVDTAKMLSEITYKVTLE

>BBL10

MIFTLDMVLNHLTQIFKGFKAYATENNFECDIINTYNHPYLSKITAASSNIIALKFDGTENLFDHNYRAGVFYENALEFSINFQIYIIAIVLNAKDFDANSRMLMLYSMLSDFLHNKAHKYNLPSLQPDYINKINFYIYPTSNMQTVGLINLGTKYSNHAYSASIAFNASVKAIEILKEEYEIAARYN

>BBL11

MPQDTISVSLLDSRIQASRPNYYNPLLVYKTAKIKVNKDAASYKILNLTVNNYEKQIETLEKENGNGEDQFGKEKTLLKTAMSNFFNSSEESLKSADLFIYKDKPEELKNYLKVHRHTFVVLINTEGDASDDGLKIYKDDYNKFKKPSTFFVFSTKEQEIKELFKDKGNTEKERNIAVYSNNKDNLHLKFISQYLHQASIFHAVNPYGMPLAATPLVDDTVIGKLRTAKINFYSLLNETGLDGVPAFKEGVDLAGGAIDEQFTYHYIKNEAIIELIRIWNKNNRQNSKLSALQLSGARDNAYTSAIECLLKRFVDRGLIIEYKNLRLTLSPTPQLKLELSVNITYNFSINAVALVITTQDIVDYQNSLSA

>BBL12

MQFYDLREVYFSIGGTQLHSGKLELTSEPTTRAVISSEDKGMPVISLRDPKTITYVFNIEVTLGSHDYILLTELSDEQFYNMDVRKEDKMLDLAFNDRIATKIISNYAIFTEEPSRSYSAEAEKVSFEIRAINCQKSKPNNS

>BBL13

MIMRYKMKILTKNKTYEYPLRVLPVYEWDKVLGFNQSDAVLKLNEVKYLREITSLMISPKFLDEFYVILDQNREFISYYKDYLVAIIYTAQFNTFHLDNDLKKPALVYLSEYENNVGDFVAFDYINENFDYEKVATSLSSSTSNSNELVAK

>BBL14

MNKRNRDIDKAIASLDETRKKYFNLLDEIKNDKYYFPVIMNICSYDSVKKLPYDELLEVNRLAEIKLEKELYELILSK

>BBL15

MSDKFTIKFKGILDHAATKKAIEQDISKMEKYLKPKKSSLGSTKDIVKNNLSDKKKELSRQSKFESLRERVEKYRLTQTKKLIKQGMGFEKARKEAFRRSLMSDRDKRRLEYKELAKESKAKSKMLAASQGKGLVAKIAIGSALGNIISNAMSKVGGGLLGFAKKAVEEDTKTKRTQLLNKAFYGDPKEKEGLLKIIGGMKGFERDLEKEEFLNQASVFKGTLRDLDMLNETNLKNAVEFAAMLKSSGAMSSEDAVKAVNSVLGGDGSELFDLLKKSGVGDKYIEDAKMAWQSGAQVDLESRITKMMEMFEDFKSFGLTKKVNNAESIQSNLASAEQTLQNLTTTVLDPLLDLINKITNYFKDFAFETHIINPIINGIKSIFNLNYFFAKLKSMLPGWMGGDEGAALKKLQEEIQNQDNANSTP

>BBL16

MTSNKKIANNAANKIDINNKITNNHDIEKKKIKEKINDIEKKEIREITRIIRDVITQIFALFGADNFLVLFPRMDLKGFGYIPQLFFIKPKNELITRTYNTSCSKRPVINYYDRKAEYVSYNPVMTGEHISLNGGILTSLYKDMISLLKMTVFGNTMLRFDAHLVKEQLANRIQAQVPFSIYSPTFGLKELAVITSLSFKDTPFIDEVEVSLSIEIVKTFALEKYKG

>BBL17

MLLLQYDFKIEFYNVDTSKKSPDGIPFAEEIPKIIINTQDGIHIDISISNVYSNIHTISSKQAKVVLWNLPLDFTDDIKFGDIVKIYYKKFAHEKNFDFIMAGTLGPPMSTDYPGGDFSVDLDVRLLTKSNFFNRELAGKEGKNFKGKTVKEAIESVFPNRNILNMDEKDCLKIIDKDIYATTPKEFIDKIKGTYVHNVIADIGTGLRGYECYLIFTNYIKKGENVHYEALEDYGLEFIPQQEITLGTTLKKNLIFWNAKTFFTHKLNVGDKVSFIDGLGKMIKTTIKETSARLSNTGECSLILKLEDDSNTKRKK

>BBL18

MNEDYEIYRMNQRLYGQALAQEDLKNWIYSNIFIIKIGTVKEFKHQTQEAIVTIPEFEDLEIHTKNISNISLELSKGDCVLLLQSSINIFDKNNDIHFDKHHFYILSAISPKTLNLISDTVKIRANNKIEIANQTTSLKKILDNIVSAINGIKIIGDSVIDESSLKIATAQINSDINSLFK

>BBL19

MDLRLGNNFELVFNNDLSLVDGIDEQKQRFLIFLKTLRGSLSYAPHWGLDYFLLLKLLKINNLHAVKNYFHEISKELNLDLINISTTIQDNKAHISFFFSGDVLNMEFNL

>BBL20

MSIVFDSDFGILKRTIKDIVRSKREYLRVNYGINIDDNQSSIYNIIASSLALIEEEIIDELNLFFSKMKPGGTYWAAIEEHISSKSTTYSAVRTALLNLDGIEYTNIKSAAGKANIYLILKETLLDTSKSNINSPEFKAKLWETLYLTTPSGTLLEGDIEIDGLNSTGQRKSYKISLGKRKYVYMKVKYKLDLKNYLYLNIDSQIRDIYSRIISNNYSDMGISFEYQDFFAPVNEVKGIKFMEISACIKDTDTESITKIGDSDFKKNQDIAINDDTMLLFNMTDRLLIDIG

>BBL21

MKIPNLFKNTEIHKFIRTETEYAQALLNELKSLNSNFISINVIENIKSRYIAIWISQVLSIFYAKTQTLQSITSNINSVIFALRHIGTDESFRLIFKTFLNVDIEVTTPEAGVIDISLKGVIKTNFTTFISPSTKKGKRLKKIILREKKPGYAASKKALVFNSLPKGYDHSIYAFIKRIIPIGRVLKINNTDGNNIITFNN

>BBL22

MADDQEKLLIDEEETVQIKDLNKVTTVNDTDLLLLDDGAASSNAITFKNFLDASKDKIFKGEGLDYFKQIIKSTIAEELAADKDFVEKIYAKITDKLINNDSTNISNLFSKIKSRLTDSISSATLSRSDHLLIMPSSDTIQKTPVPKHILGVPSNLAYGSITRSTTLYPSDYENNAIFINMEDNDDVTLIFSKSYDNSPVYLDIEIQVKINDNRMQKKSLKLQYSDETTYNRVYEIAGPRGLFTRIPIYKGWYVQKRASLYGDPVPDLLKL

>BBL23

MDTIKLTELLINLNEIKLIAVMIFVTVLVLGVLILLKPLLKDILTIVIGKIFKNGNGNGKNHIKKRD

>BBL24

MKLSKDNVELGLTSLSTLIDIFSKFEDEFDEIAHKGFFLVYELYSHYKLIYTANMERLESALTPAINAALAPLNEKINQCIDLVNSDEKNLKISNDLKFNQEGKPIYKERTNNAK

>BBL25

MQNNTIGLGLNLLSSLTNIAKTDTNIDHNYINTFSKVIDFFYKTYISTLKSMETAESTKIFEEIQDILKYNIEIIEAISTDKSKRIITSLKATRNKIMKEYIKILKRGENA

>BBL26

MKMLKRLHCLLIVLLLCCTTIANLPEEPKPPIIPTLKSLAKYETQLSEYVMYLVTFLAKTKVKVNDPNYPEYPYPDLSTLKDEHSITAVKHNINIYLEYIKKTKPIAEKVYNKYSQLKM

>BBL27

MYNMTIRENFMETVSTNIASVTQEQIYKEFIRLGMEQLIAQDLSKRYYHNELTYRDLENLEKQFDIKFDNLVSKIDGVKNELNTKIDNVEKNLQKDISNLDIKIDNVEKNLQKDISNLDTKIDSVKTELNTKIDTVEKNLNAKIDSVEKNLNAKIDNVEKNLMSLSEMLKWVLGIMGAMSITMIAGLIFAFISK

>BBL28

MKIINILFCLFLLMLNGCNSNDNDTLKNNAQQTKSRRKRDLTQKEVTQEKPKSKEELLREKLNDDQKTQLDWLKTALTDAGEFDKFLENNEDKIKSALDHIKSELDKCNGKENGDVQKNTFKQVVQGALKGGIDGFGASNATTTCNGS

>BBL29

MAKIVFAIYLYLLIQTRRKKMENLSNNNQEIQNNIQAKISFRKDMKTLKMNLPGIDKSLKGYGYKYQNFNEIVREIKNVIKKHNLELDIEQYPISIEGQYGIVDYIRTTFYSTSTGYEFSFDTRIPTENLQWNNENGSKVTNTVYQMFGSGITYVKRYALVAALGIESEIDTDAAPIYNNHENENSMSSKQVSVNQKQEQKREQKQEINQIQKNNTIQNQKRDIKQEQKKDRLYYYGVFKEALSNIKDWVNSPTTKDNINSIIQKISFIQNIDPNNFDDIKKIESDLISYFEKNSDFKSINYWAEIIKNYFKKNNRLKDLQDFERFMGLKRPIYGPSPLIFFSILKEYERFDEIFAA

>BBL30

MKGFLNNAKSPTCYNKHQHKLISLTSTLDYLNKKDKKYTQQNILYYFNENLKRNGLAPTTLRTMQNYLYKLEKVLKVTTNYYQHLGVNCGTEIYYKLKYPKKECYQKINKYFKERKNSRFKSRVNKHLKDNVSKNGSVNSVECLSNKNNIKEERKIKEIEKYQLRNYFNNCNFKTEEALSILYLNIDKDTKIEAINILKQNEIALIKKFNIKKSCMKEKQKKLKEILYNTRKKLEENGYNPKQLEINLQKVYENYKYKPHFIIENHKYSDLNNIKRKLEKSIKRKKENSQQNYQNLKENIFNILIEQLKKETNIEILKPIVKEYLNNQKKIEYNKVFGTYHLELSEIIKNEKNSLTTEEFSIKAV

>BBL31

METAPEPIETVKKGKCKVECQNKERFILIEKENGKAMYHTKIMMDIYKFGVYEKKHEFRLSLRALFNGERIVEETHLYPIKEGDKFIGIFYGYRKPIKKPLIKYQINGARKAYALARAYYMEFRFKAGSVFCYFKGLYRLLDKKRTNNHYNKVLFSMFTDLEQQVYKFYGKKYPEQGPLIKWILKNLK

>BBL32

MDTKKPKIITIASIKGGVGKSTSSIIFATLLAQKYKVLLIDLDTQASTTSYFCKKLENQKIDLVNKNIYRVLKDTLDVNNAIVNIKENLDLIPSYITLHKFSNEFIPHQELRLKDSLIFLKQDYDYIVVDTNPSLDFTLSNALITSNCVIVPMTAEKWAIESLDLLEFHIENLKIKIPIFLLVTRFKKNNTHKELLKYVESRERFLGFIHEREDLNKKIAGNNEFNMDKDYINEYKEALSKFFEIY

>BBL33

MRYIKKFIIKKIQILDFFEIKEIFYENRIK

>BBL34

MKIELNKRILASGIDPDGKKEVITNEDRIAHYNALKDRLKANFRKEIYHKLDSIKILKEIKDNQYYKIDGYKKFDYFIKDYKIARSQAYNYLKLATALQEGILKEDYLIENGIHNSLDLIKDKESPTLKKSKQNPIKPLRFQLKNQESYDFYKSNAKFTGFLLDKLFMDKKEIIKIIMKEYKQLKG

>BBL35

MNNLANRTFNIGNIKNEFLEIGFSEEAIDFVFLHNDNYNFEFLKEKLINLEKNLQKDISNLDIKINNVKNELNAKIDSVEKNLQKDISSLDIKIDSVEKNLQKDISSLNTKIDSVEKNLQKDISSLNTKIDSVEKSLQKDISNLNTKIDSVEKSLNQKLSMGNRLVHFMIITAAILGPILNALFMRYLQYIK

>BBL36

MAKIVFAIYLYLLIQTRRKKMENLSNNNNPQENIQGELKMISINQQSFTGCEIFEEKSSPIKEKSKLSKIGKKLPGISSQECFRFNRNIDFSVQRNKLDKYGASEVGNILVGGAGLKDLMINRVLKYFNMSLPFEENLYMLKGKELENLGFREFVKAYGDNIDILYKNKYANGVDKYNYFKKMGSSETLVGSTIDGWFINNNGDLELLEIKSSDSNYMSSAIAEYNKNGNFLSSKYFFKYYVQAQMQLACTGLEYCNLFFLIDAAPINCKIKRDEALISKVFEFVNKCELEIINLKKDIYSNYREEYLMAHNFNEDTFIKLVEDLVERSDFYSSGVEFDWAREFIEYVDCTDLEIKDNQSAENLAYDLMEIDSLQKELNRIQNENKKREKPIKDRLKMLIYNITNTYPLIEQLNYKFGEFVFTLDPKKRAISDRLKGLLPTSGTVFFPSNIAFTNSVSVPM

>BBL37

MLINKIKQDNRTLRPEIQKWGCYFLCLHYYTSLFKKREFNAYEINAAYYRFIGLGYIKSNCFIINPCMILNYYGIRSSVRYESLNYLGAANEFEISEVKIDKVNGYHFIATKNKEILYDSLDLKPRGKIFKVTSKRIFRLK

>BBL38

MNTNNYFNLNNFNMDFMLKLFQDYQNVLNENKILKNSLKISSKPTKKASKPTPKFYLTPKAIKIIEKCVKTLKKIDPISGWFLHLLAISGCRGAEIQKVKMQDITPLLNKTGETFYNIKVNIAKKRNVTCIREIVIKSEEFEAIQKAHENYFNEKNLDSRRTYLFQKTKHKFKDNQIDIINISRKFKNLLKKSGFRANKSLHLFRNLFISYLKSNGYNSFQIKELMKYHSTSEIDNIYGLSAANKIHAYKCMKNNLKL

>BBL39

MEKFMNKKMKMFIICAVFILIGACKIHTSYDEQSNGEVKVKKIEFSEFTVKIKNKNNSNNWADLGDLVVRKEKDGIETGLNAGGHSATFFSLEEEEINNFIKAMTEGGSFKTSLYYGYNDEESDKNVIKNKEIKTKIEKINDTEYITFLGDKINNSAGGDKIAEYAISLEELKRNLK

>BBL40

MNKKTIIICAVFALILSCKNYAIKDLEQNAKGKIKGFIDKALDPAKDKITSSSSKVDELARKLQEEDKIKGVEENNKDELMQGDDPNSGVINSSPVLPENSQDNTPILKAAEQSDGQQEEKVKKVEESEAKVEGKEEKQENTEERNKQELAKQEEEQQKRKAEQEKQKREEEQERQKREEEQERKAKAEKEAKEKAERQKQEEQQKRKAEKEREEQRKEAEKRQVDNEIRTLTGKIDEINRNIDVIKEQTSVGAQGVIDRITGPVYDDFTDGNKAIYKTWGDLEDDNDEGLGKLLKELSDTRHNLRTKLNEGNKAYIIDTRSTEPQLKENVSVSEIKSDLDELKSKLEEVKEYLEDKDNFEEIKEYVAGSEDNYDEED

>BBL41

MLKILFIYILSRVMMNINEISDFYDNLYKKTKKEIDKLINKLYLTSQITLKQKRQIYSAVEKMQKYVIKTGKSVFLESEKEFVKDTLKRKNLTKKFQSFKVDFSYKEGMLEKCLERLGEDKSIEFLIFVCQILNGIREKVSELDFQIDAIKEFRDILFLSIHYYDKRLFTSKNLMNEMKYFFEKVELIYSYMQ

>BBL42

MKKVKRSFDDYVAYFREGSLSDVEIAKKLGVSKVNVWRMRQKWESGESVVNGDSRVTISEDTFEHLLSQTFRSEVNARKVRSELDVERSNLELGFINAFKQYSSVELFSMHTKIENLRAEIDALNKASSKKNKQVVNGEINSLKSELDEYIKECSIREMELYYECMKKLATVNGAESKSNYKNSKGHK

>BBL43

MNLYQTKLFTTLQKEYKNKYGVDISQFVKLTNSSINFDKFEEEQLTLKQKNVIKSIKKNNEKKIILSGGIASGKTYLACYLFLKSLIENKKLYSSDTNNFIIGNSQRSVEVNVLGQFEKLCKLLKIPYIPRHTNNSYILIDSLRINLYGGDKASDFERFRGSNSALIFVNEATTLHKQTLEEVLKRLRCGQETIIFDTNPDHPEHYFKTDYIDNIATFKTYKFTTYDNVLLSKGFVETQEKLYKDIPSYKARVLLGEWIASTDSIFTQINITDDYVFTSPIAYLDPAFSVGGDNTALCVMERVDDKYYAFVFQDQRPANDPYIMNMVKTVIENFNVHTLYLEDRDNTKGAGGLTREYILLRSNISQYFRIVPVKPKSNKFSRITTLITPFTYKKLYITKYSSSSVFNDIYSYKGDNKTHDDALDAISAAYLMLSLGYRERSVHFGNQRFL

>BBM01

MCDLRKTKLIDKISSLELYKYSIFFRNYIENVAEDCLKNGLILESAAHNVSEVELARLKVQLKNALLNCIISYRFHGIGYVLVKTKDTLIDLEQPVNIELPIGFEYLDYEYVRDLGVDFDHITYKVKSNNKNNSLDAVKIHKSRLIIYENFDYILKRYVPCYTESFLLDIYLFEKIYVEIERRIENHNFLFYKDESLVQLQDALSSATTSLSALTQSNNDRGSGILSSFLRKQNSNNHSKDISNLRNLNDSLSQELARLKSNLNNEGMFYTATPSASLEVIKYDLSYLKEALALIKAKIGADTKEPLTRSFNEQAKGLGNDGKGDRSNYYDFLKGVQEQVENSCNLKLTKYFGLDMKFNSLIMLSEEQKVERDIKLIELYSKYNQLIQSSSFNNEELAMLKEKLFSF

>BBM02

MTEKEEKEDLQAQDKEEQQIKADTKVISVQEFEEYMRFKEQANSKSKETSRDLSINERITKELAEVEERERIEKQLLLEAERINEIDTLAKAHLSNHFNKEVLLAKGYTLKDIMQAQRRELVRKFVPIEQIKAIAKVSDISHIDGEILEQLVSLAKVNIKLRKNASSNSSSVDSIKGNIAIKSEERASLLNSNFVPINFTEFVQAISNTYKQRRIQFYENLKRHKRTSIA

>BBM03

MSDGITKIKEEFDKKVAEIKALMKNPQQDTGLLSNSVDFRDKNLIYSNSDGVFTSSKDKIENYPAKGYPYKRGVKLSFSADGTTELEVEAGGGDDLYGICTDIDEFTGMATVVPITNNFTGYLTFKKNGNGVNPGDKLHFNAQGELEKNGGNDKSVNAIALSKVHKLTEELSIVLASVFGNRALKGN

>BBM04

MALKGKGQAKAPNVDDNPQLGLESEIPVAPRSKRQTRQAEEVQAKDPYLDSVKELDDVLLKFKKYSKSMSSIENKVFSSSGGCFKSKNARVNAYSFTCSSFADKIEEYLYDPANSFPYKRGVKLVPKENSIYVEVGADTDMYGICVDVCEFSSTAYVLPITNNFEGYLVTRNPSIKMGEILDINNNGVIIKAGGGPPTVINAYALSDSFTINFAPEDEYQDQARYPKQEYSINLIKVAIFGNRGLEKTVTPEAGG

>BBM05

MVKPWAIKGVKQMADTTQLVKDYQEKRSKLEKFMKNPQHDAGLLSNSVEFRDKNIQFFASGGTRTSKFDKLENHPFSGYPYKRGVKRVIQEEKADQIHYEPHVEAGGEDDLYGICIDIDEFSKTATIVPITNNFEGYLVAKDSTLKVKDKLVFNKDGALEKVTGAPPNKATINAIALSDAKQISNDVYLIKVAVFGNKAVSKN

>BBM06

MGGFNMELFDENYYAKAVANIIGEVKDPIMYKWFSPDQIEDVDLQMGYQRTVKWDAFLNANPTTIANEVNTISTIGFSSEVVRLNYLKLQYKFRHLKQASEKFYTSDSYLGDINNNLLPFSQAYKLASSEIIKLINHFVLTGTVSIQKDGKNQKRLLPNMYGLLNMPHQVKEEVASGDKDKMDKIFEKIEAGLSKLELGDEFSTPMMVIVDPTTSLKLVKPYAAAQGAASSCEKWEDVLIQTIKAINNREDVYIETSNLLKHQILIYPLNPELIKFKPSKYMLPTPNEQVDKDSTDIAHSYIDFVLGGLLATRKTILQVHIKQS

>BBM07

MSEQKNLQTQVEAEEELLVTKLYSEVLLLLGIDKLALSRQNFLLHLSLLQAILVTRGIDASSLTYEQIFLLTFYHMGCQLRKQGVVREFEFDRIKKEKFNELELDYYPSSSGGEEGGEGGCGSNKNFCSQLDAFLEKLKRETSTPSCVGVV

>BBM08

MCGGCLMNGVRKRLSDMSFRMINVFKDPQPLRFYKGTVVKLENDSSYQRVFDKNKYTEFAGVIIDIRPQELAVLYDSDMSDIQGYSKLYTYQDLNYELKDRISISDLIYFEIFSIDSSIGYFTLVLKEFIWTN

>BBM09

MDKLEFKMELEIGWFGGRAGIARMHEKGGSNLPARKHLTKIAGSSEFREYINNSYINSKFNLDPKSGMEAIGQAFIRYYGNYLLSAQVSPALKANTIKSKFKKGSNTAAIPLVDTAKMLSEITYKVTLE

>BBM10

MIFTLDMVLNHLTQIFKGFKAYATENNFECDIINTYNHPYLSKITAASSNIIALKFDGTENLFDHNSRAGAFYENALEFSLNFQIYIIAIVLNAQDFDANSRMLMLYGMLSNFLHNKAHKYTLESQSQPEYISKVNFYIYPISNMQTVGLINLGTKYSNHAYSASIAFNASVKAIEILKEEYKIAARYN

>BBM11

MPQDTISVSLLDSRIQASRPNYYNPLLVYKTAKIKVNKDAANYKILNLTVNNYEKQIETLEKDNGNGQDQFGKEKTLLKTAMSNFFNSSEESLKSADLFIYKDKPEELKKYLKVHRHTFVVLINTEGDNSDDGLKIYKDDYDKFKTPSIFFVFSTKEQEIKELFKDKGNTEKERNIAVYSNNKDNLHLKFISQYLHQASIFHAVNPYGMPLAATPLVDDTVIGKLRTAKINFYSLLNETGLDGVPAFKEGVDLAGGAIDEQFTYHYIKNEAIIELIRIWNKNNRQNSKLSALQLSGARDNAYTSAIECLLKRFVDRGLIIEYKNLRLTLSPTPQLKLELSVNITYNFSINAVALVITTQDIVDYQNSLSA

>BBM12

MQFYDLREVYFSIGGTQLHSGKLELTSEPTTRAVISSEDKGMPVISLRDPKTITYVFNIEVTLGSHDYILLTELSDEQFYNMDVRKEDKMLDLAFNDRIATKIISNYAIFTEEPSRSYSAEAEKVSFEIRAINCQKSKPNNS

>BBM13

MIMRYKMKILTKNKTYEYPLRVLPVYEWDKVLGFNQSDAVLKLNEVKYLREITSLMISPKFLDEFYVILDQNREFISYYKDYLVAIIYTAQFNTFHLDNDLKKPALVYLSEYENNVGDFVAFDYINENFDYEKVATSLSSSTSNSNELVAK

>BBM14

MSKRDRDIDKAIASLNETRKKYFNLLDEIKNDKYYFPVIMNICSYDNVKKLPYDELLEVNRLAEIKLEKELYELILSK

>BBM15

MSDKFTIKFKGILDHAATKKAIEQDISKMEKYLKPRNSSLGSTKDIVKNNLSNKKKELSKQSKFESLRERVEKYRLTQTKKLIKQGMGFEKARKEAFRRSLMSDKDKRRLEYKELAKESKAKSKMLAASQGKGLVAKIAIGSALGNIISNAMSKVGGGLLGFAKKAVEEDTKTKRTQLLNKAFYDDPKEKEGLLKIIGGMKGFERDLEKEEFLNQASVFKGTLRDLDMLNETNLKNAVEFAAMLKSSGAMSSEDAVKAVNSVLGGDGSELFDLLKKSGVGDKYIEDAKMAWQSGAQVDLESRITKMMEMFEDFKSFGLTKKVNNAESIQSNLASAEQTLQNLTTTVLDPLLDLINKITNYFKDFAFETHIINPIINGIKSIFNLNYFFAKLKSMLPGWMGGDEGAALKKLQEEIQNQDNANSTP

>BBM16

MTSNKKIANNAANKIDINNKITNNHDIEKKKIKEKINDIEKKEIREITRIIRDVITQIFALFGADNFLVLFPRMDLKGFGYIPQLFFIKPKNELITRTYNTSCSKRPVINYYDRKAEYVSYNPVMTGEHISLNGGILTSLYKDMISLLKMTVFGNTMLRFDAHLVKEQLANRIQAQVPFSIYSPTFGLKELAVITSLSFKDTPFIDEVEVSLSIEIVKTFALEKYKG

>BBM17

MLLLQYDFKIEFYNVDTSKKSPDGIPFAEEIPKIIINTQDGIHIDISISNVYSNIHTISSKQAKVVLWNLPLDFTDDIKFGDIVKIYYKKFAHEKNFDFIMAGTLGPPMSTDYPGGDFSVDLDVRLLTKSNFFNRKLAGKEGKNFKGKTVQEAIESVFPNRNILNMDEKDCLKIIDKDIYATTPKEFIDKIKGTYVHNIIADIGTGLRGYECYLIFTNYIKKGENVHYEALEDYGLEFIPQQEITLGTTLKKNLIFWNAKTFFTHKLNVGDKVSFIDGLGKMIKTTIKETSARLSNTGECSLILKLEDDSNTKRKK

>BBM18

MNEDYEIYRMNQRLYGQALAQEDLKNWIYSNIFIIKIGTVKEFKHQTQEAIVTIPEFEDLEIHTKNISNISLELSKGDNVLLLQSSVNIFDKNNDIHFDKHHFYILSAISPKTLNLISDTVKIKANNNIEIANQTTSLKTILKNIVSAIEGIKVVPAQGGPAIEPVSLKIATTKINSDINSLFK

>BBM19

MDLRLGNNFELVFNNDLSLVDGIDEQKQRFLIFLKTLRGSLSYAPHWGLDYFLLLKLLKINNLHAVKNYFHEISKELNLDLINISTTIQDNKAHISFFFSGDVLNMEFNL

>BBM20

MSIVFDSDFGILKRTIKDIVRSKREYLRVNYGINIDDNQSSIYNIIASSLALIEEEIINELNLFFSKMKPGGTYWAAIEEHISSKSTTYSAVRTALLNLDGVEHTNIKSAAGKANIYLILKETLLDDSKSNINSPKFKAKLWETLYLTTPSGTLLEGDIEIDGLNSTGQRKSYKISLGKRKYVYMKVKYKLDLKNYLYLNIDSQIRDIYSRIISNNYSDMGISFEYQDFFAPVNEVKGIKFMEISACIKDTDTESITKIGDSDFKKNQDIAINDDTMLLFNMTDRLLIDIG

>BBM21

MKIPNLFKNTEIHKFIRTETEYAQALLNELKSLNSNFMSINVIENIKSRYIAIWISQVLSIFYAKTQTLQSITSNINSVIFALRHIGTDESFRLIFKTFLNVDIEVTTPEAGVIDISLKGVIKTNFTTFISPSTKKGKRLKKIILREKKPGYAASKKALVFNSLPKGYDHSIYAFIKGIIPIGRVLKINNTDGNNIITFNN

>BBM22

MADDQEKLLIDEEETVQIKDLNKVTTVNDTDLLLLDDGAASSNAITFKNFLDASKDKIFKGEGLDYFKQIIKSTIAEELAADKDFVEKIYAKITDKLINNDSTNISNLFSKIKSRLTDSISSATLSRSDDLLIMPSSDTIQKTPVPKHILGVPSNFAYGRTRSTTLYPSDYENNAISINMEYNDDVTLIFSKSYDNSPVYLDIEIQVKINDNRMQKKSLKLQYSDETTYNRVYEIAGPRGLFTRIPIYKGWYVQKRVSLYGDPFPDLLKL

>BBM23

MDTIKLTELLINLNEIKLIAVMIFVTVLVLGVLILLKPLLKDILTIVIGKIFKNGNGNGKNHIKKRD

>BBM24

MKLSKDNVELGLTSLSTLIDIFSKFEDEFDEIAHKGFFLVYDLYSHYKLIYTANMERLESALTPAINAALAPLNEKINQCIDLVNSDEKNLKISNDLKFNQEGKPIYKERINNAK

>BBM25

MQNNTIGLGLNLLSSLTNIAKTDTNIDHNYINTFSKVIDFFYKTYISTLKSMETAESTKIFEEIQDILKYNIEIIEAISTDKSKRIITSLKATRNKIMKEYIKILKRGENA

>BBM26

MKMLKRLHCLLIALLLCCTTIANLPEEPKPPIIQTLKSLAKYETQLSEYVMYLVTFLAKTKVKVNDPNYPEYPYPDLSTLKDEHSITAVKHNINIYLEYIKKTKPIAEKVYNKYSQLKM

>BBM27

MRNKNIFKLFFASMLFVMACKAYVEEKKEIDSLMEDVLALVNDSSGGKFKDYKDKINELKENLKDIGNAELKEKLLNLQNSFQDKLAAKLAALKAAKNTIENITDKDQDISKRKIWSEAKLVGVTVPLLGSNTSGNGDKMSKNAVEQIDKVIKFLEEGTN

>BBM28

MKIINILFCLFLLLLNSCNSNDNDTLKNNAQQTKSRGKRDLTQKEATPEKPKSKEELLREKLSEDQKTHLDWLKEALGNDGEFDKFLGYDESKIKSALNHIKSELDKCTGDNSEQQKSTFKQTVQGFFSGGNIDNFANNAVSNCNNGGS

>BBM29

MNNVSNNNNQEIQNNIQAEIDFLNDMDTLRMNLPRIDKSLKGYGYKYQDFNVIVEVIQNVIKNHNLKLGFWQFPTFVYGKNGEVPVVRTTFYSKSTGYKESLDTLIHTDKLQWNGENGSKNLNTMPQLVGAAITYFKRYALVAYLDIKSEFDTDAAPIYNNHENENSMPSKQVSVNQKQEQKKDINQEKNQLNSFNKNLKSGKAYCYEIFRDALFNIKNWVNEGEEKNNINALIRALCTDNDDALEDLFKKNAELKSIEYWVNILKKYFNKTNRFDDLNKLKVFMSDNRDVYKTKVLKFFCMLKKERQFNYIFAA

>BBM30

MKDFLNNIKSLTCYNKHQHKLISLTSTLDFLNKKDKKYTQQNILYYFNENLKRNGLAPTTLRTMQNYLYKLEKVLKVTTNYYQHMGVNCGTEIYYKLKYPKKECYQKINKYFEERKNSRFKSRVNNHFKDDISKNGSVNSVECLSNKNNIKEERKIKEIEKYQVIKYFNKSNLLCKEILPFLLTLNVDKDTMIKIIKNIKRVENKLLKNTNLNKSCFKEKQEKLKRILNNTQKEFKQNGYNPEQLKINLQKVYESYKFKPHFIIENHKYSDLNNIKSKLEKSIERKKENPQQNYQNLKENIFNILIEQLKKETNIEILKPIIKKYLNNQKKIEYNKVFGTYHLELLEIIKNEKNSLTTEEFNIKAV

>BBM31

MENAPEPIEAVKKGKCKVECQNKERFILIEKENGKAMYHTKIMMDIYKFGVYEKKHEFRLSLRALFNGERIVEETHLYPIKEGDKFIGIFYGYRKPIKKPLIKYQINGARKAYALARAYYMEFRFKAGSVFCYFKGLYRLLDKKRTNNHYNKVLFSMFTDLEQQVYKFYGKKYPEQGPLIKWIIKNLK

>BBM32

MDNKKPKIITIASIKGGVGKSTSAIIFATLLAQKYKVLLIDIDTQASTTSYYYDDIQKSSIDLRKNNIYEVLIEKLDINRSIVNVANNLDLIPSYLTLHSINAFGYKHTFDEFRLKKELKHIDVGYNFIIIDTPPSLDFTLTNALVCCNNVIVPLTAEKWTIESFDLLKFFMEKIGVELPTYFIITRFKKNNTHKQLLEMLNSKENFLGMISEREDLNRRIASNSSFDFQMDYIKEYKNSLMNFYAKLK

>BBM33

MKNNTKLIINKRDIDSEGNALLVDSSNVSKNGVETDRYNTLKKKLYVNLREGVSNRVECMKILKEIKDNEYYKLDGYKSFDAFIKDYDVAKTQAYNYLKIANAIEAGVIEEQYVLDNGFRLILSVLKDKESPVLKKSKQNSIKPLRFQLKTQESYDFYKSNAKFTSFMMQEIFENQKDLISKLLKMYKQLKG

>BBM34

MNNLAYKTYNIESIKNEFLNIGFSKEAIDFVFLHNDNYNFEFLKEKIIDIEKNLQKDISNLDAKIDNVEKNLNLKIDGLNIKIDNVEKSLNAKIDSLDTKIDNVEKNLNIKIDSVKNELNSKIDSLDAKIDNVEKSLNAKIDSLDTKIDNVEKTLQKDISSLNTKIDSVEKTLQKDIFNLDNKINVLKNELTASNRTIQVILIMGITLAPIIYSIFNKYFLN

>BBM35

MNNVSNNNNPQDNIQGELKMISINQQSFTGCEIFEEKSSPIKEKSKLSKIGKKLPGISSQECFRFNRNIDFSVQRNKLDKYGASEVGSILVGGAGLKDLMINRVLKYFDMSLPFEENLYMLKGKELENLGFREFVKAYGDNIDILYKNKYANGVDKYNYFKKMGSSETLVGSTIDGWFINNNGDLELLEIKSSDSNYMSSAIAEYNKNGNFLSSKYFFKYYVQAQVQLACTGLEYCNLFFLIDAAPINCKIKRDEALISKVFEFVNKCELEIINLKKDIYSNYREEYLMAHNFNEDTFIKLVEDLVERSDFYSSGVEFDWAREFIEYVDCADLEIKDNQSAENLAYDLMEIDSLQKELNRIQNENKKREKPIKDRLKMLIYNITNTYPLIEQLNYKFGEFVFTLDPKKRAISDRLKGLLPTSGTVFFPSNIAFANNVSVPM

>BBM36

MLINKIKQDNRTLRPEIQKWGCYFLCLHYYTSLFKQREFNAYEINAAYYRFIGLGYIKSNCFIINPCMILNYYGIRSSVRYESLNYLGAANEFEISEVKIDKVNGYHFIATKNKEILYDSLDLKPRGKIFKVTSKRIFRLK

>BBM37

MNNYFNLNNFNMDFMLKLFQDYQNVVNENKILKNSLKISSKPTKKSSKPTPKFYLTSKSSKIIEKCVKTLKQTDPISGWFLHLLAISGCRGAEIQKVKMQDITPLLSKTGETFYNIKVNVAKKRNITCIREIVIKSEEFEAIQKAHENYFNDKNLDSRRTYLFQKTKHKFKDNQISIINISKKFKILLKKSGFRANKSLHLFRNLFISNLKSNGYNSFQIKELMKYHSTNEIDNIYGLSAANKIHAYKCMKNNLKL

>BBM38

MEQLMNKKMFIICAIFALIVSCKNYASGEDVKKSLEQDLKGKVKGFLDTKKEEFFGDFKKPEAKVQPKDEESMQADEPQEQGEDQVVQGVAEDQKLKEEIEQKIKELKDKIEKSDPKSVSLKTYSDYEKEIEELKEKLKDKEKFEKELEILEKALNEKIEKRKKELEESQKKFEELKGQVESAIGITDGERAKNQGKVGIEALRHARGLGFKNISSGNSTSDIAKEIIVSSLKKIEEELEELKKLEKESKDSNKKE

>BBM39

MNQKQIFLLFLLFLKVTISFSYDQSQYKGYMEKYYHKKGKTDTHISFFQTLSADEGGFSTIFIGEDEQLSRLSFTTLKDIKDGKETSYMGFNLEYHYKAKFNNPYPMLNDIRANISKVKVKFFFDNGPEKIIRELNQKFVNNRVMWEIWNNSYNKLSEYIRINLRTSDPGIENLLPKLLKHKTVTITIEIPESEDPEKLTSSITFDLDSFQKLYKKYSTYFK

>BBM40

MFLIHINAPFWIFEMFGFYINKYCKYRAVVNRYKEINNLC

>BBM41

MKRAKRSFDDYVAYFREGLLDDREIADKLGVSRVNVWRMRKKWESGESVVNQDSRVTISEDTLEHLLSQTFKSEVNARKVISELDIECANLKLGFIRAFKQYSSVELTGMRTKIENLRAEIDALNKASSKKNKQVVNGEINSLKSELDEYIKECSIREMELYYECMKKLTTANEAESKSNYKNSKGHK

>BBM42

MNLYQTKLFTTLQKEYKNKYGVDISQFVKLTNSSINFDKFEEKQLTLKQKNVIKSIKKNNEKKIILSGGIASGKTYLACYLFLKSLIENKKLYSSDTNNFIIGNSQRSVEVNVLGQFEKLCKLLKIPYIPRHTNNSYILIDSLRINLYGGDKASDFERFRGSNSALIFVNEATTLHKQTLEEVLKRLRCGQETIIFDTNPDHPEHYFKTDYIDNIATFKTYNFTTYDNVLLSKGFVETQEKLYKDIPSYKARVLLGEWIASTDSIFTQINITDDYVFTSPIAYLDPAFSVGGDNTALCVMERVDDKYYAFVFQDQRPANDPYIMNMVKTVIENFNVHTLYLEDRDNTKGAGGLTREYILLRSNISQYFRIVPVKPKSNKFSRITTLITPFTYKKLYITKYSSSSVFNDIYSYKGDSKTHDDALDAMSAAYLMLSLGYRERSVHFGNQRFL

>BBN01

MCDLRKTKLIDKISSLELYKYSIFFRNYIENVAEDCLKNGLVLESADHNVSEVELARLKVQLKNALLNCIISYRFHGIGYVLVKTKDTLIDLEQPVNIELPIGFEYLDYEYVRDLGVDFDHITYKVKSNNKNNSLDAVKIHKSRLIIYENFDYILKRYVPCYTESFLLDIYLFEKIYVEIERRIENHNFLFYKDESLVQLQDALSSATTSLSALTKSSNNDGGSGILSSFLRKQNSNNHSKDISNLRNLNDSLSQELARLKSNLNNEGMFYTATLSASLEVIKYDLSYLREALALIKAKIGADTKEPLTRSFNEQAKGLGNGGKGDRSNYYDFLKGVQEQIENSCNLKLTKYFGLDMKFNSLIMLSEEQKVERDIKLIELYSKYNQLIQSSSFDNEELAILKEKLFSF

>BBN02

MTEKEEKEDLQAQDKEEQQNKADTKVISAQEFEEYMRFKEQANSKSKETSRDLSINERITKELAEVEERERIKKQLLLEAERINEIDTLAKAHLSNHFNKEVLLAKGYTLKDIMQAQRRELVRKFVPIEQIKAIAKVSDISHIDGEMLEQLVSLAKVNIKLRKTASSNFSSVDSVRGNIVVKSEERASLLDSNFVPINFTEFVQAISNTYKQRRIQFYENLKRHKRTSIA

>BBN03

MSDGITKIKEEFDKKVAEIKALMKNPQQDAGLLRNSVDFRDKNLIYSNSDGVFTSSKDKIENYPAKGYPYKRGVKLSFSADGTTELEVEAGGGDDLYGICTDIDEFTGMATVVPIINNFTGYLTFKKNGQNGVNPGDKLHFNAQGELEKNGGNDKSVNAIALSKVHKLTEELSIVLASVFGNRALKGN

>BBN04

MALKGKGQAKSPNVHDNPQLGLESEIPVAPRSKRQARQAEEAQAKDPYLDSVKELDDVLLKFKKYSKSMSSIENKVFSSSGGCFKSKNERVNAYSFTYSSFADKIEEYLYDPANSFPYKRGVKLVPKENSIYVEVGADTDMYGICVDVCEFSSTAYVLPITNNFEGYLVTRNPSIKMGEILDINNNGVIIKAGGGPPTAINAYALSDSFTINFAPEDEHQDQARYPKQEYSINLIKVAIFGNRGLEKTVTPEAGG

>BBN07

MSEQKNLQTQVEAEEELLVTKLHSEVLLLLGIDKLALSRQNFLLHLSLLQAILVTRGIDASSLTYEQIFLLTFYHMGCQLRKQGVVREFEFDRIKKEKFNELELDYYPSSSGGEEGGEGGCGSNKSFCSQPDAFLEKLKRETSTPSCVGVV

>BBN08

MCGGCLMNGVRKRLSDMSFRMINVFKDPKPLKFYKGTVVKLENDSSYQRVFDKNKYTEFAGVIIDIKPQELAILYDSDMSDIQGYSKLYTYQDLNYELKDRISIADLVYFEIFSIDSSIGYFTLVLKEFIWTN

>BBN09

MDKLEFKMELEIGWFGGRAGIAKMHEKGSSNLPARKHLTKIASSSEFREYINNSYINSKFNLDPKSGMEAIGQAFIRYYENYLLSAQVTPALKANTIKSKFKRGSNTAAIPLVDTAKMLSEITYKVTLE

>BBN10

MIFTLDMVLNHLTQIFKGFKAYATENNFECDIINTYNHPYLSKITAASSNIIALKFDGTENLFDHNYKAGVFYENALEFSINFQIYIIAIVLNAKDFDANSRMLMLYSMLSDFLHNKAHKYTLPSLQPEYINKINFYIYPTSNMQTVGLINLGTKYSNHAYSASIAFNASVKAIEILKEEYEIAARYN

>BBN11

MPQDTISVSFIDSRIQTSRPNYYNPLLVYKTAKIKVNKDAASYKILNLTVNNYEKQIETLEKENGNEEDQFGKEKTLLKTAMSNFFNSSEESLKSADLFIYKDKPEELKNYLKVHRHTFVVLINTEGDASDDGLKIYKDDYNKFKMPSTFFVFSTKEQEIKELFKDKGNTEKERNIAVYSNNKDNLHLKFISQYLHQASIFHAVNPYSMPLAATPLVDDTVIGKLRTAKINFYSLLNETGLDGLPAFKEGVDLAGSTIDEQFTYHYIKNEAIIELIKIWNKNNRQNSKLSALQLSGARDNAYTSAIECLLKRFVDRGLIIEYKNLNLTLSPTPQLKLELGVNITYNFSINAVALVITTQDIV

>BBN12

MQFYDLREVYFSIGGTQLHSGKLELTSEPTTRAVISSEDKGMPVISLRDPKTITYVFNIEVTLGSHDYILLTELSDEQFYNMDVRKEDKMLDLVFNDRIATKIISNYAIFTEEPSRSYSAEAEKVSFEIRAINCQKTKPNNT

>BBN14

MSKRNRDIDKAIASLDETRKKYFNLLDEIKNDKYFFPVIMNICSYYSVKKLPYDELLEVNRLAEIKLEKELYELILSK

>BBN15

MGDKFTIKFKGILDHAATKKAIEQDISKMGKYLKPKKSSLGSTKDIVKNNLSDKKKELSRQSKFESLRERVEKYRLTQTKKLIKQGMGFEKARKEAFRRSLMSDRDKRRLEYKELAKESKAKSKMLAASQGKGLVAKIAIGSALGNIISNAMSKVGGGLLGFAKKSVEEDTKTKRTQLLNKAFYGDPKEKESLLKIIGGMKGFERDLEKEEFLNQASVFKGTLRDLDMLNETNLKNAVEFAAMLKSSGAMSSEDAVKAVNSVLGGDGSELFDLLKKSGVGDKYIEDAKRAWQGGAEVDLESRITKMMEMFEDFKSFGLTKKANTAEIIQSNLASAEQTLQNLTTTVLDPLLDLINKITNYFKDFTFETHIIEPIINGIKSIFNLNYFFAKLKSMLPGWMGGDEGAALKKLQEEIQNQDNANSTP

>BBN17

MLLLQYDFKIEFYNVDTSKKSPDGIPFAEEIPKIIINTQDGIHIDISISNVYSNIHTISSKQAKVVLWNLPLDLTDDIKFGDIVKIYYKKFAHEKNFDFIMAGTLGPPMSTDYPGGDFSVDLDVRLLTKSNFFNRELAGKEGKNFKGKTVQEAIESVFPNRNILNMDEKDCLKIIDKDIYATTPKEFIDKIKGTYAHNVIADIGTGLRGYECYLIFTNYIKKGENVHYEALEDYGLEFIPQQEITLGTTLKKNLIFWNAKTFFTHKLNVGDKVSFIDGLGKMIKTTIKETSARLSNTGECSLILKLEDDSNTKRKK

>BBN19

MDLRLGNNFELVFNNDLSLVDGIEEQKQRFLIFLKTLRGSLSYAPHWGLDYFLLLKLLKINNLHAVKNYFHEISKELNLDLINISTTIQDNKAHISFFFSGDVLNMEFNL

>BBN20

MSIVFDSDFGILKRTIKDIVRSKREYLRVNYGINIDDNQSSIYNIIASSLALIEEEIINELNLFFSKMKPGGTYWAAIEEHISSKSTTYSAVRTALLNLDEVEYTNIKSAAGKANIYLILKETLLDTSKSNINSSEFKAKLWETLYLTTPSGTLLEGDIEIDGLNSTGQRKSYKISLGKRKYVYMKVKYKLDLKNYLYLNIDSQIRDIYSRIILNNYSDMGISFEYQDFFAPVNEVKGIKFMEISACIKDTDTESITKIGDSDFKKNQDIAINDDTMLLFNTTDRLLIDIG

>BBN22

MADDQEKLLIDEEETVQIKDLNKVTTVNNTDLLLLDDGAASSNAITFKNFLDASKDKIFKGEGLDYFKQIIKSTIAEELAANTDFVETIYAKITDKLINNDSTNISNLFSKIKSRLTNSISSATLSRNDDLLIMSSSSIQKTPVPKQLLGAPSDFSHGRNFAYGPTLYSSDYKNKSITIKLEHTNNATLIFYKYKDNDPIYLDIELDAEHYSNSESKVLYLRYSDESETSMAYEQSDAPPRTI

>BBN23

MDTIKLTELLINLNEIKLIAVMIFVTVLVLGVLILLKPLLKDILTIVIGKIFKNGNGNGKNHIKKRD

>BBN24

MKLSKDNVELGLTSLSTLIDIFSKFEDEFDEIAHKGFFLVYELYSHYKLIYTANMERLESALTPAINAALAPLNEKINQCIDLVNSDEKNLKISNDLKFNQEGKPIYKERTNNAK

>BBN25

MQNNTIGLGLNLLSSLTNIAKTDTNIDHNYINTFSKVIDFFYKTYISTLKSMETAESTKIFEEIQDILKYNIEIIEAISTDKSKRIITSLKATRNKIMKEYIKILKRGENA

>BBN26

MKMLKRLHCLLIALLLCCTTIANLPEEPNPPIIPTLKSLAKYETQLSEYVIYLVTFLAKTKVKVNDPNYPEYPYPDLSALKDEHSITAVRHNINIYLEYIKKTKPIAEKVYNKYSQLKM

>BBN27

MYNMTIRENFMETVSTNIASVTQEQIYKEFIRLGMEQLIAQDLSKRYYHNELTYRDLENLEKQFDIKFDNLISKIDSVKSELNTKIDNVEKNLNLKIDGLDTKIDTVEKNLNLKIDGLDTKIDTVEKNLNVKIDSVKSELNAKIDSVKNELTAKIDNVEKNLMSLSEMLKWVLGIMGAMSITMIAGLIFAFISK

>BBN28

MKIINILFCLFLLMLNSCNSNDTNTSQTKSRQKRDLTQKEATQEKPKSKEDLLREKLSEDQKTHLDWLKTALTGAGEFDKFLGYDEDKIKGALNHIKSELDKCTGDNSEQQKSTFKEVVKGALGGGIDSFATSASSTCQAQQ

>BBN30

MQNFPNKTKIPTCHNKHQHKLISLTSTLDFLNKKDKKYTQQNILYCFNENLKRNGLAPTTLRTMQNYLYKLEKVLKVTTNYYQHMGVNCGTEIYYKLKYPKKECYQKINKYFKERKNSRFKSRVNNHFKDNVSKNSSVNSVECLNNKNNNTKEERKIKEIEKYQLRNYFNNCNFKTEEALSILYLNIDKDTKIEAINILKQNEIALIKKFNIKKSCMKEKQKKLKEILHNTRKKLEENGYNPKQLEINLQKVYENYKYKPHFIIENHKYSDLNNIKRKLEKSIERKKENSQQNYQNLKENIFNILIEQLKKETNIEILKPITKKYLNNQKKIEYNKVFGTYYLELLEIIRKQKNSLTTEEFNIKAI

>BBN31

MESAMEPIETIKKGKCKVECQNKERFILIEKENGKAMYHTKIMMDIYKFGVYEKKHEFRLSLRALFNGERIVEETHLYPIKEGDKFIGIFYGYRKPIKKPLIKYKINGTRKAYALARAYYMEFRFKAGSVFCYFKGLYRLLDKKRTNNHYNKVLFSMFADLEQQVYKFYGKKYPEQGPLIKWIIKNLK

>BBN32

MDNKKPKIITIASIKGGVGKSTSALFYGNILAKERHKVLIIDSDPQASITSYFLFKLKEQNVNVENYNLYEVFKQRKYIENCIFTVSNCLDIIPSSLELSVFNSESIPLQDNLLEKRLLTIKSKYDYVIIDTNPSLGHLLNNALVITNYLIIPINSDLWAVESIDLILDAINKVYRNDITPYFLVTGALERQNIDKEIIFNLENRYKENLIGVIPKRDDIKKVLFYRKEFSSKTDYYQEYKKSLDKMLKIK

>BBN33

MSIKNKMIITKRIDIKENMSKMESLEEIHKEEYLRLKDKLKTLTTDDIYNKIETAKILNAINQKKLYILDGYKNFYSFLADFKIAKSQAYKYIKIVSGVEKGIIDYNFIANNGIEKTIKQLESNNVIKKSRQNPIKPLRFQLKKQESYDFYKKNGKFTGFLLEELLESQTDLINKLLKKYKQLKGY

>BBN34

MRNLVHRTYDIESIKNEFLNIGFSEEAIDFVFLHNDNYNYEVLKEKIIDVEKNLQKDISSLDTKIDNVEKNLNVKIDNVEKNLNIKIDSVKNELNSKIDSLDTKIDNVEKTLQKDISSLNTKIDSVEKTLQKDIFSLDNKINVLKNELTASNRTIQVILIMGITLAPIIYSIFNKHFLN

>BBN35

MENLSNNNNPQENIQGELKMISINQQSFTGCEIFEEKSSPIKEKSKLSKIGKKLPGISSQECFRFNRNIDFSVQRNKLDKYGASEVGNILVGGAGLKDLMINRVLKYFDMSLSFEENLYMLKGKELENLGFREFVKAYGDNIDILYKNKYANGVDKYNYFKKMGSSETLVGSTIDGWFINNNGDLELLEIKSSDSNYMSSAIAEDNKNGNFLSSKYFFKYYVQAQIQLACTGLKYCNLFFLIDAAPINCKIKRDEALISKVFEFVNKCELEIINLKKDIYSNYREEYLMAHNFNEDTFIKLVEDLVERSDFYSSEVEFDWVREFIEYVDCADLEIKDNQFAENLAYDLMEIDSLQKELNRIQNENKKREKPIKDRLKMLIYNITNTYPLIEQLNYKFGEFVFTLDPKKRAISDRLKGLLPTSGTVFFPSNIAFANSVSVPM

>BBN36

MLINKIKQDNRTLRPEIQRWGCYFLCLHYYTSLFKKCEFNAYEINAAYYRFIGLGYIKSNCFIINPCMILNYYGIRSSVRYESLNYLGAANEFEISEVKIDKVNGYHFIATKNKEILYDSLDLKPRGKIFKVTSKRIFRLK

>BBN38

MNKKMKMFIVCAVFILIGACKIHTSYDEQSSGEINHTLYDEQSNGELKLKKIEFSKFTVKIKNKDNNSNWTDLGDLVVRKEENGIDTGLNAGGHSATFFSLKESEVNNFIKAMTKGGSFKTSLYYGYKYEQSSANGIQNKEIITKIESINGAEHIAFLGDKINNGVGGDKTAEYAIPLEVLKKNLK

>BBN39

MNKKTLIICAVFALIISCKNFATGKDIKQNSEGKIKGFVNKILDPVKDKIASSGTKVDEVAKKLQEEEKEELMQGDDPNGSGINPPPVLPENIHNNALVLKAIEQSDGQQEKKVEEAEAKVEENKEKQENTEENIKEKEIIDEQNKQELAKAKEEEQQKEQKRHQEEQQRKAKAEKEKREREEAEQQKRQQEEEEKRQVDNQIKTLIAKIDEINENIDVIKWQTTVGPQGVIDRITGPVYDDFTNGNNSIRETWEGLEEESEDEGLGKLLKELSDARDALRTKLNEGNKPYTGYEEPKLKESVNVSEIKEDLEKLKSKLEEVKKYLKDSSKFEEIKGYISDSQ

>BBN40

MSNSFWHFLNESFDRKHFYIHNNEIYKKITASELFY

>BBN41

MLKILFIYILSIINMHTNEISNFYDNLSEDLKKSINKLYETEQATQEQKSQMYSSYKAAQEYGIKTGKSTEEIINDIIDPTKKIIKDVLKNKYLIQKYKNSKNMQVDYSDKKGMLKKCLKKLGEYDSMIFLGAVYGILNHIYQKVSKQYQLIMINEFKDILFIRIHNYDKRIFTSDDLIKTIKDFP

>BBN42

MKRAKRSFNDYVAYFREGSLDDREISVKLGVSRVNVWRMRQKWESGETSVSEDSRVTISEDTFEHLLSQTFRSEVNARKVRSELDLERANLELGFINAFKQYSSVELVSMHTKIENLRAEIDALNKASSKKNKQVVNGEINSLKSELDEYVKECSIREMELYYECMKKLTTAHEAESKSNYKNSKGNK

>BBN43

MNLYQTKLFTTLQKEYKNKYGVDISQFVKLANSSINFDKFEEKQLTLKQKNVIKSIKKNNEKKIILSGGIASGKTYLACYLFLKSLIENKKLYSSDTNNFIIGNSQRSVEVNVLGQFEKLCKLLKIPYIPRHTNNSYILIDSLRINLYGGDKASDFERFRGSNSALIFVNEATTLHKQTLEEVLKRLRCGQETIIFDTNPDHPEHYFKTDYIDNIATFKIYNFTTYDNVLLSKGFIETQEKLYKDIPSYKARVLLGEWIASTDSIFTQINITDDYIFTSPIAYLDPAFSVGGDNTALCVMERVDDKYYAFVFQDQRPANDPYIMNMVKTVIENFNVHTLYLEDRDNTKGAGGLTREYILLRNNISQYFRIVPVKPKSNKFSRITMLITPFTYKKLYITKYSSSSVFNDIYSYKGDSKTHDDALDAISAAYLMLSLGYRERSVHFGNQRFL

>BBO01

MCDLRKTKLIDKISSLELYKYSIFFRNYIENVAEDCLKNGLVLESSDRNVSEFELARLKVQLKDALLNCIISYRFHGIGYVLVKTKDTLIDLEQPVNIELPIGFEYLDYEYVRDLGVDFDHITYKVKSNNKNNSLDAVKIHKSRLIIYENFDYILKRYVPCYTESFLLDIYLFEKIYVEIERRIENHNFLFYKDESLVQLQDALSSATTSLSALTQGNNDRGSGILSSFLRKQNSNNHSKDISNLRSLNDSLAQELARLKSNLNNEGMFYTATPSASLEVIKYDLSYLKEALALIKAKIGADTKEPLTRSFNEQAKGLGNDGKGDRSNYYDFLKGVQEQVENSCNLKLTKYFGLDMKFNSLIMLSEEQKVERDIKLIELYSKYNQLIQSSSFDNEELAILKEKLFSF

>BBO02

MTEKEEKEDLQAQDKEEQQIKADTKVISAQEFEEYMRFKEQANSKSKETSRDLSINERITKELAEVEERERIEKQLLLEAERINEIDTLAKAHLSNHFNKEVLLAKGYTLKDIMQAQRRELVRKFVPIEQIKAIAKVSDISHIDGEILEQLVSLAKVNIKLRKNASSSSSSVDSIKGNIAIKSEERASLLDSNFVPINFTEFVQAISNTYKQRRIQFYENLKRHKRTSIA

>BBO03

MSDITKIKQEFDKKVAEIQALMKNPQQDSGLLSNSIDFRDQNLIFSNSGGVCTSSKDKIENYPAKGYPYKRGVKLSFGDGTTELEVEAGGGDDLYGVCSDIDEFSGMATVIPITNNFTGYLTLKKEGQNGVNPGDKLNFNQHGELEKVTGAQKSVNAIALSKAHKLTEDLFIVLASVFGNRAIKG

>BBO04

MALKGNMQVENLEAVEDPQVDLGAQVSAAPRAKRQARQAEDAQGEDPYLEAINELDDILLKFKKYVKSMSSIENKVFGGLSSCFKSKNERVDAYSFACSSYTDKIEEYLYDPANSFPYKRGVKLVPKENSIYVEVGADTDMYGICVDVCEFSCTAYVLPITNNFEGYLVTRNPSIKIGEILDINNNGVIIKAGGGPPTAINIYALSDSFTINFAPEDGNQDQNRYPRQEYSINLIKVAIFGNRGLEKIVIPDGG

>BBO05

MGDTTQLVKEYQEKRSKLEKFMKNPQHDASLLSNSNEFRDKNVEFFASGGTRTSKFDKLENHPFLGYPYKRGVKRVIQEAQDNQSHYEPHVEAGGGEDLYGICIDIDEFSKTATIVPITNNFEGYLVAKDSTVKVKDKLVFNKDGALEKVTGAPNKATINATALSDAKQISNEVYLVKVAVFGNKAMSRN

>BBO06

MELFDENYYAKAVANIIGEVKDPIMYKWFSPDQIEDVDLQMGYQKTVKWDAFLNANPTTIANEVNTISTIGFSSEVVRLNYLKLQYKFRHLKQTSEKFYTSDSYIGDINNNLLPFAQAYKLASSEIIKLINHFVLTGTVSIQKDGKNQKRLLPNMYGLLNMPEQIKEEVASGDKDKMDKIFEKIEAGLSKLELGDEFSTPMMVIVDPATSLKLVKPYAAAQGAASSCEKWEDVLIQTIKAINNREDVYIETSNLLKHKILIYPLNSELIKFKPSKYMLPTPNEQVDKDSTDVAHSYIDFVLGGLLATRKTILQVNIKQS

>BBO07

MKMSEQESLQAQVAGEEELLVTKLHSEVLLLLGIDKFALSRQNFLLHLSLLQAILVTRGIDASSLTYEQIFLLTFYHMGCQLRKQGVVREFEFDRIKKEKFNELELDYYPSSSGGEEGGEGSCGSNKNFCSQLDAFLEKLKRETSTPSCVGVV

>BBO08

MCGGCLMNGVRKRLSDMSFRMINVFKDPQPLRFYKGTVVKLENDSSYQRVFDKNKYTEFAGVIIDIRPQELAVLYDSDMSDIQGYSKLYTYQDLNYELKDRISISDLIYFEIFSIDSSIGYFTLVLKEFIWTN

>BBO09

MDKLEFKMELEIGWFGGRAGIARMHEKGGSNLPARKHLTKIAGSSEFREYINNSYINSKFNLDPKSGMEAIGQAFIRYYGNYLLSAQVAPALKANTIKSKFKKGSNTAAIPLVDTAKMLSEITYKATLE

>BBO10

MIFTLDMVLNHLTQIFKGFKAYATENNFECDIINTYNHPYLSKITAASSNIIALKFDGTENLFNHNSRAGVFYENALEFSLNFQIYIIAIVLNAKDFDANSRMLMLYGMLSDFLHNKAHKYTLESQSQPEYISKVNFYIYPISNMQTVGLINLGTKYSNHAYSASIAFNASVKAIEILKEEYKIAARYN

>BBO11

MPQDTISVSLLDSRIQASRPNYYNPLLVYKTAKIKVNKDAANYKILNLTVNNYEKQIETLEKDNGNGQDQFGKEKTLLKTAMSNFFNSSEESLKSADLFIYKDKPEELKKYLKVHRHTFVVLINTEGDNSDDGLKIYKDDYDKFKTPSIFFVFSTKEQEIKELFKDKGNTEKERNIAVYSNNKDNLHLKFISQYLHQASIFHAVNPYGMPLAATPLVDDTVIGKLRTAKINFYSLLNETGLDGVPAFKEGVDLAGGAIDEQFTYHYIKNEAIIELIRIWNKNNRQNSKLSALQLSGARDNAYTSAIECLLKRFVDRGLIIQYKNLSLTLSPTPQLKLELSVNITYNFSINAVSLVITTQDIVDYQNSLSA

>BBO12

MQFYDLREVYFSIGGTQLHSGKLELTSEPTTRAVISSEDKGMPVISLRDPKTITYVFNIEVTLGSHDYILLTELSDEQFYNMDVRKEDKMLDLAFNDRIATKIISNYAIFTEEPSRSYSAEAEKVSFEIRAINCQKSKPNNS

>BBO13

MIMRYKMKILTKNKTYEYPLKVLPVYEWDRVLGFNQSDAVLKLNEVQYLREITSLMISPKFLDEFYVILDQNREFISYYKDYLVAIIYTAQFNTFHLDNDLKKPALVYLSEYENNVGDFVTFDYINENFDYEKVATSLSSSTSNSNELVAK

>BBO14

MIKRNRDIDKAIASLNETRKKYFNLLDEIKNDKYYFPVIMNICSYDSVKKLPYDELLEVNRLADIKLEKELYELILSK

>BBO15

MSDKFTIKFKGILDHAATKKAIEQDISKMEKYLKPKKSSLGSTKDIVKNNLSDKKKELSKQSKFESLRERVEKYRLTQTKKLMKQGMGFEKARKEAFKRSLMSDRDKRRLEYKELAKESKAKSKMLAASQGKGLVAKIAIGSALGNVIGNAVSKVGGGLIGFMYGFAKKAVENKSKEEQLKQLNKVFYSEKERENILGAIKGMKGFERKLEQQDFLRTSSVLKGHIRELKINDEEGENVLNATKLAAMFRSTGLVGDNESAVEVVSKILKGELTEAFNILKPIDKFGEKYLEAMKNKLEFLTQEGGKKKLRPEIIKDLIKDISSLNIMGHSDEVALAKSNLAKIEQNLEDVTNNVLMPVIGKISGILEKIMNLNFEQILKQIVDAITGGIKGAFDGIKNIGSSLYNTASNVVGNTYNFATGWINNTIFGKNNNNTGGDDLGNFK

>BBO16

MDINNKNIINNNLEKKKFEEKIKDVEKKEFWEITRIIRDVITQIFALFGADNFLVLFPRMDLKGFGYVPQLFFIKPKTELIARTYNTSCSKRPVINYYDRKAEYVSYNPVMIGENISLNGGVLTSLYKEMLSLLKMTVFGNTMLRFDVHLAKEQLANRIQAQVPFSIYSPTFGLKELAVITSLSFKDVPFIDEVEVSLSIEIVKTFELEKYKG

>BBO17

MLLLQYDFKIEFYKAKQSLEKDTSSGDSLIEETPKIIINTQHGIHIDITISNEFSNYNFVKSKRTKIVLWNLPLDFTNDIEVGDIVKIHYKKFAHEKNFDFIMSGYLGTPMSTDYPGGDFSVELDVRLAISSNFFDRKLENKNFKGKTVQEAIESVFPNRNIINMDKEDRLKIIEKDIYATTPKEFVDKIKGIYIHDVIADVGGDSFDVECNFIFTNDITTEADENYKALEDYGLEFIPQQEIAIEGEYKIKRVYWNAQTFYTHKLKIGDKVSFIDGLGKMIKTTIKETSARLSNAGECSLILKLKDDSDDSD

>BBO18

MHKVKGIKMTKDYKIYRMNQRLYGHALAQEDVKNWIYSNIFIIKIGTVKEFKQQTQEAIVTIPEFEDLEIHTKNISNISLELSKGDNVLLLQSSVNIFDKNNDIHFDKHHFYILSAISPKTLNLISDTVKIKANNKIEIANEITSLKSILESIVSAINGITVKGQAVVDYASLQIATSRISNNINSLFK

>BBO19

MDLRLGNNFELVFNKDISLVDGIDEQKQRFLIFLKTLRGSLSYAPHWGLDYFLLLKLLKINNLHAVKNYFHEISKELNLDLINISTTIQDNKAHISFFFSGDVLNMEFNL

>BBO20

MSIVFDSDFGILKRTIKDIVRAKREYLRVNYGINIDDNQSSIYNIIASSLALIEEEIINELNLFFSKMKPGGTYWAAIEEHISSKSTTYSAVRNALLNLEGVEYTNIKSAAGKANIYLILKETLLDASKSTINSSEFKAKLWETLYLTTPSGTLLEGDIEIDGLNSTGQRKSYKISLGKRKYVYMKVKYKLDLKNYLYLNIDSQIRDIYSRIISNNYSDMGISFEYQDFFAPVNEVKGIKFMEISACIKDTDTESIAKITDSDFKKNQDITITDDTMLLFNTTDRLLIDIDS

>BBO21

MKIPNLFNGTEVHKFILTETEYAQALLNELKSLNSNFLSINVIENIKSRYIAIWISQVLSIFYAKTQTLQSITSNINSVIFALRHIGTDESFRLIFKAFLNVDIEVTTPEAGVIDISLKGVIKTNFTTFISPSTKKGKRLKKIILREKKPGYAASKKALVFNSLPKGYDHSIYAFIKRIIPIGRVLKINNTDGNNIITFNN

>BBO22

MADDQEKLLIDEEETVQIKDLNKVTTVNDTDLLLLDDGAASSNAITFKNFLDASKDKIFKGEGLDYFKQIIKSTIAEELAADKDFVEKIYAKITDKLINNDSTNISNLFSKIKSRLTDSISSATLSRSDHLLIMPSSDTIQKTPVPKHILGVPSNLAYGSITRSTTLYPSDYENNAIFINMEDNDDVTLIFSKSYDNSPVYLDIEIQVKINDNRMQKKSLKLQYSDETTYNRVYEIAGPRGLFTRIPIYKGWYVQKRASLYGDPVPDLLKL

>BBO23

MDTIKLTELLINLNEIKLIAVMIFVTVLVLGVLILLKPLLKDILTIVIGKIFKNGNGNGKNHIKKRD

>BBO24

MKLSKDNVELGLTSLSTLIDIFSKFEDEFDEIAHKGFFLVYELYSHYKLIYTANMERLESALTPAINAALAPLNAKINTVIDLVNSNDKNLKISNDLKFNKDGKPIYKERANNAKEHY

>BBO25

MQKNTIELGLNLLSSLTNIAKTDTNIDHNYINTFSKVIDFFYKTYISTLKSMETAESTKIFEEIKDILKYNIEIIEAISYDKNKKIITSLKAKRNKIMKEYIKMLKRSENA

>BBO26

MKMLKRLHCLLIVLLLCCTTIANLPEEPKPPIIPTLKSLAKYETQLSEYVMYLVTFLAKTKVKVNDPNYPEYPYPDLSTLKDEHSITAVKHNINIYLEYIKKTKPIAEKVYNKYSQLKM

>BBO27

MYNMTIRENFMETVSTNIASVTQEQIYKEFIRLGMEQLIAQDLSKRYYHNELTYRDLENLEKQFDIKFDNLISKIDSVKSELNTKIDNVEKNLNLKIDSLDTKIDTVEKNLQKDISNLDIKIDAVEKNLHVKIDAIKSELNTKIDNVEKNLNAKIDTVEKNLNTKIDNVEKNLMSLSEMLKWVLGIMGAMSITMIAGLIFAFISK

>BBO28

MKIINILFCLFLLMLNGCNSNDTNTKQTKSRQKRDLTQKEATQEKPKSKSKEDLLREKLSDDQKTQLDWLKTALTGVGKFDKFLENDEGKIKSALEHIKTELDKCNGNDEGKNTFKTTVQGFFSGGNIDNFADQATATCN

>BBO29

MLYTYIYYYKRSKKMENLSNNNNQEIQNNIQAKISFRKDMKTLKMNLPGIDKSLKGYGYKYQNFNEIVREIKNVIKKHNLELDIEQYPISIEGQYGIVDYIRTTFYSTSTGYEFSFDTRIPTENLQWNNENGSKVTNTVYQMFGSGITYVKRYALVAALGIESEIDTDAAPIYNNHENENSMPSKQSSVNQKQEQKREQKQEINQIQKNNTIQNQKRDIKQEQKKDRLYYYGVFKEALSNIKDWVNSPTTKDNINSIIQKISFIQNIDSNNFDDIKKIESDLILYFEKNSDFKSVNYWAEIIKNYFKKNNRLKDLQDFEKFVSFKRTAYGPSPLIFFSILKEYERFDEIFAA

>BBO30

MKGFPKNTKSPTCHNKHQHKLISLTSTLDYLNKKDKKYNQKNILYYYNENLKRNGLAPTTLRTMQNYLYKLEKVLKVTTNYYQHMGVNCGTEIYYKLKYPKKECYQKINKYFKERKNSRFKSRVNTHFKDNVSKNSSVNSVECLSNKNNIKEERKIKEIEKYQLRNYFNNCNFKTEEALSILYLNIDKDTKIEAINILKQNEIALIKKFNIKKSCMKEKQKKLKEILYNTRKKLEENGYNPKQLEINLQKVYENYKYKPHFIIENHKYSDLNNIKRKLEKSIERKKENSQQNYQNLKENIFNILIEQLKKETNIEILKPIVKEYLNNQKKIEYNKVFGTYHLELSEIIKNEKNSLTTEEFSIKAV

>BBO31

MESAPEPIETVKKGKCKVECQNKERFILIEKENGKAMYHTKIMMDIYKFGVYEKKHEFRLSLRALFNGERIVEETHLYPIKEGDKFIGIFYGYRKPIKKPLIKYQINGARKAYALARAYYMEFRFKAGSVFCYFKGLYRLLDKKRTNNHYNKVLFSMFTDLEQQVYKFYGKKYPEQGPLIKWIIKNLK

>BBO32

MDNKKPKIITIASIKGGVGKSTSAIIFTTLLSQDWKVLLIDMDTQASVTSYFYKKIIEDNFNLLEKNIYEVLKGNVLIDNSVINISNNLDLIPSYISLHKFNKEAITFKEIKLQKQLLNLQSNYDYIIIDTNPSLDYTLTNALVCSDYIIVPITAEKWAVESLELLKFSISDLAIDIPIFLIITRFKKNNTHKALFSSLKDNKNFLGLIYEREDLNKKIAKNDLFNLNRDYMLEYKNILSKFITIIMSR

>BBO33

MIAILNERSPYMEIILNKRNLEVLNEAEEHYKKLKQRLKSSFQQEIYYKMEVIKILKEIKDNEYYKLDGYRTFEDFIKDYHLARSQAYDYLKIANAIKDGILEEAYVIENGVTKTLEFLRKSPNVLKKSKQNPIKPLRFQLKSQESYDFYKSNAKFTGYLLDKLFNNEKEMIKKIMKEYKQLKG

>BBO34

MTNLAYRTYNIESIKNEFLNIGFSEEAIDFVFLHNDNFNFEFLKEKIIDLEKNLRKDISNLDIKIDTVEKSLNLKIDTIEKSLNLKIDFVEKSLNAKIDSLDTKINNVEKTLQKDISSLDTKIDSVKNELNSKIDSIEKTLQKDISSLDNKIDVLKNELNASNRTIQVILIMGITLAPIIYSIFNKYFFN

>BBO35

MFLLKNLNQDYSILFKKYAIYSLNILKNFNHSQLKKYLLNIE

>BBO36

MLYTYIYYYKRSKKMENLSNNNNPQENIQGELKMISINQQSFTGCEIFEEKSSPIKEKSKLSKIGKKLPGISSQECFRFNRNIDFSVQRNKLDKYGASEVGNILVGGAGLKDLMINRVLKYFNMSLPFEENLYMLKGKELENLGFREFVKAYGDNIDILYKNKYANGVDKYNYFKKMGSSETLVGSTIDGWFINNNGDLELLEIKSSDSNYMSSAIAEYNKNGNFLSSKYFFKYYIQAQMQLACTGLEYCNLFFLIDAAPINCKIKRDEALISKVFEFVNKCELEIINLKKDIYSNYREEYLMAHNFNEDTFIKLVEDLVERSDFYSSGVEFDWAREFIEYVDCADLEIKDNQSAENLAYDLMEIDSLQKELNRIQNENKKREKPIKDRLKMLIYNITNTYPLIEQLNYKFGEFVFTLDPKKRAISDRLKGLLPTSGTVFFPSNIAFTNSVSVPM

>BBO37

MLINKIKQDNRTLRPEIQKWGCYFLCLHYYTSLFKKREFNAYEINAAYYRFIGLGYIKSNCFIINPCMILNYYGIRSSVRYESLNYLGAANEFEISEVKIDKVNGYHFIATKNKEILYDSLDLKPRGKIFKVTSKRIFRLK

>BBO38

MDINNYFNLNNFNMDFMLKLFQDYQNVVNENKILKNSLKISSKPTKKASKPTPKFYLTSKSSKIIEKCVKTLKQTDPISGWFLHLLAISGCRGAEIQKVKMQDITPLLSKTGETFYNIKVNVAKKRNITCIREIVIKSEEFEAIQKAHENYFNDKNLDSRRTYLFQKTKHKFKDNQISIINISKKFKILLKKSGFRANKSLHLFRNLFISNLKSNGYNSFQIKELMKYHSTNEIDNIYGLSAANKIHAYKCMKNNLKL

>BBO39

MNKKMKMFIICAVFALMISCKNYASGENLKNSEQNLESSEQNVKKTEQEIKKQVEGFLEILETKDLSKLDEKDTKEIEKQIQELKNKIEKLDSKKTSIETYSEYEEKINKIKEKLKGKGLEDKFKELEESLAKKKGERKKALQEAKQKFEEYKKQVDTSTGKTQGDRSKNRGGVGVQAWQCANELGLGVSYSNGGSDNSNTDELANKVIDDSLKKIEEELKGIEEDKKE

>BBO40

MNKKILIIFAVFALIISCKNYATGKDIKQNAKGKIKGFLDKVLDPAKDKITSSSSKVDELAKKLQEEDEDNELMQGDDPNNRAIALLPVLPENSHDNPPVPKVKAAAQSGGQQEDQKAKESKDKVEEEKEVVEEKKEEQDSKKEKVEKQSQKQKEEERNSKEEQQKQEEAKARADREREERLKQQEQKRQQEEARVKAEKEKQEREEQQKQEEEKKVKYKIKTLTDKIDEINKDIDGINGKTIVGAEEVIDKITGPVYDDFTDGNKAIYKTWGDLEDEEGEELGKLLKELSDTRHNLRTKLNEGNKAYIVLEKEPNLKENVNVSDIQSDLEKLKSGLEEVKKYFENEDNFEEIKGYIEDSNSY

>BBO41

MNENFYRKHFYIHNNEIYKKIAASLKNNQLLFCVYKI

>BBO42

MFKILFIYILSRVMMNINEISDFYDCLSPGTKKEISKLYGVKQLTLKQKKDFYRGFVSIQEYKRKTGKSIDEIADYIIDPAKNFIKDVLKDKHIIEKYKNFQNRKFDCSYKKGMLEKCLEKMGEKYSTRFLSIVSNIMDEIGNKDPERESINVVLDFVEILFIIMHYYDKGICTRKYLLKTIKDFSKLV

>BBO43

MKKVKRPFDDYVVYFREGSLNDREIADKLGVSKVNVWRMRQKWESGESVVNQDSRLTISEDTLEHLLSQTFKSEVNARKVISELDIECANLKLGFIRAFKQYSSVELTGMRTKIENLRAEIDALNKASSKKNKQVVNGEINSLKSELDEYIKECSIREMELYYECMKKLTTANEAESKSNYKNSKGHK

>BBO44

MNLYQTKLFTTLQKEYKNKYGVDISQFIKLTNSSINFDKFEEEQLTLKQKNVIKSIKKNNEKKIILSGGIASGKTYLACYLFLKSLIENKKLYSSDTNNFIIGNSQRSVEVNVLGQFEKLCKLLKIPYIPRHTNNSYILIDSLRINLYGGDKASDFERFRGSNSALIFVNEATTLHKQTLEEVLKRLRCGQETIIFDTNPDHPEHYFKTDYIDNIATFKTYNFTTYDNVLLSKGFIETQEKLYKDIPSYKARVLLGEWIASTDSIFTQINITNDYVFTSPIAYLDPAFSVGGDNTALCVMERVDDKYYAFVFQDQRPANDPYIMNMVKTVLENFNVHTLYLEDRDNTKGAGGLTREYMLLRNNMGQYFRIVPVKPKSNKFSRITTLITPFTYKKLYITKYSSSSVFNDIYSYKGDNKTHDDALDAISAAYLMLSLGYRERSVHFGNQRFL

>BBP01

MCDLRKTKLIDKISSLELYKYSIFFRNYIENVAEDCLKNGLILESAAHNVSEVELARLKVQLKNALLNCIISYRFHGIGYVLVKTKDTLIDLEQPVNIELPIGFEYLDYEYVRDLGVDFDHITYKVKSNNKNNSLDAVKIHKSRLIIYENFDYILKRYVPCYTESFLLDIYLFEKIYVEIERRIENHNFLFYKDESLVQLQDALSSATTSLSALTQSNNDRGSGILSSFLRKQNSNNHSKDISNLRNLNDSLSQELARLKSNLNNEGMFYTATPSASLEVIKYDLSYLKEALALIKAKIGADTKEPLTRSFNEQAKGLGNDGKGDRSNYYDFLKGVQEQVENSCNLKLTKYFGLDMKFNSLIMLSEEQKVERDIKLIELYSKYNQLIQSSSFNNEELAMLKEKLFSF

>BBP02

MTEKEEKEDLQAQDKEEQQIKADTKVISVQEFEEYMRFKEQANSKSKETSRDLSINERITKELAEVEERERIEKQLLLEAERINEIDTLAKAHLSNHFNKEVLLAKGYTLKDIMQAQRRELVRKFVPIEQIKAIAKVSDISHIDGEILEQLVSLAKVNIKLRKNASSSSSSVDSIKGNIAIKSEERASLLDSNFVPINFTEFVQAISNTYKQRRIQFYENLKRHKRTSIA

>BBP03

MSDITKIKQEFDKKVAEIQALMKNPQQDSGLLSNSIDFRDQNLIFSNSGGVCTSSKDKIENYPAKGYPYKRGVKLSFGDGTTELEVEAGGGDDLYGVCSDIDEFSGMATVIPITNNFTGYLTLKKDGQNGVNPGDKLNFNQHGELEKVTGAQKSVNAIALSKAHKLTEDLFIVLASVFGNRAIKG

>BBP04

MALKGNMQVENLEAVEDPQVDLGAQVSAAPRAKRQARQAEDVQGEDPYLESISELDDVLLKFKKYSKSMSSIENKVFSSSSGCFKSKNERVDAYSFACSSYTDKIEEYLYDPANSFPYKRGVKLVPKENSIYVEVGADTDMYGICVDVCEFSCTAYVLPITNNFEGYLVTRNPSIKIGEILDINNNGVIIKAGGGPPTAINIYALSDSFTINFAPEDGNQDQNRYPRQEYSINLIKVAIFGNRGLEKTVNPDGG

>BBP05

MGDTTQLVKEYQEKRSKLEKFMKNPQHDASLLSNSNEFRDKNVEFFASGGTRTSKFDKLENHPFLGYPYKRGVKRVIQEAQDNQSHYEPHVEAGGGEDLYGICIDIDEFSKTATIVPITNNFEGYLVAKDSTVKVKDKLIFNKDGALEKVTGAPNKATINATALTDAKQISNEVYLVKVAVFGNKAMSRN

>BBP06

MGGFNMELFDENYYAKAVANIIGEVKDPIMYKWFSPDQIEDVDLQMGYQKTVKWDAFLNANPTTIANEVNTISTIGFSSEVVRLNYLKLQYKFRHLKQTSEKFYTSDSYIGDINNNLLPFAQAYKLASSEIIKLINHFVLTGTVSIQKDGKNQKRLLPNMYGLLNMPEQIKEEVASGDKDKMDKIFEKIEAGLSKLELGDEFSTPMMVIVDPATSLKLVKPYAAAQGAASSCEKWEDVLIQTIKAINNREDVYIETSNLLKHKILIYPLNSELIKFKPSKYMLPTPNEQVDKDSTDVAHSYIDFVLGGLLATRKTILQVNIKQS

>BBP07

MKMSEQESLQAQVAGEEELLVTKLHSEVLLLLGIDKFALSRQNFLLHLSLLQAILVTRGIDASSLTYEQIFLLTFYHMGCQLRKQGVVREFEFDRIKKEKFNELELDYYPSSSGGEEGGEGSCGSNKNFCSQLDAFLEKLKRETSTPSCVGVV

>BBP08

MCGGCLMNGVRKRLSDMSFRMINVFKDPKPLKFYKGTVVKLENDSSYQRVFDKTKYIEFAGVIIDIKPQELAILYDSDMSDIQGYSKLYTYQDLNYEPKDRISIADLVYFEIFSIDSSIGYFTLVLKEFIWTN

>BBP09

MDKLEFKMELEIGWFGGRAGIAKMHEKGSSNLPARKHLTKIASSSEFREYINNSYINSKFNLDPKSGMEAIGQAFIRYYENYLLSAQVTPALKANTIKSKFKRGSNTAAIPLVDTAKMLSEITYKVTLE

>BBP10

MIFTLDMVLNHLTQIFKGFKAYATENNFECDIINTYNHPYLSKITAASSNIIALKFDGTENLFDHNYRAGVFYENALEFSINFQIYIIAIVLNAKDFDANSRMLMLYSMLSDFLHNKAHKYNLPSLQPDYINKINFYIYPTSNMQTVGLINLGTKYSNHAYSASIAFNASVKAIEILKEEYEIAARYN

>BBP11

MPQDTISVSLLDSRIQASRPNYYNPLLVYKTAKIKVNKDAASYKILNLTVNNYEKQIETLEKENGNGEDQFGKEKTLLKTAMSNFFNSSEESLKSADLFIYKDKPEELKNYLKVHRHTFVVLINTEGDASDDGLKIYKDDYNKFKKPSTFFVFSTKEQEIKELFKDKGNTEKERNIAVYSNNKDNLHLKFISQYLHQASIFHAVNPYGMPLAATPLVDDTVIGKLRTAKINFYSLLNETGLDGVPAFKEGVDLAGGAIDEQFTYHYIKNEAIIELIRIWNKNNRQNSKLSALQLSGARDNAYTSAIECLLKRFVDRGLIIEYKNLRLTLSPTPQLKLELSVNITYNFSINAVALVITTQDIVDYQNSLSA

>BBP12

MQFYDLREVYFSIGGTQLHSGKLELTSEPTTRAVISSEDKGMPVISLRDPKTITYVFNIEVTLGSHDYILLTELSDEQFYNMDVRKEDKMLDLAFNDRIATKIISNYAIFTEEPSRSYSAEAEKVSFEIRAINCQKSKPNNS

>BBP13

MIMRYKMKILTKNKTYEYPLRVLPVYEWDKVLGFNQSDAVLKLNEVKYLREITSLMISPKFLDEFYVILDQNREFISYYKDYLVAIIYTAQFNTFHLDNDLKKPALVYLSEYENNVGDFVAFDYINENFDYEKVATSLSSSTSNSNELVAK

>BBP14

MNKRNRDIDKAIASLDETRKKYFNLLDEIKNDKYYFPVIMNICSYDSVKKLPYDELLEVNRLAEIKLEKELYELILSK

>BBP15

MSDKFTIKFKGILDHAATKKAIEQDISKMEKYLKPKKSSLGSTKDIVKNNLSDKKKELSRQSKFESLRERVEKYRLTQTKKLIKQGMGFEKARKEAFRRSLMSDRDKRRLEYKELAKESKAKSKMLAASQGKGLVAKIAIGSALGNIISNAMSKVGGGLLGFAKKAVEEDTKTKRTQLLNKAFYGDPKEKEGLLKIIGGMKGFERDLEKEEFLNQASVFKGTLRDLDMLNETNLKNAVEFAAMLKSSGAMSSEDAVKAVNSVLGGDGSELFDLLKKSGVGDKYIEDAKMAWQSGAQVDLESRITKMMEMFEDFKSFGLTKKVNNAESIQSNLASAEQTLQNLTTTVLDPLLDLINKITNYFKDFAFETHIINPIINGIKSIFNLNYFFAKLKSMLPGWMGGDEGAALKKLQEEIQNQDNANSTP

>BBP16

MTSNKKIANNAANKIDINNKITNNHDIEKKKIKEKINDIEKKEIREITRIIRDVITQIFALFGADNFLVLFPRMDLKGFGYIPQLFFIKPKNELITRTYNTSCSKRPVINYYDRKAEYVSYNPVMTGEHISLNGGILTSLYKDMISLLKMTVFGNTMLRFDAHLVKEQLANRIQAQVPFSIYSPTFGLKELAVITSLSFKDTPFIDEVEVSLSIEIVKTFALEKYKG

>BBP17

MLLLQYDFKIEFYNVDTSKKSPDGIPFAEEIPKIIINTQDGIHIDISISNVYSNIHTISSKQAKVVLWNLPLDFTDDIKFGDIVKIYYKKFAHEKNFDFIMAGTLGPPMSTDYPGGDFSVDLDVRLLTKSNFFNRELAGKEGKNFKGKTVKEAIESVFPNRNILNMDEKDCLKIIDKDIYATTPKEFIDKIKGTYVHNVIADIGTGLRGYECYLIFTNYIKKGENVHYEALEDYGLEFIPQQEITLGTTLKKNLIFWNAKTFFTHKLNVGDKVSFIDGLGKMIKTTIKETSARLSNTGECSLILKLEDDSNTKRKK

>BBP18

MNEDYEIYRMNQRLYGQALAQEDLKNWIYSNIFIIKIGTVKEFKHQTQEAIVTIPEFEDLEIHTKNISNISLELSKGDCVLLLQSSINIFDKNNDIHFDKHHFYILSAISPKTLNLISDTVKIRANNKIEIANQTTSLKKILDNIVSAINGIKIIGDSVIDESSLKIATAQINSDINSLFK

>BBP19

MDLRLGNNFELVFNNDLSLVDGIDEQKQRFLIFLKTLRGSLSYAPHWGLDYFLLLKLLKINNLHAVKNYFHEISKELNLDLINISTTIQDNKAHISFFFSGDVLNMEFNL

>BBP20

MSIVFDSDFGILKRTIKDIVRAKREYLRVNYGINIDDNQSSIYNIIASSLALIEEEIINELNLFFSKMKPGGTYWAAIEEHISSKSTTYSAVRNALLNLDGIEYTNIKSAAGKANIYLILKETLLDTSKSNINSPEFKAKLWETLYLTTPSGTLLEGDIEIDGLNSTGQRKSYKISLGKRKYVYMKVKYKLDLKNYLYLNIDSQIRDIYSRIISNNYSDMGISFEYQDFFAPVNEVKGIKFMEISACIKDTDTESITKIGDSDFKKNQDIAINDDTMLLFNMTDRLLIDIG

>BBP21

MKIPNLFKNTEIHKFIRTETEYAQALLNELKSLNSNFISINVIENIKSRYIAIWISQVLSIFYAKTQTLQSITSNINSVIFALRHIGTDESFRLIFKTFLNVDIEVTTPEAGVIDISLKGVIKTNFTTFISPSTKKGKRLKKIILREKKPGYAASKKALVFNSLPKGYDHSIYAFIKRIIPIGRVLKINNTDGNNIITFNN

>BBP22

MADDQEKLLIDEEETVQIKDLNKVTTVNDTDLLLLDDGAASSNAITFKNFLDASKDKIFKGEGLDYFKQIIKSTIAEELAADKDFVEKIYAKITDKLINNDSTNISNLFSKIKSRLTDSISSATLSRSDHLLIMPSSDTIQKTPVPKHILGVPSNLAYGSITRSTTLYPSDYENNAIFINMEDNDDVTLIFSKSYDNSPVYLDIEIQVKINDNRMQKKSLKLQYSDETTYNRVYEIAGPRGLFTRIPIYKGWYVQKRASLYGDPVPDLLKL

>BBP23

MDTIKLTELLINLNEIKLIAVMIFVTVLVLGVLILLKPLLKDILTIVIGKIFKNGNGNGKNHIKKRD

>BBP24

MKLSKDNVELGLTSLSTLIDIFSKFEDEFDEIAHKGFFLVYELYSHYKLIYTANMERLESALTPAINKALAPLNEKINQCIDLVNSDEKNLKISNDLKFNQEGKPIYKERTNNAK

>BBP25

MQNNTIGLGLNLLSSLTNIAKTDTNIDHNYINTFSKVIDFFYKTYISTLKSMETAESTKIFEEIKDILKYNIEIIEAISYDKNKKIITSLKAKRNKIMKEYIKMLKRSENA

>BBP26

MKMLKRLHCLLIVLLLCCTTIANLPEEPKPPIIPTLKSLAKYETQLSEYVMYLVTFLAKTKVKVNDPNYPEYPYPDLSTLKDEHSIPAVKHNIKIYLEYIKKAKPIAEKVYHQYSKLKM

>BBP27

MRNKNIFKLFFAAMLFVMACKAYVEEKKEIDSLMEDVLALVNDSSGGKFKDYKDKINELKENLKDIGNAELKEKLLNLQNSFQDKLAAKLAALKAAKNTIENITDKDQDISKRKIWSEAKLVGVTVPLLGSNTSGNGDKMSKNAVEQIDKVIKFLEEGTN

>BBP28

MKIINILFCLFLLLLNSCNSNDNDTLKNNAQQTKSRGKRDLTQKEATPEKPKSKEELLREKLSEDQKTHLDWLKEALGNDGEFDKFLGYDESKIKTALDHIKSELDKCNGNDADQQKTTFKQTVQGALSGGIDGFGSNNAVTTCGNGS

>BBP29

MENLSNNNQEIQNNIQAKISFRKDMKTLKMNLPGIDKSLKGYGYKYQNFNEIVREIKNVIKKHNLELDIEQYPISIEGQYGIVDYIRTTFYSTSTGYEFSFDTRIPTENLQWNNENGSKVTNTVYQMFGSGITYVKRYALVAALGIESEIDTDAAPIYNNHENENSMPSKQVSVNQKQEQKREQKQEINQIQKNNTIQNQKRDIKQEQKKDRLYYYGVFKEALSNIKDWVNSPTTKDNINSIIQKISFIQNIDPNNFDDIKKIESDLISYFEKNSDFKSINYWAEIIKNYFKKNNRLKDLQDFERFMGLKRPIYGPSPLIFFSILKEYERFDEIFAA

>BBP30

MKGFSNTTKNPTCHNKHQHKLIYLASTLDFLNKKDKKYTQQNILYYYNENLKRNGLAPTTLRTMQNYLYKLEKVLKVTTNYYQHMGVNCGTEIYYKLKYPKKECYQKINKYFKERKNSRFKSRVNNHFKDNVSKNSSVNSVECLSNKNNIKEERKINEIEKYQVIKYFNKSNFLCKEILPFLLTLNVDKDTMIKIIKNIKRVENKLLKNTNLNKSCFKEKQEKLKKILNNTQKEFEQNGYNPEQLKTNLQKVYENYKFKPHFIIERHKYNDLNNIKRKLEKAIEREKQNSQQNYQNLKENIFNILIEQLKKETNIEILKPIIKKYLNNQKKIEYNKVFGIYHLELSEIIKNEKNSLTTEEFSIKAV

>BBP31

MENAPEPIETVKKGKCKVECQNKERFILIEKENGKAMYHTKIMMDIYKFGVYEKKHEFRLSLRALFNGERIVEETHLYPIKEGDKFIGIFYGYRKPIKKPLIKYQINGTKKAYALARAYYMEFRFKAGSVFCYFKGLYRLLDKKRTNNHYNKVLFSMFTDLEQQVYKFYGKKYPEQGPLIKWILKNLK

>BBP32

MDTKKPKIITIASIKGGVGKSTSAIILATLLSKDNKVLLIDMDTQASVTSYFYKTLVESEFDLLEKNIYEVLKGNQLINDAIINVDHNFDLLPSYLSLHTFSEEPLPYKEHRLKDSFKYLKFKYNFIILDTNPHLDSTLSNALVVSKHVIVPMTAEKWTIESLQLLEFFTDKLKLKPKVFLFVTKFKKNKTHKDLLEMLQKKEKFLGIISEREDLNRRIAKNDRFDLDKDYIKEYVNVLNNFILKI

>BBP33

MSDSWMNFFNKKDRRLIMDVGIKINDRVISKKEIKKELSNKDEILKHYNLLKERLKSNFQKEIYNKIESMKILKEIKDNEYYKLDGYKSFDAFIKDYKLAKSQTYEYLKIASAIENGVIEELFLLENGIKETIIFLRNSNSDTVKKSKQNPIKPLRFQLKSKESYDFYKSNAKFTGFLLDELFESQKDLINKFLRRYKQLKG

>BBP34

MTNLAYKTYNIESIKNEFLNIGFSEEAIDFVLLHNENYSFEVLKEKLINVEKNLQKDISSLDIKIDTVEKNLQKDISNLDIKIDAVEKNLQKDISNLDIKIDNVEKNLKKDISSLDTKIDVVEKNLNLKIDFVEKSLNAKIDSLDVKIDNVNNKVDYIKSELIAKIDSVEKGLNEKLNTGNRLIHFMILTAAILGPVLNALFMRYLQYIK

>BBP35

MENLSNNNNPQENIQGELKMISVNQQSFTGCEIIEEKSSPIKEKSKLSKIGKKLPGISSQECFRFNRNIDFSVQRNKLDKYGASEVGNILVGGAGLKDLMINRVLKYFRMSLPFEENLYMLKGKELENLGFREFVKAHGDNIDILYKNKYANGVDKYNYFKKMGSSETLVGSTIDGWFINNNGDLELLEIKSSDSNYMSSAIAEYNKNGNFLSSKYFFKYYIQAQMQLACTGLEYCNLFFLIDAAPINCKIKRDEALISKVFEFVNKCELEIINLKKDIYSNYREEYLMAHNFNEDTFIKLVEDLVERSDFYSSGVEFDWAREFIEYVDCADLEIKDNQSAENLAYDLMEIDSLQKELNRIQNENKKREKPIKDRLKMLIYNITNTYPLIEQLNYKFGEFVFTLDSKKRAISDRLKGLLPTSGTVFFPSNIAFTNSVSVPM

>BBP36

MLINKIKQDNRTLRPEIQKWGCYFLCLHYYTSLFKQCEFNVYEINAAYYRFIGLGYIKSNCFIINPCMILNYYGIRSSVRYESLNYLGAANEFEISEVKIDKVNGYHFIATKNKEILYDSLDLKPRGKIFKVTSKRIFKLK

>BBP37

MNTNNYFNLNNFNMDFMLKLFQDYQNVLNENKILKNSLKISSKPTKKASKPTPKFYLTPKAIKIIEKCVKILKKIDPISGWFLHLLAISGCRGAEIQKVKMQDITPLLNKTGETFYNIKVNIAKKRNVTCIREIVIKSEEFEAIQKAHENYFNEKNLDSRRTYLFQKTKHKFKDNQIDIINISRKFKNLLKKSGFRANKSLHLFRNLFISYLKSNGYNSFQIKELMKYHSTSEIDNIYGLSAANKIHAYKCMKNNLKL

>BBP38

MNKKMKMFIICAVFILIGACKIHTSYDEQSNGEVKVKKIEFSEFTVKIKNKNNSNNWADLGDLVVRKEKDGIETGLNAGGHSATFFSLEEEEINNFIKAMTEGGSFKTSLYYGYNDEESDKNVIKNKEIKTKIEKINDTEYITFLGDKINNSAGGDKIAEYAISLEELKRNLK

>BBP39

MNKKTIIICAVFALILSCKNYAIKDLEQNAKGKIKGFIDKALDPAKDKITSSSSKVDELARKLQEEDKIKGVEENNKDELMQGDDPNSGVINSSPVLPENSQDNTPILKAAEQSDGQQEEKVKKVEESEAKVEGKEEKQENTEERNKQELAKQEEEQQKRKAEQEKQKREEEQERQKREEEQERKAKAEKEAKEKAERQKQEEQQKRKAEKEREEQRKEAEKRQVDNEIRTLTGKIDEINRNIDVIKEQTSVGAQGVIDRITGPVYDDFTDGNKAIYKTWGDLEDDNDEGLGKLLKELSDTRHNLRTKLNEGNKAYIIDTRSTEPQLKENVSVSEIKSDLDELKSKLEEVKEYLEDKDNFEEIKEYVAGSEDNYDEED

>BBP40

MLKILFIYILSRVMMNINEISDFYDNLYKRTKKEIDKLINKLYLTSQITLKQKRQIYSAVEKMQKYVIKTGKSVFLESEKEFVKDTLKRKNLTKKFQSFKVDFSYKEGMLEKCLERLGEDKSIEFLIFVCQILNGIREKVSELDFQIDAIKEFRDILFLSIHYYDKRLFTSKNLMNEMKYFFEKVELIYSYMQ

>BBP41

MKKVKRSFDDYVAYFREGSLSDVEIAKKLGVSKVNVWRMRQKWESGESVVNGDSRVTISEDTFEHLLSQTFRSEVNARKVRSELDVERSNLELGFINAFKQYSSVELFSMHTKIENLRAEIDALNKASSKKNKQVVNGEINSLKSELDEYIKECSIREMELYYECMKKLATVNGAESKSNYKNSKGHK

>BBP42

MNLYQTKLFTTLQKEYKNKYGVDISQFVKLTNSSINFDKFEEEQLTLKQKNVIKSIKKNNEKKIILSGGIASGKTYLACYLFLKSLIEIKKLYSSDTNNFIIGNSQRSVEVNVLGQFEKLCKLLKIPYIPRHTNNSYILIDSLRINLYGGDKASDFERFRGSNSALIFVNEATTLHKQTLEEVLKRLRCGQETIIFDTNPDHPEHYFKTDYIDNIATFKTYKFTTYDNVLLSKGFVETQEKLYKDIPSYKARVLLGEWIASTDSIFTQINITDDYVFTSPIAYLDPAFSVGGDNTALCVMERVDDKYYAFVFQDQRPANDPYIMNMVKTVIENFNVHTLYLEDRDNTKGAGGLTREYILLRSNISQYFRIVPVKPKSNKFSRITTLITPFTYKKLYITKYSSSSVFNDIYSYKGDNKTHDDALDAISAAYLMLSLGYRERSVHFGNQRFL

>BBQ01

MTKYIAILVARFKKDAEICISCGVRNKQTENYNKLIVFLLCLLFGYLGVHRFYVGKIGTGLLYLFTFGFLYVGVLIDLIRITTNKFKCN

>BBQ02

MRKGKIGICLLVIEKSILVGLLMFNKIVIR

>BBQ03

MRILVGVFIIAALALLGCYLPDNQEQAVQTFFENSESIDMGSDEIVTEGIFSSLKLYASEHRLLVEIKKTLISLKDPNYRDVPPVRDYNEEYFNKFFLDLGSEQSKDLIKLFGRVKNEQNNKFKSEVYWLYSCISELYSPDIKYSGEEGSPEYDRFMPRPTAYQQYLKVKREIERNTINGKIL

>BBQ05

MKYYICVCVFLLLNACNSDFSTNQEDIKYPSDKEKSKSNMEASSKEEDPNKKIKNTLLNDLINLIEIANEHKEKYEKRMQEEPSDQYGILAFQELDLSVGKISEDTPQSKKFRKNTYSPLSAIDVNKLKDLSEIIRNSGQIQGLFNIFNRFGGIFDDSLNHVYSKKDILGGLEILDLDKLKNSFEKLLSIKETFSKMLNQLLLDYKNDKDHIRTETNKLKSHTTALFEQLDKKEDEAYEPKNQIFSISNL

>BBQ06

MQIFAQEKLEKGVGDIATVMKYESKKATILAPLLLNIFLSLGIGSFVQGDYIGGGALLGSQVLGGILIMAGYMTGDIGFVTESTATVITGGVLSGIGGLTIAASYITGIIIPFKFANRYNADLKKRLGIALAGLEPNFDIGINGDSNYRLKNPIEYQFTWG

>BBQ07

MGKKYNKKELVLNSRTFSHMNKELTNIDNMQDKDLINYNNLKEKLKYNLKDDIDNKIERMKILYEIKKKELYKYDNFSSFEQFIKHFVIAKTQAYLYLKVYEKVLEGAISIDNIKETGFRGLQRQLKENLLNVKKENLSEVNNKKMSIRFFMKNKEFYTFCKEDTKRACYILERLFFTKKEVLSDLINEYEKYKRKKKNKNKYLIFIIYGAIVILGWMMSFVLPQLSSQSKRPFWGGLFSFLLLL

>BBQ08

MDRKESNIITIASPKGGVGKTTLTILFSYILKDLSKKVLLIDLDPQNSLSSYFSKYIFNIDKCNSYSLLKKDVYFGQCINKINDFISIIPSHPILENFNSEILNYKDLLLENILNRNITNYNFDYILLDTPPNLGFILKNSLNVTDYIIIPVQVERFSVESLSILMQTINDIKDFRNKSFNISIIENQFLKNRNTFKDVEELLYKEYSFYIKGKIHYYNSVKVLINELLEPSVKETYYEETKNTLENIINLHF

>BBQ09

MNNFTERFRNLKKKTKKRIFFYKIEEKENKKTYYSIIFKHLIKFEITRKGLRITFQKFNDTGGWNFFNLFPIKEDEKFLGIKYGWDNLEKPFFIIGNNNIKYVVKKAYYIEYVFKKGSIKCYVQSLWTLLRKEKKQTKYYKFTLENIKNMEKTVYEFYNKKIKEEGIINKWIEKNQTL

>BBQ10

MIVNESERAYALIAVGGPPPALIITPLLFINYKDFNKHLKYDYQTKDIKEFYLKKLKKYKNKIHFMRQNAHYETDFFKIVGEFKDTYINKWKINQNKTFLFDLLANYKRKKI

>BBQ11

INNNGVIIKAGGGPPTAINAYALSDSFTINFAPEDEHQDQAKHPKQEYSINLIKVAIFGNRGLEKTVTPEA

>BBQ12

MVKPWAIKGVKQMADTTQLLKDYQDKRSKLEKFMKNPQYDAGLLSNSVEFRDKNIQFFASGGTRTSKFDKLENHPFSGYPYKRGIKRVIQEEKADQIHYEPHVEAGGEDDLYGICIDIDEFSKTATIVPITNNFEGYLVAKDSTLKVKDKLVFNKDGALEKVTGAPPNKATINAIALSDAKQISNDVYLIKVAVFGNKAVSKN

>BBQ13

MGGFNMELFDENYYAKAVANIIGEVKDPIMYKWFSPDQIEDVDLQMGYQRTVKWDAFLNANPTTIANEVNTISTIGFSSEVVRLNYLKLQYKFRHLKQASEKFYTSDSYLGDINNNLLPFSQAYKLASSEIIKLINHFVLTGTVSIQKDGKNQKRLLPNMYGLLNMPHQVKEEVASGDKDKMDKIFEKIEAGLSKLELGDEFSTPMMVIVDPTTSLKLVKPYAAAQGAASSCEKWEDVLIQTIKAINNREDVYIETSNLLKHQILIYPLNPELIKFKPSKYMLPTPNEQVDKDSTDIAHSYIDFVLGGLLATRKTILQVHIKQS

>BBQ14

MKMSEQENLQTQVEAEEELLVTKLYSEVLLLLGIDKLALSRQNFLLHLSLLQAILVTRGIDASSLTYEQIFLLTFYHMGCQLRKQGVVREFEFDRIKKEKFNELELDYYPSSSGGEEGGEGGCGSNKNFCSQLDAFLEKLKRETSTPSCVGVV

>BBQ15

MCGGCLMNGVRKRLSDMSFRMINVFKDPKPLKFYKGTVVKLENDSSYQRVFDKNKYTEFAGVIIDIKPQELAILYDSDMSDIQGYSKLYTYQDLNYELKDRISIADLVYFEIFSIDSSIGYFTLVLKEFIWTN

>BBQ17

MIFTLDMVLNHLTQIFKGFKAYAPENNFECDIINTYNHPYLSKITAASSNIIALKFDGTENLFDHNSRAGVFYENALEFSINFQIYIIAIVLNAKDFDANSRMLMLYSMLSDFLHNKAHKYNLPSLQPDYINKINFYIYPTSNMQTVGLINLGTKYSNHAYSASIAFNASVKATEILKEEYKIAARYN

>BBQ18

MPQDTISVSLLDSRIQASRPNYYNPLLVYKTAKIKVNKDAANFITLNLTVNNYEKQIETLEKDNGNGQDQFGKEKTLLKTAMSNFFNSSEESLKSAVLFIYKDKPEELKKYLKVHRHTFVVLINTEGDNSDDGLKIYKDDYDKFKTPSIFFVFSTKEQEIKELFKDKGNTEKERNIAVYSNNKDNLHLKFISQYLHQASIFHAVNPYGMPLAATPLVDDTVIGKLRTAKINFYSLLNETGLDGMPAFKESVDLAGSSIDELFTYHYIKNEAIIELIRIWNKNNRQNSKLSALQLSGARDNAYTSAIECLLKRFVDRGLIIEYKNLNLTLSPTPQLKLELSVNITYNFSINAVALVITTQDIVDYQNSLSA

>BBQ19

MLKRGAKMQFYDLREVYFSIGGTQLHSGKLELTSEPTTRAVISSEDKGMPVISLRDPKTITYVFNIEVTLGSHDYILLTELSDEQFYNMDVRKEDKMLDLAFNDRIATKIISNYAIFTEEPSRSYSAEAEKVSFEIRAINCQKTKPNNT

>BBQ20

MIMRYKMKILTKNKTYEYPLRVLPVYEWDKVLGFNQSDAVLKLNEVKFLREITSLMISPKFLDEFYVILDQNREFISYYKDYLVAIIYTAQFNTFHLDNNLKKPALVYLSEYENNVGDFVAFDYINENFDYEKVATSLSSITSNSNELVAK

>BBQ21

MSKRNRDIDKAIASLDETRKKYFNLLDEIKNDKYFFPVIMNICSYYSVKKLPYDELLEVNRLAEIKLEKELYELILSK

>BBQ22

MSDKFTIKFKGILDHAATKKAIEQDISKMEKYLKPKKSSLGSTKDIVKNNLSDKKKELGRQSKFESLRERVEKYRLTQTKKLIKQGMGFEKARKEAFRRSLMSDRDKRRLEYKELAKESKAKSKMLAASQGKGLVAKIAIGSALGNIISNAMSKVGGGLLGFAKKSVEEDTKTKRTKLLNSAFFTDNERNMIMGNKDKNTKGILDGMKGFERDLEKEEFLHQASAFKGTLRDLDMLNETNLKNAVEFAAMLKSSGAMSSEDAVKAVNSVLGGDGSELFNLLKKSGVGDKYIEDAKRAWQGGAEVDLDSRITKMMEMFEDFKSFGLTKKVNNAESIQSNLASAEQTLSNLTTTVLDPLLNIINWITAKIKNFDFTKDIINPIINGIKSIFNLNYFFAKLKSVLPTMFGGDGGEALKKLQEQAENQDNANNTP

>BBQ23

MTSNKKIANNAANKIDINNKITNNHDIEKKKIKEKINDIEKKEIREITRIIRDVITQIFALFGADNFLVLFPRMDLKGFGYIPQLFFIKPKNELITRTYNTSCSKRPVINYYDRKAEYVSYNPVMTGEHISLNGGILTSLYKDMLSLLKMTVFGNTMLRFDAHLVKEQLANRIQAQVPFSIYSPTFGLKELAVITSLSFKDTPFIDEVEVSLSIEIVKTFALEKYKG

>BBQ24

MLLLQYDFKIEFYNVDTSKKSIDRIPFAEEIPKIIINTQDGIHIDISISNVYSNIHTISSKQAKVVLWNLPLDFTDDIKFGDIVKIYYKKFAHEKNFDFIMAGTLGPPMSTDYPGGDFSVDLDVRLLTKSNFFNRKLAGKEGKNFKGKTVQEAIESVFPNRNILNMDEKDCLKIIDKDIYATTPKEFIDKIKGTYVHNVIADIGTGLRGYECYLIFTNYIKKGENVHYEALEDYGLEFIPQQEITLGTTLKKNLIFWNAKTFFTHKLNVGDKVSFIDGLGKMIKTTIKETSARLSNTGECSLILKLEDDSNTKRKK

>BBQ25

MNEDYEIYRMNQRLYGQALAQEDLKNWIYSNIFIIKIGTVKEFKHQTQEAIVTIPEFEDLEIHTKNISNISLELSKGDCVLLLQSSINIFDKNNDIHFDKHHFYILSAISPKTLNLISDTVKIKANNNIEIANQTTSLKTILKNIVSAIEGIKVVPAQGGPAIESVSLKIATTKINSDINSLFK

>BBQ26

MDLRLGNNFELVFNNDLSLVDGIDEQKQRFLIFLNTLRGSLSYAPHWGLDYFLLLKLLKINNLHAVKNYFHEISKELNLDLINISTTIQDNKAHISFFFSGDVLNMEFNL

>BBQ27

MSIVFDSDFGILKRTIKDIVRSKREYLRVNYGINIDDNQSSIYNIIASSLALIEEEIINKLNLFFSKMKPGGTYWAAIEEHISSKSTTYSAVRTALLNLDGVEHTNIKSAAGKANIYLILKETLLDDSKSNINSPKFKAKLWETLYLTTPSGTLLEGDIEIDGLNSTGQRKSYKISLGKRKYVYMKVKYKLDLKNYLYLNIDSQIRDIYSRIISNNYSDMGISFEYQDFFAPVNEVKGIKFMEISACIKDTDTESITKIGDSDFKKNQDIAINDDTMLLFNMTDRLLIDIG

>BBQ28

MKIPNLFKNTEIHKFIRTETEYAQALLNELKSLNSNFISINVIENIKSRYIAIWISQVLSIFYAKTQTLQSITSNINSVIFALRHIGTDESFRLIFKTFLNVDIEVTTPEAGVIDISLKGVIKTNFTTFISPSTKKGKRLKKIILREKKPGYAASKKALVFNSLPKGYDHSIYAFIKGIIPIGRVLKINNTDGNNIITFNN

>BBQ29

MADDQEKLLIDEEETVQIKDLNKVTTVNDTDLLLLDNGAASSNAITFKNFLDASKDKIFKGEGLDYFKQIIKSTIAEELAADKDFVEKIYAKITDKLINNDSTNISNLFSKIKSRLTDSISSATLSKSDDLLIMPSSDTIQKTPVPKHILGVPSNFTYGSITRSTTLYPSDYENKAISINMEDNDDVTLIFYKNYDNDPIYLDIEIQVKINDNRMQKKSLKLMYSDEITYNWVYEITGPRGLFTRTPIYNGWYIQKRAYMYGDSVPDLLKL

>BBQ30

MDTIKLTELLINLNEIKLIAVMIFVTVLVLGVLILLKPLLKDILTIVIGKIFKNGNGNGKNHIKKRD

>BBQ31

MKLSKDNVELGLTSLSTLIDIFSKFEDEFDEIAHKGFFLVYELYSHYKLIYTANMERLESALTPAINKALAPLNEKINQCIDLVNSDEKNLKISNDLKFNQEGKPIYKERTNNAK

>BBQ32

MQNNTIGLGLNLLSSLTNIAKTDTNIDHNYINTFSKVIDFFYKTYISTLKSMETAESTKIFEEIQDILKYNIEIIEAISTDKSKRIITSLKATRNKIMKEYIKILKRGENA

>BBQ33

MKMLKRLHCLLIALLLCCTTIANLPEEPKPPIIPTLKSLAKYETQLSEYVMYLVTFLAKTKVKVNDPNYPEYPYPDLSTLKDEHSITAVRHNINIYLEYIKKTKPIAEKVYNKYSQLKM

>BBQ34

MTIRENFMETVSTNIASVTQEQIYKEFIRLGMEQLIAQDLSKRYYHNELTYRDLENLEKQFDIKFDNLIFKIDSVEKNLQKDISNLDVKIDTVEKNLNAKIDGVEKNLNAKIDGVEKNLNAKIDSVEKNLNLKIDSLDTKIDTVEKNLQKDISNLDTKIDTVEKNLNVKIDTVKSELNTKIDNVEKNLQKDISNLDAKIDNVEKNLMSLTEMLKWVLGIMGAMSITMIAGLIFAFISK

>BBQ35

MKIINILFCISLLLLNSCNSNDNDTLKNNAQQTKSRKKRDLSQEELPQQEKITLTSDEEKMFTSLINVFKYTIEKLNNEIQGCMNGNKSKCNDFFDWLSEDIQKQKELAGAFTKVYNFLKSKAQNETFDTYIKGAIDCKKNTPQDCNKNNKYGDGDNLIEQYFRGVANDMSNRNSNEEIYQYLKDELLKEDNHYAGLTANWQN

>BBQ36

MLVLQLIGKTKNISQSKIKTLIIIPIAAPK

>BBQ37

MENLSNNNNQEIQNNIQAEIDFLNDMDTLRMNLPLIDKSLKGYGYKYQDFNVIVEVIQNVIKNHNLKLGFWQFPTFVYGKNGEVPVVRTTFYSKSTGYKESLDTLIHTDKLQWNGENGSKNLNTMPQLVGAAITYFKRYALVAYLDIKSEFDTDAAPIYNNHENENSMSNKQVSVNQKQEQKKDINQEKNQLNTFNKNLKSGKAYCYEIFRDALFNIKNWVNEGEEKNNINALIRALCTDNDDALEDLFEKNAELKSIEYWVNFLKKYFNKTNRFDDLNKLKVFMSDNRDVYKTKVLKFFCMLKKERQFNYIFAA

>BBQ38

MKDFPNITKIPTCHNKHQHKLISLTSTLDYLNKKDKKYTQQNILYCFNENLKRNGLAPTTLRTMQNYLYKLEKVLKVTTNYYQHMGVNCGTEIYYKLKYPKKECYQKINKYFKEQKNSRFKSRVNKHFKDNVSKNSSVNSVGCLSNKNNIKEERKIKEIEKYQLRNYFNNCNFKTEEALSILYLNIDKDTKIEAINILKQNEIALIKKFNIKKSCMKEKQKKLKEILYNTRKKLEENGYNPKQLEINLQKVYENYKYKPHFIIENHKYSDLNNIKRKLEKSIERKKENSQQNYQNLKANIFNILIEQLKKETNIEILKTIVKEYLNNQKKIEYNKVFGIYYLELLEIIKNEKNSLTTEEFSIKAV

>BBQ39

MENALEPIETVEKGKCKVECQNKERFILIEKENGKAMYHTKIMMDIYKFGVYEKKHEFRLSLRALFNGERIVEETHLYPIKEGDKFIGIFYGYRKPIKKPLIKYQINGARKAYALARAYYMEFRFKAGSVFCYFKGLYRLLDKKRTNNHYNKVLFSMFTDLEQQVYKFYGKKYPEQGPLIKWIIKNLK

>BBQ40

MDNKKPKIITIASIKGGVGKSTSAIIMATLLAKEHKVLLIDMDTQASTTSYFYKEILNQNIDIVKINVYRVLKEKIDINDSIVKIKENLDLIPSYLTLNKFLSESIPLKELRLQNNLEFLKRRYHYVIIDTNPSLDYTLSNALMTSNCIIVPMTAEKWAVESLELLEFHMNNLKIKIPIFLVITRFKKNNTHKQLLQHVESKTGFLGFIHEREDLNKKIAKNEEFDMTKDYINEYKGVLSRFLIVYDEYVK

>BBQ41

MEIELNERVISRATDPDGEKKLITKEEIFAHYNDLKNRLKTNIKKKIFYKVESIRILKEIKDNEYYKLDGYKSFDAFIKDYQLARTQVYIYLKLAKALQAGILNEDYIIENGIYNSLDKIESQETPIVKKSKQNPIKPLRFQLKKQESYDFYKSNAKFTGFMLDKLFSDGKEIIKKLMKEYKELKG

>BBQ42

MNSLTYRTYNIESIKNEFLKIGFSEEAIDFVFLHNDNYNFEFLKEKLINVEKNLQKDISNLDIKIDTVEKNLNTKIDNVEKNLNTKIDNVEKNLNLKIDNLDSKIDTVEKNLNTKIDNVEKNLNLKMDGLNIKIDNVEKSLNQKLSMGNRLVHFMIITAAILGPILNALFMKYLQGGK

>BBQ43

MLYTYIFYYKRSKKMENLSNNNNPQENIQGELKMISINQQSFTGCEIFEEKSSPIKEKSKLSKIGKKLPGISSQECFRFNRNIDFSVQRNKLDKYGASEVGNILVGGAGLKDLMINRVLKYFNMSLPFEENLYMLKGKELENLGFREFVKAYGDNIDILYKNKYANGVDKYNYFKKMGSSETLVGSTIDGWFINNNGDLELLEIKSSDSNYMSSAIAEYNKNGNFLSSKYFFKYYIQAQMQLACTGLEYCNLFFLIDAAPINCKIKRDEALISKVFEFVNKCELEIINLKKDIYSNYREEYLMAHNFNEDTFIKLVEDLVERSDFYSSEVEFDWVREFIEYVDCADLEIKDNQSAENLAYDLMEIDSLQKELNRIQNENKKKEKPIKDRLKMLIYNITNTYPLIEQLNYKFGEFVFTLDPKKRAISDRLKGLLPTSGTVFFPSNIAFANSVSVPM

>BBQ44

MLINKIKQDNRTLRLEIQKWGCYFLCLHYYTSLFKKREFSAYEINAAYYRFIGLGYIKSNCFIINLCMILNYYGIRSSVRYESLNYLGAANEFEISEVKIDKVNGYHFIATKNKEILYDSLDLKPRGKIFKVTSKRIFKLK

>BBQ45

MDMNNYLNLNNFNIDFMLKLLQDHQKLINENKILKNSLKISSKPTKKASKPTPKFYLTPKIGKLIEKCIKTLKQADPISGWFLHLLAISGCRGTELQKVKMQDISTFLSKNGKTLYNIKVNVAKKRNVTCIREIVINSEEFEAIQTAHKNHFNEKNLDTRRTYFFQKSKHKFKDNQISIIHISNKFKNLLKKSGFRVNKSLHLCRNLFISNLKSNGYNSFQIKELMKYSSTNEIDNIYGLSSANKIQAYECAKKCLKL

>BBQ46

MIKNVIYILPKTKKFSQIVWLLIACKIWIVG

>BBQ47

MNKKMKIFIICAVFVLISSCKIDATGKDATGKDATGKDATGKDATGKNAEQNIKGKVQGFLEKILDPVKDKIASNGPIADELAKKLQEEEKVNNGEEENDKAVFLGEESKEDEEENEQAVNLEEKNAEEDKKVVNLEEKELEVKKETEEDEDKEEIEKQKQEVEKAQERKQRQEEKKRKKQEQQEEKKRKRQEQRKERRAKNKIKKLADKIDEISWNIDGIESQTSVKPKAVIDKITGPVYDYFTDDNKKAIYKTWGDLEDEEGEGLGKLLKELSDTRDELRTKLNKDNKKYYAHENEPPLKENVDVSEIKEDLEKVKSGLEKVKEYLKDNSKFEEIKGYISYSQ

>BBQ48

MQKLLLKMLFIYILSRAMTYTNEISDFDDNLYKKTKKEIDKLINKLYLTSQITLKQKRQIYSAVERMQKYVIKTGKSVLLESEKEFVKDTLKRKNLIKKFKSFKVDFSYKERMLEKCLERLGEDKSIEFLIFVYQILNGIREKVLELDFQIDAIEEFRDILFLSIHYYDKRLFTSKNLMNEMKDFSEKVELFYSNMQ

>BBQ49

MKKVKRPFDDYVVYFREGSLNDREIAKKLGVSKVNVWRMRQKWESGESIVNQDARVTISEDTLEHLLSQTFRSEVNARKVISELDIECANLKLGFIRAFKQYSSVELTGMRTKIENLRAEIDALNKASSKKNKQFVNGEINSLKSELDEYIKECSTREMELYYECMKKLTTANEAESKSNYKNSKGHK

>BBQ50

MNLYQTKLFTILQKEYKNKYGVDISQFVKLTNSSINFDKFEEEQLTLKQKNVIKSIKKNNEKKIILSGGIASGKTYLACYLFIKSLIENKKLYSSDTNNFIIGNSQRSVEVNVLGQFEKLCKLLKIPYIPRHTNNSYILIDSLRINLHGGDKASDFERFRGSNSALIFVNEATTLHKQTLEEVLKRLRCGQETIIFDTNPDHPEHYFKTDYIDNIATFKTYNFTTYDNVLLSKGFIETQEKLYKDIPSYKARVLLGEWIASTDSIFTQINITNDYVFTSPIAYLDPAFSVGGDNTALCVMERVDDKYYAFVFQDQRPANDPYIMNMVKTVLENFNVHTFYLEDRDNTKGAGGLTREYILLRNNMGQYFRIVPVKPKSNKFSRITALITPFIYKKLYITKYSSSSVFNDIYSYKGDNKTHDDALDAISAAYLMLSLGYRERSVHFGNQRFL

>BBQ52

MPEKEEKEDLQAQDKEEQQNKADTKVISAQEFEEYMRFKEQANSKSKETSRDLSINERITKELTEVEERERIEKQLLLEAERINEIDTLAKTHLSNHFNKEVLLAKGHTLKDIMQAQRRELVRKFVPIEQIKAIAKVSDISHIDGEILEQLVSLAKVNIKLRKNASSNSSSVDSIKGNIAIKSEERASLLNSNFVPINFTEFVQAISNTYKQRRIQFYENLKRHKRTSIA

>BBQ53

MSDGITKIKEEFDKKVAEIKALMKNPQQDAGLLSNSIDFRDKNLIYSNSDGVFTSSKDKIENYPAKGYPYKRGVKLSFSADGTTELEVEAGGGDDLYGICTDIDEFTGMATVVPITNNFTGYLTFKKNGQNGVNPGDKLHFNAQGELEKNGGNDKSVNAIALSKVHKLTEELSIVLASVFGNRALKGN

>BBQ54

MALKGKGQAKSPNVDDNPQLGLESEIPAAPRSKRQTRQAEEVQAKDPYLDSVKELDDVLLKFKKYSKSMSSIENRVFSSSGGCFKLKNERVNAYSFTCSSFADKIEEYLYDPANSFPYKRGVKLVPKENSIYVEVGADTDMYGICVDVCEFSSTAYVLPITNNFEGYLVTRNPSIKMGEILDKSAFFRVFSGDCVHATIFFIFSKREFLEFLLLFFINFLLYTVTFLDFNFSLFDFIFLDNSSLILEK

>BBQ55

YQLYLYNNNYCYKTKRLLSKNLRLKKIISIINFLNKKFEENCNINLHKEDITNTALCILIHHQQDILNILNSFIIKEGYKPTTIRTLREDLRFLIKIKAINKKILTFSNNIGQFKGKLCIYQTSRISYSIIDTYFSSIKLELSKKIKSNKEKLKSKNVTVYNKKLIKNNNKNSRNSLFEKIKKIVACTQSPEKTLKNALL

>BBQ56

MKIFFIFLDILYFLAYNICIDSYIINYELSIPCKRPLAKANGLLLY

>BBQ57

MGKADRLRKMQKILDEILKRIATVKSAGSIEEITLAHGCERFVSNKPTYIPNLGVMSSEFGQPELVRITPAPIDANLCKLEAKIISEEITKLQKTQSSTVVNNFYYNFYGDVLDAEKLVRMLKSKEHLMTFRMAE

>BBQ58

MKKEKLSELDDVYTKEIKFLKQAQSKGQISGE

>BBQ59

MLLPAKERASAEEKMASDIQLMYKKFVNEHKSQFEKLNETIRNSLKQMAEKAKDTSKSLYDRMLDGLKAFMKDLSVSCNFLNQDMGESIGEAIHDGHWGEVLEKMSKQMYETWKSGLKAAEKILGPWGEAVAELITALTDFIWGIFKGHEKARIKAVEKNGTKIWRNLKN

>BBQ61

MVNKRNRCTGQIINNTKAQKYKSKFAFFGGVNLDKNRLVSI

>BBQ62

MRIKVSFLVNFELNVVLFFIASKNASLASFTLRIFAKGGAISYCSQAFSKFDKILESLKALTSVCLSACFQAFVKLLSASASRFSKSSRDIMSGNFFHQPLTVHILLKILLQVLCHFLAKIQEL

>BBQ64

MVPPFINAVLSKFGLSSNWCYKPVKPISQKEQAKIDEKHAKTLATYVELLSKAKEMGNDSLYLKIQDEMNQYLQI

>BBQ66

MYFLEPSQSINLIEKKESTKKENRIIISLGV

>BBQ67

MILNYISFIFIKMNNNESLFKKAKEYIANLKSTKLEEKTEYSNRTHLENLLNDFNKINQNSSIAIQHEPRRSKEGFGSPDYIVRHNITQGTIGCIEVKKVEQNLDEILKSSQIEKYKNITRSILLTNYIEFIWIKDKEIKLRGSLLTKEELYSEDTKLDKNKLTKIINILFEFFNSHFEKIKSIEALASLLASKTKSLKEEIEVNLKENKEKLNLDIDESELGELNVLVSTCRILKKSIYSDDFNISEFSDSIAQTITYGLFIARLNSKENIEINFKNIENFIPTNFSLIQNIIKLIKDIHKDSEFNYLRWILESIISIVNNIDTKLIFNEFSFTNSSLNLKDPYLYFYEDFLAKYDVSLRKAKGVYYTPSPIVSFIVSSLNEMLKKEFKLNHGLANKEKVTVLDFATGTGTFLLEVIRTIILKEIPEESGRQKDYINLHILKNLYGFEYLMAPYAVTHLKLSQYLKEVCKVDFNKDSKLKVYLTNTLDLKEITDQKFFSFSFFKDIAKETKEANEIKRNPILVILGNPPYSAESKNNNQYILNLVNDYKKIKNSPINERNTKTLNDDYVKFIRFAENKLESNKKEGLLTIKGSEEGLLGIITNNGYLDNITFRGMRHHLLSTFDEIYILNLHGSSRKKEKTDDGSIDENVFDIQTGVAIAIFAKYKEKEKKNELANVYYSSIKGKRDHKYDFLNKNHIYDLNFEKLDYKEPNYFFLKKDLSNEDIYNKGKSLIDIFNEFNVGIVTRKDKIAIDYTKDNLMDKLRDFAYLPEQDARNKYDIEKDSMFWKLSEIQKFLKNTNFNKSYVKEISYRPFDNRFTYYSKNKGVVVEPRYKTMKHILEIEGNIGLVTTRLLSTNSFKHALVTSEISDKCFVSNKGSESCYLFPLYIKENQGVFKNIKKENFKKDEKDNKDIFREFINTKYSKIFTPEEIFGYIYAVLYSNTYREKFYEFLKIDYPKIIFVNNVDAFLELSKLGTKLINSHLLKDNLKLNNSIGNHTGDYNRIVEKITYKEDTKELYYNSTCCFTNVAKEVYEYKIGSYQVLKSYLKYRKGKELIINENEDEIEHLEKVIKVLSYTINVQKEIDEIIQNLKEFNE

>BBQ68

MDKDNSLDNEPFMIINLEKLTSEDFEYLKKFSRNSLNIEEARSFTLEKKYTDKFLVYLKKRLRIQAMSFLNFLKLKLTLIRKIQMKYLRILLKTLLVCLMKKSCY

>BBQ70

MKLGKFLYQCIVSKKIQTHKDGLKIEAKKKTVFY

>BBQ72

MTLDGFNLIKFELNVLFIIPVKTLSAEIIQEFLSQKEY

>BBQ73

TDINELKSYVSKLADDLNNYLQKQEICIYSVNI

>BBQ76

MLLKTQRIKLDKWGKYIEGKFYFYNKVNGMYK

>BBQ77

MIFCLIYNKNTVVEKVAYNKYCILVAGQHLDIDNRELIN

>BBQ78

MNVWGKVLMIRYVVNLEGNYHINQGGTNLLCIK

>BBQ82

MKIEKQVDRKITINEIINENGKKTKKLLEIQKDNISLLKNEFNMVKVLRLKFNENSTNSTLKST

>BBQ83

MFITIKLIILYIRFKIFLKKKFVINILVKININQNKKI

>BBQ84

MNKKLFHSANKNYAYSLIRSKFNKALAKTNQHEVDSKTLLEYLEILEKIQK

>BBQ85

MEKFLKEILSMNSKNRLSSHLIILIYTLNNIDLNSKNIGYYSRGFIRRAFTFNIDRYCNTSKDIEIDIDLLIKYLDFLENNLKIITNKYKVEKNIFKLYYIINYPLKICYTKIMNYYK

>BBQ86

MNKYLDILEKTKTIVKLSFKNQSKYMIYYKINPP

>BBQ87

MKKNQKNKCSEIEKTQLEIINNQSEIEKQLHQLEIEFTGVCLLYVTIHY

>BBQ88

MSRQTNIQFSNEIQALKDTRSTIITNQNDNINSTINYPPYIQTILKIEKQVDGNIIINGMTKESGTETKKLLEIPNGNISRLKDAIQYGGSFRAKDVRENQTQKENNKDSHIHVDDFKEYIHLIMPSINNNADSSSSYYYTNYIINGDNLLRIISNL

>BBQ89

MNKLLIFIILLVFSCNLSNSDQNNPLNMSNKEKISEYQINESSNKYSIFKRNSSVKRYTFNHYY

>BBR01

MCDLRKTKLIDKISSLELYKYSIFFRNYIENVAEDCLKNGLILESAAHNVSEVELARLKVQLKNALLNCIISYRFHGIGYVLVKTKDTLIDLEQPVNIELPIGFEYLDYEYVRDLGVDFDHITYKVKSNNKNNSLDAVKIHKSRLIIYENFDYILKRYVPCYTESFLLDIYLFEKIYVEIERRIENHNFLFYKDESLVQLQDALSSATTSLSALTQSNNDRGSGILSSFLRKQNSNNHSKDISNLRNLNDSLSQELARLKSNLNNEGMFYTATPSASLEVIKYDLSYLKEALALIKAKIGADTKEPLTRSFNEQAKGLGNDGKGDRSNYYDFLKGVQEQVENACNLKLTKYFGLDMKFNSLIMLSEEQKVERDIKLIELYSKYNQLIQSSSFDNEELAILKEKLFSF

>BBR03

MSDGITKIKEDFDKKVAEIKALMKNPQQDAGLLSNSVDFRDKNLIYSNSDGVFTSSKDKIENYPAKGYPYKRGVKLSFSADSTTELEVEAGGGDDLYGICTDIDEFTGMATVVPITNNFTGYLTFKKNGNGVNPGDKLHFNAQGELEKNGGNDKSVNAIALSKVHKLTEELSIVLASVFGNRALKGN

>BBR04

MALKGKGQAKSPNVDDNPQLGLESEIPVAPRSKRQTRQAEEVQAKDPYLDSVKELDDVLLKFKKYSKSMSSIENKVFSSSGGCFKSKNERVNAYSFTCSSFADKIEEYSYDPANSFPYKRGVKLVLKESSIYVEVGADTDMYGICVDVCEFSSTAYVLPITNNFEGYLVTRNPSIKMGEILDINNNGVIIKAGGGPPTVINAYALSDSFTINFAPEDEHQDQARYPKQEYSINLIKVAIFGNRGLEKTVTPEAGG

>BBR05

MVKPWAIKGVKQMADTTQLLKDYQEKRSKLEKFMKNPQHDAGLLSNSVEFRDKNIQFFASGGTRTSKFDKLENHPFSGYPYKRGVKRVIQEEKADQIHYEPHVEAGGKDDLYGICIDIDEFSKTATIVPITNNFEGYLVAKDSTLKVKDKLVFNKDGALEKVTGAPPNKATINAIALSDAKQISNDVFLIKVAVFGNKAVSKN

>BBR06

MGGFNMELFDENYYAKAVANIIGEVKDPIMYKWFSPDQIEDVDLQMGYQRTVKWDAFLNANPTTIANEVNTISTIGFSSEVVRLNYLKLQYKFRHLKQASEKFYTSDSYLGDINNNLLPFSQAYKLASSEIIKLINHFVLTGTVSIQKDGKNQKRLLPNMYGLLNMPHQVKEEVESANKDKMDKIFEKIEAGLSKLELGDEFSTPMMVIVDPTTSLKLVKPYAAAQGAASSCEKWEDVLIQTIKAINNREDVYIETSNLLKHQILIYPLNPELIKFKPSKYMLPTPNEQVDKDSTDIAHSYIDFVLGGLLATRKTILQVHIKQS

>BBR07

MSEQKNLQTQVEAEEELLVTKLHSEVLLLLGIDKLALSRQNFLLHLSLLQAILVTRGIDASSLTYEQIFLLTLYHMGCQLRKQGVVQEFEFDRIKKEKFNELELNYYPSSSGGEEGGEGGCGSNKNFCSQLDAFLEKLKRETSTPSCVGVV

>BBR08

MCGSCLMNGVRKRLSDMSFRMINVFKDPKPLKFYKGTVVKLENDSSYQRVFDKNKYTEFAGVIIDIKPQELAILYDSDMSDIQGYSKLYTYQDLNYELKDRISIADLVYFEIFSIDSSIGYFTLVLKEFIWTN

>BBR09

MDKLEFKMELEIGWFGGRAGIAKMHEKGSSNLPARKHLTKIASSSEFREYINNSYINSKFNLDPKSGMEAIGQAFIRYYENYLLSAQVTPALKANTIKSKFKRGSNTAAIPLVDTAKMLSEITYKVTLE

>BBR10

MIFTLDMVLNHLTKIFKGFKAYATENNFECDIINTYNHPYLSKITAASSNIIALKFAGTENLFDHNSRAGVFYENALEFSINFQIYIIAIVLNAKDFDANSRMLMLYSMLSDFLHNKAHKYTLPSLQPEYINKINFYIYPTSNMQTVGLINLGTKYSNHAYSASIAFNASVKAIEILKEEYEIAARYN

>BBR11

MPQDTISVSFIDSRIQTSRPNYYNPLLVYKTAKIKVNKDTASYKILNLTVNNYEKQIETLEKENGNGEDQFGKEKTLLKTAMSNFFNSSEESLKSADLFIYKDKPEELKNYLKVHRHTFVVLINTEGDASDDGLKIYKDDYNKFKMPSTFFVFSTKEQEIKELFKDKGNTEKERNIAVYSNNKDNLHLKFISQYLHQASIFHAVNPYGMPLAATPLVDDTVIGKLRTAKINFYSLLNETGLDGVPAFKEGVDLAGGAIDEQFTYHYIKNEAIIELIRIWNKNNRQNSKLSALQLSGARDNAYTSAIECLLKRFVDRGLIIEYKNLSLTLSPTPQLKLELSVNITYNFSINAVALVITTQDIVDYQNSLSA

>BBR12

MQFYDLREVYFSIGGTQLHSGKLELTSEPTTRAVISSEDKGMPVISLRDPKTITYVFNIEVTLGSHDYILLTELSDEQFYNMDVRKEDKMLDLAFNDRIATKIISNYAIFTEEPSRSYSAEAEKVSFEIRAINCQKSKPNNT

>BBR13

MIMRYKMKILTKNKTYEYPLRVLPVYEWDKVLGFNQSDAVLKLNEVKYLREITSLMISPKFLDEFYVILDQNREFISYYKDYLVAIIYTAQFNTFHLDNDLKKPALVYLSEYENNVGDFVAFDYINENFDYEKVATSLSSITSNSNELVAK

>BBR14

MSKRNRDIDKAIASLDETRKKYFNLLDEIKNDKYFFPVIMNICSYYSVKKLPYDELLEVNRLAEIKLEKELYELILSK

>BBR15

MSDKFTIKFKGILDHAATKKAIEQDISKMEKYLKPKKSSLGSTKDIVKNNLSDKKKELSRQSKFESLRERVEKYRLTQTKKLIKQGMGFEKARKEAFRRSLMSDRDKRHLEYKELAKESKAKSKMLAASQGKGLVAKIAIGSALRNIISNAMSKVGGGLLGFAKKAVEEDTKTKRTKLLNSAFFTDNERNMIMGNKDKNTKGILDGMKGFERDLEKEEFLNQASVFKGTLRDLDMLNETNLKNAVEFAAMLKSSGAMSSEDAVKAVNSVLGGDGSELFDLLKKSGVGDKYIEDAKMAWQSGAQVDLDSRITKMMEMFKDFKSFGLTKKVNNAESIQSNLASAEQTLQNLTTTVLDPILGLVNKITKYFEGFKFETHIINPIIDGIKSIFNLNYFFAKLKSMLPGWMGGDEGAALKKLQEEVQNQDNANNTP

>BBR16

MDINNKNTNNKTMLPQEISQIIRDVITQIFALFGADNFLVLFPRMDLKGFGYVPQLFFIKPKTELITRTYNTSCSKRPVINYYDRKAEYVSYNPVMTGEHISLNGGILTSLYKDMLSLLKMTVFGNTMLRFDAHLVKEQLANRIQAQVPFSIYSPTFGLKELAVITSLSFKDTPFIDEVEVSLSIEIVKTFALEKYKG

>BBR17

MLLLQYDFKIEFYNVDTSKKSPDGIPFAEEIPKIIINTQDGIHIDISISNVYSNIHTISSKQAKVVLWNLPLDFTDDIKFGDIVKIYYKKFAHEKNFDFIMAGTLGPPMSTDYPGGDFSVDLDVRLLTKSNFFNRKLAGKEGKNFKGKTVQEAIESVFPNRNILNMDEKDCLKIIDKDIYATTPKEFIDKIKGTYVHNVIADIGTGLRGYECYLIFTNYIKKGENVHYEALEDYGLEFIPQQEITLGTTLKKNLIFWNAKTFFTHKLNVGDKVSFIDGLGKMIKTTIKETSARLSNTGECSLILKLDDDSNTKRKK

>BBR18

MNEDYEIYRMNQRLYGQALAQEDLKNWIYSNIFIIKIGTVKEFKHQTQEAIVTIPEFEDLEIHTKNISNISLELSKGDCVLLLQSSINIFDKNNDIHFDKHHFYILSAISPKTLNLISDTVKIKANNNIEIANQTTSLKTILKNIVSAIEGIKVVPAQGGPVIESVSLKIATTKINSDINSLFK

>BBR19

MDLRLGNNFELVFNNDLSLVDGIDEQKQRFLIFLKTLRGSLSYAPHWGLDYFLLLKLLKINNLHAVKNYFHEISKELNLDLINISTTIQDNKAHISFFFSGDVLNMEFNL

>BBR20

MSIVFDSDFGILKRTIKDIVRSKREYLRVNYGINIDDNQSSIYNIIASSLALIEEEIINELNLFFSKMKPGGTYWAAIEEHISSKSTTYSAVRTALLNLDGVEYTNIKSAAGKANIYLILKETLLDDSKSNINSPEFKAKLWETLYLTTPSGTLLEGDIEIDGLNSTGQRKSYKISLGKRKYVYMKVKYKLDLKNYLYLNIDSQIRDIYSRIISNNYSDMGISFEYQDFFAPVNEVKGIKFMEISACIKDTDTESITKIGDSDFKKNQDIAINDDTMLLFNMTDRLLIDIG

>BBR21

MKIPNLFKNTEIHKFIRTETEYAQALLNELKSLNSNFISINVIENIKSRYIAIWISQVLSIFYAKTQTLQSITSNINSVIFALRHIGTDESFRLIFKTFLNVDIEVTTPEAGVIDISLKGVIKTNFTTFISPSTKKGKRLKKIILREKKPGYAASKKALVFNSLPKGYDHSIYAFIKRIIPIGRVLKINNTDGNNIITFNN

>BBR22

MADDQEKLLIDEEETVQIKDLNKVTTVNNTDLLLLDDGAASSNAITFKNFLKTVNHQTFKGEELGYFKEIIKSTIATELAADKDFIKSIYDLIVDKLIENESSKLSNLFSKIKSRLTDSISSATLSRSDDLLIMPSSDTIQKTPVPKHILGVPSNFTYGSITRSTTLYPSDYENKAISINMEDNDDVTLIFYKNYDNDPIYLDIEIQVKINDNRMQKKSLKLMYSDEITYNWVYEITGPRGLFTRTPIYNGWYIQKRASLYGDSVPDLLKL

>BBR23

MDTIKLTELLINLNEIKLIAVMIFVTVLVLGVLILLKPLLKDILTIVIGKIFKNGNGNGKNHIKKRD

>BBR24

MKLSKDNVELGLTSLSTLIDIFSKFEDEFDEIAHKGFFLVYELYSHYKLIYTANMERLESALTPAINKALAPLNEKINQCIDLVNSDEKNLKISNDLKFNQEGKPIYKERTNNAK

>BBR25

MQNNTIGLGLNLLSSLTNIAKTDTNIDHNYINTFSKVIDFFYKTYISTLKSMETAESTKIFEEIQDILKYNIEIIEAISTDKSKRIITSLKATRNKIMKEYIKILKRGENA

>BBR26

MKMLKRLHCLLIALLLCCTTIANLPEEPKPPIIPTLKSLAKYETQLSEHVMYLVTFLAKTKVKVNDPNYPEYPYPDLSTLKDEHSITAVKHNINIYLEYIKKTKPIAEKVYNKYSQLKM

>BBR27

MYNMTIRENFMETVSTNIAGVTQEQIYKEFIRLGMEQLIAQDLSKRYYHNELTYRDLENLEKQFDIKFDNLISKIDTVEKNLNVKIDAVKSELNTKIDNVEKNLNLKIDSLDTKIDTVEKNLNLKIDSVKNELTAKIDNVEKNLMSLSEMLKWVLGIMGAMSITMIAGLIFAFISK

>BBR28

MKIINILFCLFLLMLNGCNSNDTNNSQTKSRQKRDLTQKEATQEKPKSKEELLREKLNDNQKTHLDWLKEALGNDGEFNKFLGYDESKIKSALDHIKSELDSCTGDKVENKNTFKQVVQEALKGGIDGFENTASSTCKNS

>BBR29

MCKIFCKKVGKNSFCYIIIYYKIRRKKMENLSNNNNPQENIQGEIKFRKDMSTLIRNLPRIDKSLKGYGYKYQDFNDIVEVIYSVIDKHNLDLFFTQAPISVEGQYGIVDYIRTTFYSTSTVYKYSFDTRIHTDKLQWNSENGSKNMNTMPQFVGSAITYFKRYALVGHLCIRSEMDTDAAPIYNNYENRNSMPSKQSSVNQKQEQKREQKQEINQNQKNNTIQNQKRDIKQEQKKDRFYYYGVFKEALSNIKDWVNSPTIKDNINSIIQKISFIQNIDPNNVDDIKKIESDLISYFEKNSDFKSINYWAEIIKNYFKKNNKLKDLQDFEKFVVFKRTAYGPSPLIFFSVLKEYERFDEIFAA

>BBR30

MVKRFIDFNHKLDYTANSVGKYLHIFTYLIL

>BBR31

MKDFLITTKNPTCHNKHQHKLIYLTSTVDFLNKKDKKYTQQNILYYYNKNLKRNGLAPTTLRTMQNYLYKLEKVLKVTTNYYQHMGVNCGTEIYYKLKYPKKECYQKINKYFKERKNSRFKSRVNNHFKDNVSKNSSVNSVECLSNKNNIKEERKIKEIEKYQLRNYFNNCNFKTEEALSILYLNTDKDTKIEAINILKQNEIALIKKFNIKKSCMKEKQKKLKEILYNTRKKLEENGYNPKQLEINLQKVYENYKYKPHFIIENHKYNDLGYIKRKLEKSIERKKENSQQNYQNLKENIFNILIEQLKKEVNIEILKPIIKEYLNNQKKIEYNKVFGIYHLELLEIIKNEKNSLTTEEFSIKAV

>BBR32

MENAPEPIETVKKGKCKVECQNKERFILIEKENGKAMYHTKIMMDIYKFGVYEKKHEFRLSLRALFNGERIVEETHLYPIKEGDKFIGIFYGYRKPIKKPLIKYQINGTRKAYALARAYYMEFRFKAGSVFCYFKGLYRLLDKKRTNNHYNKVLFSMFTDLEQQVYKFYGKKYPEQGPLIKWIIKNLK

>BBR33

MDNKKPKIITIASIKGGVGKSMLSIIFSYILSEMNNKVLIVDLDPQNSLTSYFLQYIRNIELNNVYYLLKRDQNIAFNEYINSINNNMYIIPAHPILCKFEKGDIPYKELMLEHIFDKNLHYYNFDYVVIDTPPSLSSLLFNALNITHKVIIPIQAERWSVESLPILMNEIKEVEIIRKKNIDVLIIENQFIKNRNTYKDIESILQSEYKDLIKGRVHFYNSIKVFINELKEPNNKEIYYQEIKKILNNMF

>BBR34

MSKLKVKKILLNNRIEDVQEFENEELEYKSYKDQLRRITVDDVENKIKTMKILYKIREKKLYLIDGYKKFEDFLSEFIISRSQAFLYLKIYRKVLEGSISINDIKEKGLKGVYRNILNVEIKEDKSKQNPIKPLRFQLKKQESYNFYKKNAKFTSFMMDEIFENQKDLINKLLKKYKELKG

>BBR36

MENLSNNNNPQENIQGDLKMISVNQQSFTGCEIFEEKSSPIKEKSKLSKIGKKLPGISSQECFRFNRNIDFSLQRNKLDKYGASEVGNILVGGAGLKDLMINRVLKYFDMSLPFEENLYMLKGKELENLGFREFVKAHSDNINVLYKNKYANGVDKYNYFKKMGSSQTLVGSTIDGWFINNNGDLELLEIKSSDSHYMSSAIAEYNKNGNFLSSKYFFKYYVQAQMQLACTGLEYCNLFFLIDAAPINCKIKRDEALISKVFEFVNKCELEIINLKKDIYSNYRDDYLMAHNFNEDTFIKLVEDLVERSDFYSSGVEFDWAREFIEYVDCTDLEIKDNQSAENLAYDLMEIDSLQKELNRIQNENKKREKPIKDRLKMLIYNITNTYPLIEQLNYKFGEFVFTLDPKKRAISDRLKGLLPTSGAVFFPSNIAFANSVSVPM

>BBR37

MLINKIKQDNRTLRPEIQRWGCYFLCLHYYTSLFKKREFNVYEINAAYYRFIGLGYIKSNCFIINPCMILNYYGIRSSVRYESLNYLGAANEFEISEVKIDKVNGYHFIATKNKEILYDSLDLKPRGKIFKVTSKRIFKLK

>BBR38

MDTNNSFNLNNFNMDFTLKLFQEYQNALNKNKILENENKILKSLENSPKRKKKNSKPTPKFYLTPKSIKLILKCAKTLKQIDPISGWFVHLLLISGCRGTEMQKVKMQDISTFLSKTGKTLYTIKVNVAKKRNTSCIREIVINSEEFEAIQTAHKNHFQEKTLDSRRTYLFQKNKHKFKDNQIDIVHISKKFKNLLKKSGFRVNKSLHLCRNLFISNLKSNGYNSFQIKELMKYSSTNEIDNIYGLSSANKIQAYECAKKCLKL

>BBR39

MYLSCVPPLKIASSVYPTCSTAQILHAMRTHKI

>BBR40

MNKKMKNLIICAVFVLIISCKNNTLSLYDEQSIG

>BBR41

MKTLRMNLSGINKNSKGYEYNYRSLDDIVREIKNVIDKHNLDLFFTQDPISVEGQYGIVDYIRTTFYSTSTVYKYSFDTPTFTEKLQWTNENSSKNGKTVPQMVGAAITYFRRCALVGYLRIKTDEFFDFNVYIKYKKTNIGNWIDLGTLDLIKEEYSIVTDLNVGGHTARLFSVKESEINNFVNSMIRGGAFNADYYGYQEGEDYKIKNIETKIETINDSQFITFLGRDNTYAILLEEFKMNLKRI

>BBR42

MNKKIKMFIICAIFMLISSCKNDVTSKDLEGAVKDLESSEQNVKKTEQEIKKQVEGFLEILETKDLNTLDTKEIEKQIQELKNKIEKLDSKKTSIETYSGYEEKINKIKEKLNGKGLEDKLNELSESLKKKKEERKKALQEAKKKFEEYKNQAESATGVTHGSQVQRQGGVGLQAWQCANSLGFKNMTSGNNTSDMTNEVITNSLKKIEEELKNIGETVEGKKE

>BBR43

MLKILFIYILSRVLMYINEISDFYDCLSPGTKKEISKLYGVKQLTLEQKKDFYRGFVSIQEYKRKTGKSIDEIINGIINPAKNFIKDVLKDKHIIEKYKNFQNMKFDCSYKKGMLEKCLKKMGEKYSDRFLSIVSDIMDEIGRKDPKRESIDGVLNFVDILFIIMHYYDKGICTRKYLIKTIKDFSKLV

>BBR44

MKRAKRSFNDYVAYFREGSLSDKEIAAKLRVSKVNVWRMRQKWESGETSVSEDSRLTISEDTFEHLLSQTFRSEVNARKVRSELDLERANLELGFIHAFKRYSSVELFSMHTKIENLRAEIDALNKASSKKNKQVVNGEINSLKSELDEYVKECSIREMELYYECMKKLSSAHEVENKGNYKSYKGYK

>BBR45

MNLYQTKLFTTLQKEYKNKYGVDISQFVKLTNSSINFDKFEKEQLTIKQKNVIKSIQKNNEKKIILSGGIASGKTYLACYLFLKSLIENKKLYSGDINNFIIGNSQRSVEVNVLGQFEKLCKLLKIPYIPRHTNNSYILIDSLRINLYGGDKASDFERFRGSNSALIFVNEATTLHKQTLEEVLKRLRCGQETIIFDTNPDHPEHYFKTDYIDNIATFKTYNFTTYDNVLLSKGFIETQEKLYKDIPSYKARVLLGEWIASTDSIFTQINITNDYVFTSPIAYLDPAFSVGGDNTALCVMERVDDKYYAFVFQDQRPANDPYIMNMVKTVIENFNVHTLYLEDRDNTKGAGGLTREYILLRNNISQYFRIVPVKPKSNKFSRITTVITPFTYKKLYITKYSSSSVFNDIYSYKGDSKTHDDALDAMSAAYLMLSLGYRERSVHFGNQRFL

>BBS01

MCDLRKTKLIDKISSLELYKYSIFFRNYIENVAEDCLKNGLILESAAHNVSEVELARLKVQLKNALLNCIISYRFHGIGYVLVKTKDTLIDLEQPVNIELPIGFEYLDYEYVRDLGVDFDHITYKVKSNNKNNSLDAVKIHKSRLIIYENFDYILKRYVPCYTESFLLDIYLFEKIYVEIERRIENHNFLFYKDESLVQLQDALSSATTSLSALTQSNNDRGSGILSSFLRKQNSNNHSKDISNLRNLNDSLSQELARLKSNLNNEGMFYTATPSASLEVIKYDLSYLKEALALIKAKIGADTKEPLTRSFNEQAKGLGNDGKGDRSNYYDFLKGVQEQVENSCNLKLTKYFGLDMKFNSLIMLSEEQKVERDIKLIELYSKYNQLIQSSSFNNEELAMLKEKLFSF

>BBS02

MTEKEEKEDLQAQDKEEQQIKADTKVISVQEFEEYMRFKEQANSKSKETSRDLSINERITKELAEVEERERIEKQLLLEAERINEIDTLAKAHLSNHFNKEVLLAKGYTLKDIMQAQRRELVRKFVPIEQIKAIAKVSDISHIDGEILEQLVSLAKVNIKLRKNASSSSSSVDSIKGNIAIKSEERASLLDSNFVPINFTEFVQAISNTYKQRRIQFYENLKRHKRTSIA

>BBS03

MSDITKIKQEFDKKVAEIQALMKNPQQDSGLLSNSIDFRDQNLIFSNSGGVCTSSKDKIENYPAKGYPYKRGVKLSFGDGTTELEVEAGGGDDLYGVCSDIDEFSGMATVIPITNNFTGYLTLKKEGQNGVNPGDKLNFNQHGELEKVTGAQKSVNAIALSKAHKLTEDLFIVLASVFGNRAIKG

>BBS04

MALKGNMQVENLEAVEDPQVDLGAQVSAAPRAKRQARQAEDAQGEDPYLEAINELDDVLLKFKKYVKSMSSIENKVFGGLSSCFKSKNERVDAYSFACSSYTDKIEEYLYDPANSFPYKRGVKLVPKENSIYVEVGADTDMYGICVDVCEFSCTAYVLPITNNFEGYLVTRNPSIKIGEILDINNNGVIIKAGGGPPTVINIYALSDSFTINFAPEDGNQDQNRYPRQEYSINLIKVAIFGNRGLEKIVIPDGG

>BBS05

MGDTTQLVKEYQEKRSKLEKFMKNPQHDASLLSNSNEFRDKNVKFFASGGTRTSKFDKLENHPFLGYPYKRGVKRVIQEAQDNQSHYEPHVEAGGGEDLYGICIDIDEFSKTATIVPITNNFEGYLVAKDSTVKVKDKLVFNKDGALEKVTGAPNKATINATALTDAKQISNEVYLVKVAVFGNKAMSRN

>BBS06

MELFDENYYAKAVANIIGEVKDPIMYKWFSPDQIEDVDLQMGYQKTVKWDAFLNANPTTIANEVNTISTIGFSSEVVRLNYLKLQYKFRHLKQTSEKFYTSDSYIGDINNNLLPFAQAYKLASSEIIKLINHFVLTGTVSIQKDGKNQKRLLPNMYGLLNMPEQIKEEVASGDKDKMDKIFEKIEAGLSKLELGDEFSTPMMVIVDPATSLKLVKPYAAAQGAASSCEKWEDVLIQTIKAINNREDVYIETSNLLKHKILIYPLNSELIKFKPSKYMLPTPNEQVDKDSTDVAHSYIDFVLGGLLATRKTILQVNIKQS

>BBS07

MKMSEQESLQAQVAGEEELLVTKLHSEVLLLLGIDKFALSRQNFLLHLSLLQAILVTRGIDASSLTYEQIFLLTFYHMGCQLRKQGVVREFEFDRIKKEKFNELELDYYPSSSGGEEGGEGSCGSNKNFCSQLDAFLEKLKRETSTPSCVGVV

>BBS08

MCGGCLMNGVRKRLSDMSFRMINVFKDPKPLKFYKGTVVKLENDSSYQRVFDKTKYIEFAGVIIDIKPQELAILYDSDMSDIQGYSKLYTYQDLNYEPKDRISIADLVYFEIFSIDSSIGYFTLVLKEFIWTN

>BBS09

MDKLEFKMELEIGWFGGRAGIAKMHEKGSSNLPARKHLTKIASSSEFREYINNSYINSKFNLDPKSGMEAIGQAFIRYYENYLLSAQVTPALKANTIKSKFKRGSNTAAIPLVDTAKMLSEITYKVTLE

>BBS10

MIFTLDMVLNHLTQIFKGFKAYATENNFECDIINTYNHPYLSKITAASSNIIALKFDGTENLFDHNYRAGVFYENALEFSINFQIYIIAIVLNAKDFDANSRMLMLYSMLSDFLHNKAHKYTLPSLQPDYINKINFYIYPTSNMQTVGLINLGTKYSNHAYSASIAFNASVKAIEILKEEYEIAARYN

>BBS11

MPQDTISVSLLDSRIQASRPNYYNPLLVYKTAKIKVNKDAASYKILNLTVNNYEKQIETLEKENGNGEDQFGKEKTLLKTAMSNFFNSSEESLKSADLFIYKDKPEELKNYLKVHRHTFVVLINTEGDASDDGLKIYKDDYNKFKKPSTFFVFSTKEQEIKELFKDKGNTEKERNIAVYSNNKDNLHLKFISQYLHQASIFHAVNPYGMPLAATPLVDDTVIGKLRTAKINFYSLLNETGLDGVPAFKEGVDLAGGAIDEQFTYHYIKNEAIIELIRIWNKNNRQNSKLSALQLSGARDNAYTSAIECLLKRFVDRGLIIEYKNLRLTLSPTPQLKLELSVNITYNFSINAVALVITTQDIVDYQNSLSA

>BBS12

MQFYDLREVYFSIGGTQLHSGKLELTSEPTTRAVISSEDKGMPVISLRDPKTITYVFNIEVTLGSHDYILLTELSDEQFYNMDVRKEDKMLDLAFNDRIATKIISNYAIFTEEPSRSYSAEAEKVSFEIRAINCQKSKPNNS

>BBS13

MIMRYKMKILTKNKTYEYPLRVLPVYEWDKVLGFNQSDAVLKLNEVKYLREITSLMISPKFLDEFYVILDQNREFISYYKDYLVAIIYTAQFNTFHLDNDLKKPALVYLSEYENNVGDFVAFDYINENFDYEKVATSLSSSTSNSNELVAK

>BBS14

MNKRNRDIDKAIASLDETRKKYFNLLDEIKNDKYYFPVIMNICSYDSVKKLPYDELLEVNRLAEIKLEKELYELILSK

>BBS15

MSDKFTIKFKGILDHAATKKAIEQDISKMEKYLKPKKSSLGSTKDIVKNNLSDKKKELSRQSKFESLRERVEKYRLTQTKKLIKQGMGFEKARKEAFRRSLMSDRDKRRLEYKELAKESKAKSKMLAASQGKGLVAKIAIGSALGNIISNAMSKVGGGLLGFAKKAVEEDTKTKRTQLLNKAFYGDPKEKEGLLKIIGGMKGFERDLEKEEFLNQASVFKGTLRDLDMLNETNLKNAVEFAAMLKSSGAMSSEDAVKAVNSVLGGDGSELFDLLKKSGVGDKYIEDAKMAWQSGAQVDLDSRITKMMEMFKDFKSFGLTKKVNNAESIQSNLASAEQTLSNLTTTVLDPLLNIINWITAKIKNFDFTKDIINPIINGIKSIFNLNYFFAKLKSVLPTMFGGDGGEALKKLQEQAENQDNANNTP

>BBS16

MTSNKKIANNAANKIDINNKITNNHDIEKKKIKEKINDIEKKEIREITRIIRDVITQIFALFGADNFLVLFPRMDLKGFGYIPQLFFIKPKNELITRTYNTNCSKRPVINYYDRKAEYVSYNPVMTGEHISLNGGILTSLYKDMLSLLKMTVFGNTMLHFDAHLVKEQLANRIQAQVPFSIYSPTFGLKELAVITSLSFKDTPFIDEVEVSLSIEIVKTFALEKYKG

>BBS17

MLLLQYDFKIEFYNVDTSKKSPDGIPFAEEIPKIIINTQDGIHIDISISNMYSNIHTISSKQAKVVLWNLPLDFTDDIKFGDIVKIYYKKFAHEKNFDFIMAGTLGPPMSTDYPGGDFSVDLDVRLLTKSNFFNRELAGKEGKNFKGKTVKEAIESVFPNRNILNMDEKDCLKIIDKDIYATTPKEFIDKIKGTYVHNVIADIGTGLRGYECYLIFTNYIKKGENVHYEALEDYGLEFIPQQEITLGTTLKKNLIFWNAKTFFTHKLNVGDKVSFIDGLGKMIKTTIKETSARLSNTGECSLILKLEDDSNTKRKK

>BBS18

MNEDYEIYRMNQRLYGQALAQEDLKNWIYSNIFIIKIGTVKEFKHQTQEAIVTIPEFEDLEIHTKNISNISLELSKGDCVLLLQSSINIFDKNNDIHFDKHHFYILSAISPKTLNLISDTVKIRANNKIEIANQTTSLKKILDNIVSAINGIKIIGDSVIDESSLKIATAQINSDINSLFK

>BBS19

MDLRLGNNFELVFNNDLSLVDGIDEQKQRFLIFLKTLRGSLSYAPHWGLDYFLLLKLLKINNLHAVKNYFHEISKELNLDLINISTTIQDNKAHISFFFSGDVLNMEFNL

>BBS20

MSIVFDSDFGILKRTIKDIVRAKREYLRVNYGINIDDNQSSIYNIIASSLALIEEEIINELNLFFSKMKPGGTYWAAIEEHISSKSTTYSAVRNALLNLDGIEYTNIKSAAGKANIYLILKETLLDTSKSNINSPEFKAKLWETLYLTTPSGTLLEGDIEIDGLNSTGQRKSYKISLGKRKYVYMKVKYKLDLKNYLYLNIDSQIRDIYSRIISNNYSDMGISFEYQDFFAPVNEVKGIKFMEISACIKDTDTESITKIGDSDFKKNQDIAINDDTMLLFNMTDRLLIDIG

>BBS21

MLNELKSLNSNFISINVIENIKSRYIAIWISQVLSIFYAKTQTLQSITSNINSVIFALRHIGTDESFRLIFKTFLNVDIEVTTPEAGVIDISLKGVIKTNFTTFISPNTKKGKRLKKIILREKKPGYAASKKALVFNSLPKGYDHSIYAFIKRIIPIGRVLKINNTDGNNIITFNN

>BBS22

MADDQEKLLIDEEETVQIKDLNKVTTVNDTDLLLLDDGAASSNAITFKNFLDASKDKIFKGEGLDYFKQIIKSTIAEELAADKDFVEKIYAKITDKLINNDSTNISNLFSKIKSRLTDSISSATLSRSDDLLIMPSSDTIQKTPVPKHILGVPSNFAYGRTRSTTLYPSDYENNAISINMEYNDDVTLIFSKSYDNSPVYLDIEIQVKINDNRMQKKSLKLQYSDETTYNRVYEIAGPRGLFTRIPIYKGWYVQKRASLYGDPFPDLLKL

>BBS23

MDTIKLTELLINLNEIKLIAVMIFVTVLVLGVLILLKPLLKDILTIVIGKIFKNGNGNGKNHIKKRD

>BBS24

MKLSKDNVELGLTSLSTLIDIFSKFEDEFDEIAHKGFFLVYELYSHYKLIYTANMERLESALTPAINKALAPLNEKINQCIDLVNSDEKNLKISNDLKFNQEGKPIYKERTNNAK

>BBS25

MQNNTIGLGLNLLSSLTNIAKTDTNIDHNYINTFSKVIDFFYKTYISTLKSMETAESTKIFEEIQDILKYNIEIIEAISTDKSKRIITSLKSTRNKIMKEYIKILKRGENA

>BBS26

MKMLKRLHCLLIVLLLCCTTIANLPEEPKPPIIQTLKSLAKYETQLSEYVMYLVTFLAKTKVKVNDPNYPEYPYPDLSTLKDEHSITAVKHNINIYLEYIKKTKPIAEKVYNKYSQLKM

>BBS27

MQKINLLMLFMFIISIGNLISYEIKKDEIIKVKTLIALDQGGDDHKHNINFPIKKEDKNKTLFEIIGIGLENFINQIGAENILEVKSLNHLVGFGVIVVYKEKKK

>BBS28

MQYCFCKKSTVKNLKLISEVKNVNYKKVFLARNSTLHIKISKAN

>BBS29

MTIRENFMETVSTNIASVTQEQIYKEFIRLGMEQLIAQDLSKRYYHNELTYRDLENLEKQFDIKFDNLVSKIDTVEKNLNVKIDAVKSELNTKIDNVEKNLQKDISNLDTKIDNVEKNLQKDISNLDTKIDNVEKNLQKDISNLDTKIDNVEKNLNAKIDTVEKNLNAKIDNVEKNLMSLSEMLKWVLGIMGAMSITMIAGLIFAFISK

>BBS30

MKIINILFCLFLLMLNGCNSNDNDTLKNNAQQTKRRGKRDLTQKETTQEKPKSKEELLREKLSDDQKTHLDWLKPALTGAGEFDKFLENDDDKIKSALDHIKTQLDSCNGDQAEQQKTTFKTVVTEFFKNGDIDNFATGAVSNCNNGG

>BBS31

MKTLKMNLPGIDKSLKGYGYKYQNFNEIVREIKNVIKKHNLELDIEQYPISIEGQYGIVDYIRTTFYSTSTGYEFSFDTRIPTENLQWNNENGSKVTNTVYQMFGSGITYVKRYALVAALGIESEIDTDAAPIYNNHENENSMPSKQVSVNQKQEQKREQKQEKNQLNNFNKNLKSGKAYCYEIFRDALFNIKNWVNEGEEKNNINALIRALCTDNDDALEDLFEKNAELKSIEYWVNILKKYFNKTNRFDDLNKLKVFMSDNRDVYKTKVLKFFCMLKKERQFNYIFAV

>BBS32

MDYYCLKDFPSFFSLYLYKNKYIAKTIFANFFTKIFTKRCGLSYVLLLKNLAKPISFFLVNSNIR

>BBS33

MKGFSNTTKNPTCYNKHQHKLIYLTSTVDFLNKKDKKYTQQNILYYYNKNLKRNGLAPTTLRTMQNYLYKLEKVLKVTTNYYQHMGVNCGTEIYYKLKYPKKECYQKINKYFKERKNSRFKSRVNNHFKDNVSKNSSVNSVECLSNKNNIKEERKIKEIEKYQVIKYFNKSNFLCKEILPFLLTLNVDKDTMIKIIKNTKRVENKLLKNTNLNKSCFKEKQEKLKKILNNTQKEFEQNGYNPEQLKTNLQKVYENYKFKPHFIIERHKYSDLNNIKRKLEKSIEREKQNSQQNYQNLKENIFNILIEQLKKETNIEILKPIIKKYLNNQKKIEYNKVFGIYHLELLEIIKNEKNSLTTEEFSIKAV

>BBS34

MENAPEPIETVKKGKCKVECQNKERFILIEKENGKAMYHTKIMMDIYKFGVYEKKHEFRLSLRALFNGERIVEETHLYPIKEGDKFIGIFYGYRKPIKKPLIKYQINGARKAYALARAYYMEFRFKAGSVFCYFKGLYRLLDKKRTNNHYNKVLFSMFTDLEQQVYKFYGKKYPEQGPLIKWIIKNLK

>BBS35

MDNKKPKIITIASIKGGVGKSTSAIILATLLSKNNKVLLIDMDTQASITSYFYEKIEKLGINFTKFNIYEILKENVDIDSTIINVDNNLDLIPSYLTLHNFSEDKIEHKDFLLKTSLGTLYYKYDYIVIDTNPSLDVTLKNALLCSDYVIIPMTAEKWAVESLDLFNFFVRKLNLFLPIFLIITRFKKNRTHKTLFEILKTKDRFLGTISEREDLNRRIAENNNFDLNKDYIKEYENILEIFLKKI

>BBS36

MDIKVNKRDLSDNENYIITDSVLNHYNSLKEKLKINSKKEIYCKLETLKILKEIKDNHYYRFDGYKSFEAFSKDYRLARAQVYNYLKIANAIEDGIIQEEFLIKNGILETLIVLRNKESKTIKKSKQNPIKPLRFQLKRQESYDFYKSNAKFTGFMLDKLFSDGKEIIKKLMKEYKELKG

>BBS37

MNSLTYRTYNIESIKNEFLKIGFSEEAIDFVFLHNDNYNFEFLKEKLINVEKNLQKDISNLDIKIDTVEKNLNTKIDNVEKNLNLKIDNLDSKIDTVEKNLNTKIDNVEKNLNLKMDNLDSKIDTVEKNLNTKIDNVEKNLNLKMDGLNIKIDNVEKSLNQKLSMGNRLVHFMIITAAILGPILNALFMKYLQGGK

>BBS38

MLYIYFYTNIRRKKMENLSNNNNPQENIQGDLKMISVNQQSFTGCEIIEEKSSPIKEKSKLSKIGKKLPGISSQECFRFNRNIDFSVQRNKLDKYGASEVGNILVGGAGLKDLMINRVLKYFNMRLPFEENLYMLKGKELENLGFREFVKAYGDNIDILYKNKYANGVDKYNYFKKMGSSETLVGSTIDGWFINNNGDLELLEIKSSDSNYMSSAIAEYNKNGNFLSSKYFFKYYVQAQMQLACTGLEYCNLFFLIDAAPINCKIKRDEALISKVFEFVNKCELEIINLKKDIYSNYREEYLMAHNFNEDTFIKLVEDLVERSDFYSSGVEFDWAREFIEYVDCADLEIKDNQSAENLAYDLMEIDSLQKELNRIQNENKKREKPIKDRLKMLIYNITNTYPLIEQLNYKFGEFVFTLDPKKRAISDRLKGLLPTSGTVFFPSNIAFTNSVSVPM

>BBS39

MLINKIKQDNRTLRPEIQKWGCYFLCLHYYTSLFKQREFNAYEINTAYYRFIGLGYIKSNCFIINPCMILNYYGIRSSVRYETANYLGAANEFEISEVKIDKVNGYHFISTKNKEILYDSLDLKPRGKIFKVTSKRIFKLK

>BBS40

MDNNNSFNLNNFNMDFTLKLFQEYQKLINENKILKNSLKNSSKSKKENSKPTPKFYLTPKSIKLILKCAKTLKQIDPISGWFVHLLLISGCRGTEMQKVKMQDISTFLSKTGKTLYTIKVNVAKKRNTSCIREIVINSEEFEAIQTAHKNHFQEKTLDSRRTYLFQKSKHKFKDNQIDIVHISKKFKNLLKKSGFRVNKSLHLCRNLFISNLKSNGYNSFQIKELMKYSSTNEIDNIYGLSSANKIQAYECAKKCLKL

>BBS41

MNKKMKNLIICAVFVLIISCKIDASSEDLKQNVKEKVEGFLDKELMQGDDPNNSLFNPPPVLPASSHDNTPVLKAVQAKDGGQQEGKEEKEKEIQELKDKIDKRKKELEEARKKFQEFKEQVESATGESTEKVKKQGNIGQKALKYAKELGVNGSYSVNDGTNTNDFVKKVIDDALKNIEEELEKLAEPQNIEDKK

>BBS42

MKKISLLIFLFLFVVSLSANIEENYTETKRAFSKEDFNLINKRLDNYDFKNEYEKSHVFSDAPRIRGDLRKIGIKEKSVFLDALEAIEYLIKIKISTDSIFLSEDMIRLIGSYPDSIFNYLIQLNSDKIDYAEKYGDNARNNFKKDYSEDKANTVKQILKQILADLPKD

>BBS43

MINKKNLYYFIFALFSLNANEFMRGLLNGDNNDTGSCLIRIVKIDLWSIDINKTIVNVNN

>BBS44

MLTIDKLLYYLEQQFVNFVILEDFLKKVKRSFDDYVAYFREGLLDDREIADKLGVSRVNVWRMRKKWESGENSVSDDSRLSISEDTFEHLLSQTFKSEVNARKVRSELDLERANLELGFINAFKQYSSVELFSMHTKIENLRAEIDALNKASSKKNKQVVNGEINSLKSELDEYIKECSIREMELYYECMKKLATANEAESKSNYKNSKGHK

>BBS45

MNLYQTKLFTTLQKEYKNKYGVDISQFVKLTNSSINFDKFEEKQLTLKQKNVIKSIKKNNEKKIIFSGGIASGKTYLACYLFLKSLIENKKLYSSDTNNFIIGNSQRSVEVNVLGQFEKLCKLLKIPYIPRHTNNSYILIDSLRINLYGGDKASDFERFRGSNSALIFVNEATTLHKQTLEEVLKRLRCGQETIIFDTNPDHPEHYFKTDYIDNIATFKTYNFTTYDNVLLSKGFIETQEKLYKDIPSYKARVLLGEWIASTDSIFTQINITDDYVFTSPIAYLDPAFSVGGDNTALCVMERVDDKYYAFVFQDQRPANDPYIMNMVKTVIENFNVHTLYLEDRDNTKGAGGLTREYILLRNNISQYFRIVPVKPKSNKFSRITTLITPFTYKKLYITKYSSSSVFNDIYSYKGDSKTHDDALDAMSAAYLMLSLGYRERSVHFGNQRFL

>BBT01

MGNYQYFFNLFFIFKIIFIYLYIMYKAIKEQQEIEIDHACRILILTATIFEINSIFENYYQKTLLKKYNENLKNKNLPPSNISTMKKYLNQLEKEIKIIAKFYFKNDQSLIYCKLNYTLEKICLKLIKFYKKFYKELKQFTQKNITT

>BBT02

MEKSLKEILGMNSKNKLSSHLIILIYTLNNINLNLNIEYYNRGFIRRAFTFNVDRYCNTSKDIEIDIDLLIKYLDILENNLKIIANKYKVEKNIFKLYYIINYPLKICYTKIRNYYK

>BBT03

MNGIINDTLVARITKQIKFAKNKLIILVKTLDHMNQELFYSENKDYTHLLIKSKFNLALAKTTQHEVNYKTLLEYLEILEKNPKVIVKCPTNKENESFIGRYTLLYPLEVCCTKIYNLHPNI

>BBT04

MNSKTTNKTNRNCYNKVQHKLIVLISTICYLNKTHKKYTQKTILYYFNENLRKNGQTISTLRTMQKYIYRLQKEIKVTTNYYQHMGVNSGTEIYYKLNYPKKDCYHKINQHFKEKKEERYQNRVANYFNKNSDSKMGSVQLGECNNNNNNIKEERKINEIEKYQVIKYFNKCDFSCKEILPVLLTLNIDKENIIKIIKILKITEINSKNKNIRPTKSCIKKKQEKLKGILCNTQKELEENGYNPKQLEINFQKIYENYKYKPHFIIENHKYSDLNNIKRKLEKSIERKKENSQQDYENLKINVFNILIEQLKKETNIEILKPIIKEYLNNQKKIKYNKIFGIYYLELLEIIKNRKHDLNLEKFSKKVV

>BBT06

MIKTPIISEDQFKIALKLIKMGEIIVFPTDTVYAIGANIYDEYAVRMINLVKKKSINEPLMLYVDTIEKIKELSSHVPKSAKILMEKFSPGPLTYVLKKSIKIPKFINNNLDTVAIRIPKNKTALNLIRKLKNPLVVSSANLSKRPSSTSFSMALKELNGLVGGIIMPKKNKDSNIGIESTIIEFDSKDNVIILRPGAITKKMIEKVLGSRYKVNYAKETKIDLKKMFSYRLRIPVHTFKRGDNIRKYLKTNTKVLITRDTFKFYFFSFLWDKKNIILFDSLIEYAENLYKELVNAEEKYDQVIVEIVENEELGYAINNRIVKASSNNFM

>BBT07

MENIFEYLKLNAVEICVLKDIKKVIYKFYESILDIENDAETINILSPXKSQNILNEFFFNLGPKKSKELINLFRKIKVKLGDNVFENKVFIFYLCLDDVDFFKLLYVLDKSNFDDYLILIYEKFLAIRKDLKLILNNYGSNNL

>BBU01

MENYQYFFNLFFIFKIIFIYLYIMYKSVKEQQEKGIDHTCRILILTETIFEINLILENYSQKTLLKKYNENLKNKNLPPSNISTMKKYLNQLEKEIKIIAKFYFKNDQSLIYYKLNYTLEKIWLKLIELFYKELKQFIQKNTTT

>BBU02

MDGVINDTLVARMKKQIKFNKNKLIILVKTLDHMNKELLYSANKTYNYVLIQNNFNEALAKTYQLRVNYKTLLEYLEILEKNPKVILKRPTNKENESFIGLYTLLYPLEDCCTKIYNSHPNI

>BBU03

MVYYKLVRLYARIDVIISNEVGLREISLKEIVLSPIHLV

>BBU04

MLISFVKESLPMHKIKTTNNNPRNCYNKVQYKLIVLISTICYLNKTHKKYTQKTILYYFNENLRKNGQTISTLRTMQKYIYRLQKEIKVTTNYYQHMGVNSGTEIYYKLNYPKKDCYHKINQHFKEKKETRFQNRVTNYFNKNSDSKMGSVQCESCNSNKNNIKEERKINEIEKYQVINYFNKCNFSCKEILSILLNLNVDKDTMIKIIKTIKRTDIKAKNKNIYFPKSCSKEKQEKLKKILCNTQKELEKSGYNSEQLETNFQKIYENYKYKPHFIIENHKYSDLSYIKRKLEKSIERKKENSKQDYKNLRTNIFNILIEQLKKETNIEILKPIIKEYLNNQKKIEYKKVFRIYYSELLEIINGKHYSNLKKFRKKSVG

>BBU05

MNKKPNILTIASLKGGVGKSTLTILFSYLLKDLGKKILIVDMDPQNSITSYFSNYVHNVEIYNTYSMLKGGVSFNNCVGKINDHIFIIPAHPILENFNLEPIDYKEIVLELRIEQNISAYEFDYILLDTPPHRDFLVKNALNITDHIIIPVQVERWSIESFTILMNMIENFQIIKKKIYTTSIVENQFIKNRNTLKDIERLLYEKYGSYVKGKIHFSNGIKVFINELIEPSSEESYYKEAKKTLHNILGYINHKNKYFIKNK

>BBU06

MEDIYMSKKNKKKLFLNDRIEHNIIDNLSNLDTNLDKNLMVYKDLKEQLKLNLSNEIDTKIQRMRILYEIKTRKLYKYDGFKSFSQYLKTFVVAKTQAFFYLKLYSKILEGSISIDTIKELGFENIKKHIFKKKSFDFNNNNKSKLDNKNISIRIFMRDKELYEFVKQDIKRASYIFKELFQNRKDVLTDIVTKYDNERN

>BBU07

MIEILKTIKRTEIKAKNKNIHFTKSCSKEKQEKLKEILCNTQKELEKSGCNSEQLETNFQKIYENYKYKPHFIIENHKYSDLSYIKRKLEKSIEIKKENPQKDYESLKINIFHIFIEQLKKEINIETLKPLVKEYLNNQKKIKYTKVFDTYYTR

>BBU08

MIHITRGDNIKKYLNSHTKVLITKDTFKSYFFRFLWDKKNIVIFDILKVYAQNLYKELINSEKTYNQVVVEIVENKELGYSINHRIIKVSSSKSIYY

>BBU09

MGIFYFQKECKTMSKAVDEIYCHSCGKTIKKDAEICISCGVRNKQTENYNKLVVFLLCLFLGYLGVHRFYVGKIGTGMLYLFTFGFLYVGALIDLIRIATNKFECK

>BBU10

MVFLIEQLKKETNIEILKPIIKEYLNNQKKIKYNKIFGIYYLELLEIIKNRKHDLNLEKFSKKVV

>BBU11

MIKTPIISEDQFKIALKLIKMGEIIVFPTDTVYAIGANIYDEYAVRMINLVKKKSINEPLMLYVDTIEKIKELSSHVPKSAKILMEKFSPGPLTYVLKKSIKIPKFINNNLDTVAIRIPKNKTALNLIRKLKNPLVVSSANLSKRPSSTSFSMALKELNGLVGGIIMPKKNKDSNIGIESTIIEFDSKDNVIILRPGAITKKMIEKVLGSRYKVNYAKETKIDLKKMFSYRLRIPVHTFKRGDNIRKYLKTNTKVLITRDTFKFYFFSFLWDKKNIILFDSLIEYAENLYKELVNAEEKYDQVIVEIVENEELGYAINNRIVKASSNNFM